

Table S1: Mammary gland (tumors and controls) used for histopathological and RPPA analyses.

Mouse #	Genotype	Gross aspect of gland	Histopathological analysis						Lung metastases	RPPA (Tumor #)
			Tumor state	Grade	Necrosis	Prolif. status	ER/PR/HER2 scoring	Met		
669 201	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	0	nd	Yes	Yes (T1)
669 352	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	+	nd	0	nd	Yes	Yes (T2)
669 713	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	0	nd	_	Yes (T3)
669 163	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	0	nd	_	Yes (T4)
669 789	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	0	nd	Yes	Yes (T5)
669 722	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	0	nd	Yes	Yes (T6)
669 175	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	0	nd	_	Yes (T7)
669 715	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	0	nd	_	Yes (T8)
671 802 (Tumor A)	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	+	3	0	+	_	Yes (T9)
671 607	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	+	3	0	+	_	Yes (T10)
671 662	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	++	2	0	+	_	Yes (T11)
671 670	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	+(+)	3	0	+	Yes	Yes (T12)
671 975	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	2	_	1	0	+	_	Yes (T13)
672 961	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	++	3	0	+	_	Yes (T14)
671 711	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	++	2	0	+	_	Yes (T15)
672 046	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	_	2	0	+	_	Yes (T16)
671 893	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	_	2	0	+	Yes	Yes (T17)
672 867	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	+	2	0	+	_	Yes (T18)
672 790	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	2	_	2	0	+	_	Yes (T19)
672 955	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	2-3	+	2	0	+	_	Yes (T20)
672 941	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	_	2	0	+	_	Yes (T23)

672 876	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	nd	nd	nd	nd	nd	nd	nd	–	Yes (T21)
672 302	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	nd	nd	nd	nd	nd	nd	nd	–	Yes (T22)
672 870	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	nd	nd	nd	nd	nd	nd	nd	–	Yes (T24)
671 509	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	+	2	0	+	–	–	–
671 802 (Tumor B)	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	–	1	0	+	–	–	–
672 802	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	3	+	2	0	+	–	–	–
669 527	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	nd	nd	nd	–	–
669 355	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	nd	nd	nd	–	–
669 717	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	nd	nd	nd	–	–
669 854	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	carcinoma	nd	nd	nd	nd	nd	nd	–	–
671 720	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	nd	nd	nd	nd	nd	nd	nd	–	–
672 246	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Tumour	nd	nd	nd	nd	nd	nd	nd	–	–
671 594	<i>MMTV</i>	Normal	–	nd	–	nd	nd	–	–	–	Yes (N1)
671 600	<i>MMTV</i>	Normal	–	nd	–	nd	nd	–	–	–	Yes (N2)
672 603	<i>MMTV-R26^{Met}</i>	Normal	–	nd	–	nd	nd	nd	–	–	Yes (N3)

Table S2: Antibodies used for RPPA analysis of *MMTV-R26^{Met}* tumors and cells

#	Official Ab Name	Ab Name Reported on Dataset	Gene Name	Company	Catalog #	Species	RPPA Dilution
1	14-3-3 beta	14-3-3-beta	YWHAB	Santa Cruz	sc-628	Rabbit	1:75
2	14-3-3 epsilon	14-3-3-epsilon	YWHAE	Santa Cruz	SC-23957	Mouse	1:50
3	14-3-3 zeta	14-3-3-zeta	YWHAZ	Santa Cruz	sc-1019	Rabbit	1:5000
4	4E-BP1	4E-BP1	EIF4EBP1	CST	9452	Rabbit	1:100
5	4E-BP1 (phospho S65)	4E-BP1_pS65	EIF4EBP1	CST	9456	Rabbit	1:250
6	4E-BP1 (phospho T37/46)	4E-BP1-pT37-T46	EIF4EBP1	CST	9459	Rabbit	1:2000
7	53BP1	53BP1	TP53BP1	CST	4937	Rabbit	1:300
8	A1Up	UBQLN4	UBQLN4	Santa Cruz	sc-136145	Mouse	1:125
9	Acetyl-CoA-Carboxylase	ACC1	ACACA, B	Epitomics/ Abcam	1768-1/ ab45174	Rabbit	1:1500
10	Acetyl-CoA-Carboxylase (phospho S79)	ACC_pS79	ACACA, B	CST	3661	Rabbit	1:500
11	ACSL1 (D2H5)	ACSL1	ACSL1	CST	9189	Rabbit	1:500
12	ACVRL1	ACVRL1	ACVRL1	Epitomics/ Abcam	2940-1/ ab108207	Rabbit	1:30
13	ADAR1	ADAR1	ADAR	Abcam	ab88574	Mouse	1:100
14	Akt	Akt	AKT1, 2, 3	CST	4691	Rabbit	1:7500
15	Akt (phospho S473)	Akt_pS473	AKT1, 2, 3	CST	9271	Rabbit	1:150
16	Akt (phospho T308)	Akt_pT308	AKT1, 2, 3	CST	2965	Rabbit	1:250
17	Akt1	Akt1	AKT1	CST	2938	Rabbit	1:1000
18	Akt1 (phospho S473)	Akt1_pS473	AKT1	CST	9018	Rabbit	1:1000
19	Akt2	Akt2	AKT2	CST	3063	Rabbit	1:3000
20	Akt2 (phospho S474)	Akt2_pS474	AKT2	CST	8599	Rabbit	1:1000
21	Ambra1 (phospho S52)	Ambra1_pS52	AMBRA1	Millipore	ABC80	Rabbit	1:250
22	AMPK alpha 2 (phospho S345)	AMPK-a2_pS345	PRKAA1, 2	Abcam	ab129081	Rabbit	1:200
23	AMPKa	AMPKa	PRKAA1, 2	CST	2532	Rabbit	1:75

24	AMPKa (phospho T172)	AMPKa_pT172	PRKAA1, 2	CST	2535	Rabbit	1:100
25	Androgen Receptor (D6F11)	AR	AR	CST	5153	Rabbit	1:250
26	Annexin I	Annexin-I	ANXA1	BD Biosciences	610066	Mouse	1:5000
27	Annexin VII	Annexin-VII	ANXA7	BD Biosciences	610668	Mouse	1:20
28	A-Raf	A-Raf	ARAF	CST	4432	Rabbit	1:200
29	A-Raf (phospho S299)	A-Raf_pS299	ARAF	CST	4431	Rabbit	1:25
30	ARID1A	ARID1A	ARID1A	Sigma-Aldrich	HPA005456	Rabbit	1:1000
31	ASNS	ASNS	ASNS	Sigma-Aldrich	HPA029318	Rabbit	1:500
32	Atg3	Atg3	ATG3	CST	3415	Rabbit	1:72
33	Atg4B	Atg4B	ATG4B	CST	13507	Rabbit	1:200
34	Atg5	Atg5	ATG5	CST	12994	Rabbit	1:1000
35	Atg7	Atg7	ATG7	CST	8558	Rabbit	1:1000
36	ATM	ATM	ATM	CST	2873	Rabbit	1:250
37	ATM (phospho S1981)	ATM_pS1981	ATM	CST	5883	Rabbit	1:20
38	ATP5A	ATP5A	ATP5A	Abcam	ab14748	Mouse	1:500
39	ATP5H	ATP5H	ATP5H	Abcam	ab110275	Mouse	1:30
40	ATR	ATR	ATR	CST	2790	Rabbit	1:30
41	ATR (phospho S428)	ATR_pS428	ATR	Abcam	ab178407	Rabbit	1:1000
42	ATRX	ATRX	ATRX	Abcam	ab97508	Rabbit	1:300
43	Aurora B/AIM1	Aurora-B	AURKB	CST	3094	Rabbit	1:38
44	Axl	Axl	AXL	CST	8661	Rabbit	1:500
45	B7-H3	B7-H3	CD276	CST	14058	Rabbit	1:200
46	B7-H4	B7-H4	VTCN1	CST	14572	Rabbit	1:50
47	Bad (phospho S112)	Bad_pS112	BAD	CST	9291	Rabbit	1:50
48	Bak	Bak	BAK1	Epitomics/ Abcam	1542-1/ ab32371	Rabbit	1:400
49	BAP1	BAP1	BAP1	Santa Cruz	sc-28383	Mouse	1:200
50	Bax	Bax	BAX	CST	2772	Rabbit	1:100
51	b-Catenin	b-Catenin	CTNNB1	CST	9562	Rabbit	1:1500
52	Bcl2	Bcl2	BCL2	Dako	M0887	Mouse	1:50
53	Bcl2A1	Bcl2A1	BCL2A1	Abnova	PAB8528	Rabbit	1:250
54	Bcl-xL	Bcl-xL	BCL2L1	CST	2762	Rabbit	1:100

55	Beclin 1	Beclin	BECN1	ThermoFisher	PA1-16857	Rabbit	1:500
56	beta Actin	b-Actin	ACTB	CST	4970	Rabbit	1:50
57	beta Catenin (phospho T41/S45)	b-Catenin_pT41_S45	CTNNB1	CST	9565	Rabbit	1:30
58	Bid	Bid	BID	CST	2002	Rabbit	1:500
59	Bim (C34C5)	Bim	BCL2L11	Epitomics/ Abcam	1036-1/ ab32158	Rabbit	1:400
60	BiP/GRP78	BiP-GRP78	HSPA5	BD Biosciences	610978	Mouse	1:150
61	BMK1/Erk5 (phospho T218/Y220)	BMK1- Erk5_pT218_Y220	MAPK7	Millipore	07-507	Rabbit	1:500
62	B-Raf	B-Raf	BRAF	CST	14814	Rabbit	1:500
63	B-Raf (phospho S445)	B-Raf_pS445	BRAF	CST	2696	Rabbit	1:75
64	BRD4	BRD4	BRD4	CST	13440	Rabbit	1:1000
65	CA9 (CAIX)	CA9	CA9	CST	5649	Rabbit	1:200
66	c-Abl	c-Abl	ABL1	CST	2862	Rabbit	1:100
67	c-Abl (phospho Y412)	Abl_pY412	ABL1	CST	2865	Rabbit	1:200
68	Caspase 3 (cleaved asp175)	Caspase-3-cleaved	CASP3	CST	9661	Rabbit	1:500
69	Caspase 7 (cleaved)	Caspase-7-cleaved	CASP7	CST	9491	Rabbit	1:60
70	Caspase 8	Caspase-8	CASP8	CST	9746	Mouse	1:150
71	Caspase 8 (cleaved asp391)	Caspase-8-cleaved	CASP8	CST	9496	Rabbit	1:500
72	Caspase-3	Caspase-3	CASP3	Epitomics/ Abcam	1476-1/ ab32042	Rabbit	1:250
73	Caveolin 1	Caveolin-1	CAV1	CST	3238	Rabbit	1:3000
74	CD134/OX40	CD134	TNFRSF	Abcam	ab76000	Rabbit	1:100
75	CD171 (L1)	CD171	L1CAM	Biologend	826701	Mouse	1:1000
76	CD20	CD20	MS4A1	Epitomics/ Abcam	1632-1/ ab78237	Rabbit	1:75
77	CD26	CD26	DPP4	Abcam	ab28340	Rabbit	1:1000
78	CD29	CD29	ITGB1	BD Biosciences	610467	Mouse	1:30
79	CD31	CD31	PECAM1	Dako/ Fisher	M0823/ MS353S	Mouse	1:25
80	CD38	CD38	CD38	Abcam	ab108403	Rabbit	1:250
81	CD4	CD4	CD4	Abcam	ab133616	Rabbit	1:500

82	CD44	CD44	CD44	CST	3570	Mouse	1:20
83	CD45	CD45	CD45	DAKO/ ThermoFisher	M070129-2/ MS355P	Mouse	1:1000
84	CD49b	CD49b	ITGA2	BD Biosciences	611016	Mouse	1:50
85	CD86	CD86	CD86	Abcam	ab53004	Rabbit	
86	Cdc2 (phospho Y15)	cdc2_pY15	CDK	CST	4539	Rabbit	1:38
87	cdc25C	cdc25C	CDC25C	CST	4688	Rabbit	1:250
88	CDK1/2/3 (phospho T14)	CDK1_pT14	CDK1, 2, 3	Abcam	ab32384	Rabbit	1:1000
89	CDKN2A/p16INK4 a	p16INK4a	CDKN2A	Abcam	ab81278	Rabbit	1:500
90	Chk1	Chk1	CHEK	CST	2360	Mouse	1:100
91	Chk1 (phospho S296)	Chk1_pS296	CHEK1	Abcam	ab79758	Rabbit	1:125
92	Chk1 (phospho S345)	Chk1_pS345	CHEK1	CST	2348	Rabbit	1:30
93	Chk2	Chk2	CHEK2	CST	3440	Mouse	1:50
94	Chk2 (phospho T68)	Chk2_pT68	CHEK2	CST	2197	Rabbit	1:250
95	c-IAP2	c-IAP2	BIRC3	CST	3130	Rabbit	1:50
96	CIITA	CIITA	CIITA	CST	3793	Rabbit	1:250
97	c-Jun (phospho S73)	c-Jun_pS73	JUN	CST	9164	Rabbit	1:30
98	c-Kit	c-Kit	KIT	Epitomics/ Abcam	1522-1/ ab32363	Rabbit	1:250
99	Claudin 7	Claudin-7	CLDN7	Abcam	ab79481	Rabbit	1:250
100	c-Myc	c-Myc	MYC	Santa Cruz	sc-764	Rabbit	1:250
101	COG3	COG3	COG3	ProteinTech	11130-1-AP	Rabbit	1:750
102	Collagen- VI/COL6A1	Collagen-VI	COL6A1	Santa Cruz	sc-20649	Rabbit	1:6000
103	Complex II Subunit	Complex-II- Subunit	SDHB	Life Technologies	459230	Mouse	1:200
104	Connexin 43	Connexin-43	GJA1	CST	3512	Rabbit	1:150
105	Coup-TFII	Coup-TFII	NR2F2	CST	6434	Rabbit	1:50
106	Cox2	Cox2	PTGS2	CST	4842	Rabbit	1:75
107	Cox-IV	Cox-IV	COX4I1	CST	4850	Rabbit	1:5000
108	C-Raf	C-Raf	RAF1	Millipore	04-739	Rabbit	1:100
109	C-Raf (phospho S338)	C-Raf_pS338	RAF1	CST	9427	Rabbit	1:200

110	Creb	Creb	CREB1	CST	9197	Rabbit	1:75
111	CSK	CSK	CSK	CST	4980	Rabbit	1:300
112	CtIP	CtIP	RBBP8	CST	9201	Rabbit	1:500
113	Cyclin B1	Cyclin B1	CCNB1	Epitomics/ Abcam	1495-1/ ab32053	Rabbit	1:1500
114	Cyclin D1	Cyclin-D1	CCND1	Millipore Sigma	SAB4502603	Rabbit	1:200
115	Cyclin D3	Cyclin D3	CCND3	CST	2936	Mouse	1:1000
116	Cyclin E1	Cyclin E1	CCNE1	Santa Cruz	sc-247	Mouse	1:25
117	Cyclophilin-F	Cyclophilin-F	PPIF	Abcam	MSA04/ ab110324	Mouse	1:50000
118	Cytokeratin 19	Cytokeratin-19	KRT19	Dako	M0888	Mouse	1:50
119	DAP Kinase 1 (phospho S308)	DAPK1_pS308	DAPK1	GeneTex	GTX10524	Mouse	1:200
120	DAP Kinase 2	DAPK2	DAPK2	Abcam	ab51601	Rabbit	1:250
121	DDB-1	DDB-1	DDB1	CST	6998	Rabbit	1:5000
122	Detyrosinated alpha-Tubulin	D-a-Tubulin	TUBA4A, TUBA3C	Abcam	ab48389	Rabbit	1:1500
123	Di-Methyl- Histone H3 (Lys4/C64G9)	DM-Histone-H3	HIST1H3A	CST	9725	Rabbit	1:100
124	Dimethyl-K9 Histone H3	DM-K9-Histone-H3	HIST3H3	Abcam	ab1220	Mouse	1:250
125	DNA Ligase IV	DNA-Ligase-IV	LIG4	CST	14649	Rabbit	1:1000
126	DNA Polymerase gamma (D1Y6R)	POLG	POLG	CST	13609	Rabbit	1:500
127	DNMT1 (D63A6)	DNMT1	DNMT1	CST	5032	Rabbit	1:500
128	DRP1 (D8H5)	DRP1	DNM1L	CST	5391	Rabbit	1:1000
129	DUSP4/MKP2	DUSP4	DUSP4	CST	5149	Rabbit	1:150
130	DUSP6	DUSP6	DUSP6	Abcam	ab76310	Rabbit	1:750
131	Dvl3	Dvl3	DVL3	CST	3218	Rabbit	1:30
132	E2F1	E2F1	E2F1	Santa Cruz	sc-251	Mouse	1:20
133	E-Cadherin	E-Cadherin	CDH1	CST	3195	Rabbit	1:150
134	eEF2	eEF2	EEF2	CST	2332	Rabbit	1:50
135	eEF2K	eEF2K	EEF2K	CST	3692	Rabbit	1:50
136	EGFR	EGFR	EGFR	CST	2232	Rabbit	1:75
137	EGFR (phospho Y1173)	EGFR_pY1173	EGFR	Epitomics/ Abcam	1124-1/ ab32578	Rabbit	1:300
138	eIF4E	eIF4E	EIF4E	CST	9742	Rabbit	1:75
139	eIF4E (phospho S209)	eIF4E_pS209	EIF4E	Abcam	ab76256	Rabbit	1:250

140	eIF4G	eIF4G	EIF4G1	CST	2498	Rabbit	1:1000
141	Elk1 (phospho S383)	Elk1_pS383	ELK1	CST	9181	Rabbit	1:50
142	Enolase-2 (D20H2)	Enolase-2	ENO2	CST	8171	Rabbit	1:250
143	ENY2	ENY2	ENY2	GeneTex	GTX629542	Mouse	1:500
144	Eph Receptor A2	EPHA2	EPHA2	Abcam	ab133501	Rabbit	1:1000
145	Epithelial Membrane Antigen	EMA	MUC1	DAKO	M061329-2	Mouse	1:750
146	ErbB3/HER3	HER3	ERBB3	Santa Cruz	sc-285	Rabbit	1:300
147	ErbB3/HER3 (phospho Y1289)	HER3_pY1289	ERBB3	CST	4791	Rabbit	1:50
148	ERCC1	ERCC1	ERCC1	Santa Cruz	sc-17809	Mouse	1:38
149	Erk5	Erk5	MAPK7	CST	3552	Rabbit	1:500
150	ERRalpha (E1G1J)	ERRalpha	ESRRA	CST	13826	Rabbit	1:500
151	ERRFI1/MIG6	MIG6	ERRFI1	Sigma-Aldrich	WH0054206 M1	Mouse	1:50
152	Estrogen Receptor	ER	ESR1	Lab Vision	RM-9101	Rabbit	1:40
153	Estrogen Receptor alpha	ER-a	ERSA	CST	13258	Rabbit	1:500
154	Estrogen Receptor alpha (phospho S118)	ER-a_pS118	ESR1	Epitomics/ Abcam	1091-1/ ab32396	Rabbit	1:500
155	Ets-1	Ets-1	ETS1	Bethyl	A303-501A	Rabbit	1:100
156	FAK	FAK	PTK2	Epitomics/ Abcam	1700-1/ ab40794	Rabbit	1:1000
157	FAK (phospho Y397)	FAK_pY397	PTK2	CST	3283	Rabbit	1:25
158	Fatty Acid Synthase	FASN	FASN	CST	3180	Rabbit	1:1000
159	FGF-basic	FGF-basic	FGF2	VWR	10775-082 (500-P18)	Rabbit	1:1000
160	Fibronectin	Fibronectin	FN1	Epitomics	1574-1	Rabbit	1:10000
161	FoxM1	FOXO1	FOXO1	CST	5436	Rabbit	1:30
162	FoxO3a	FoxO3a	FOXO3	CST	2497	Rabbit	1:20
163	FoxO3a (phospho S318/S321)	FoxO3a_pS318_S321	FOXO3	CST	9465	Rabbit	1:30
164	FRS2-a (phospho Y196)	FRS2-a_pY196	FRS2	CST	3864	Rabbit	1:100
165	G6PD	G6PD	G6PD	Santa Cruz	sc-373887	Mouse	1:75

166	Gab2	Gab2	GAB2	CST	3239	Rabbit	1:300
167	GAPDH	GAPDH	GAPDH	Ambion/ Invitrogen	AM4300	Mouse	1:75000
168	GATA3	GATA3	GATA3	BD Biosciences	558686	Mouse	1:150
169	GATA6	GATA6	GATA6	CST	5851	Rabbit	1:200
170	GCLC	GCLC	GCLC	Proteintech Group	12601-1-AP	Rabbit	1:500
171	GCLM	GCLM	GCLM	Abcam	ab124827	Rabbit	1:500
172	GCN5L2	GCN5L2	KAT2A	CST	3305	Rabbit	1:30
173	Gli1	Gli1	GLI1	CST	3538	Rabbit	1:3000
174	Gli3	Gli3	GLI3	Abcam	ab69838	Rabbit	1:1000
175	Glucose-6 Phosphate Dehydrogenase	G6PD	G6PD	CST	8866	Rabbit	1:30
176	Glutamate Dehydrogenase1/ 2	Glutamate-D1-2	GLUD1	Novus	NBP2-16679	Rabbit	1:500
177	Glutaminase	Glutaminase	GLS	Abcam	ab156876	Rabbit	1:150
178	Glycogen Synthase	Gys	GYS1	CST	3886	Rabbit	1:2000
179	Glycogen Synthase (phospho S641)	Gys_pS641	GYS1	CST	3891	Rabbit	1:300
180	GPBB	GPBB	PYGM	Novus	NBP1-32799	Rabbit	1:200
181	Granzyme B	Granzyme-B	GZMB	CST	4275	Rabbit	1:500
182	GRB7	GRB7	GRB7	Abcam	ab183737	Rabbit	1:500
183	Grp75 (D13H4)	Grp75	HSPA9	CST	3593	Rabbit	1:250
184	GSK-3alpha/beta	GSK-3a-b	GSK3A, B	Santa Cruz	sc-7291	Mouse	1:750
185	GSK-3alpha/beta (phospho S21/S9)	GSK-3a-b_pS21_S9	GSK3A, B	CST	9331	Rabbit	1:200
186	GSK-3B	GSK-3B	GSK3B	CST	9315	Rabbit	1:750
187	GSK-3beta (phospho S9)	GSK-3b_pS9	GSK3B	CST	5558	Rabbit	1:250
188	H2AX (phospho S140)	H2AX_pS140	H2AFX	Pierce Biotechnolog y	MA12022	Mouse	1:100
189	Hamartin/TSC1	TSC1	TSC1	CST	4906	Rabbit	1:200
190	HER2	HER2	ERBB2	Lab Vision	MS-325-P1	Mouse	1:300
191	HER2 (phospho Y1248)	HER2_pY1248	ERBB2	R&D systems	AF1768	Rabbit	1:1500
192	Heregulin	Heregulin	NRG1	CST	2573	Rabbit	01:30

193	HES1	HES1	HES1	CST	11988	Rabbit	1:500
194	Hexokinase II	Hexokinase II	HK2	CST	2106	Rabbit	1:100
195	Hif-1-alpha	Hif-1-alpha	HIF1A	BD Biosciences	610958	Mouse	1:20
196	Histone H3	Histone H3	HIST3H3	Abcam	ab1791	Rabbit	1:5000
197	HLA-DQA1	HLA-DQA1	HLA-DQA1	Abcam	ab128959	Rabbit	1:3000
198	HLA-DR/DP/DQ/DX	HLA-DR-DP-DQ-DX	HLA-DRA	Santa Cruz	sc-53302	Mouse	1:250
199	HMHA1	HMHA1	HMHA1	ProteinTech	14832-1-AP	Rabbit	1:3000
200	HSP27	HSP27	HSBP1	CST	2402	Mouse	1:75
201	HSP27 (phospho S82)	HSP27_pS82	HSBP1	CST	2401	Rabbit	1:75
202	HSP60	HSP60	HSP60	CST	12165	Rabbit	1:1000
203	HSP70	HSP70	HSPA1A	CST	4872	Rabbit	1:50
204	Hsp75/TRAP1	TRAP1	TRAP1	BD Biosciences	612344	Mouse	1:750
205	IDO	IDO	IDO1	CST	86630	Rabbit	1:200
206	IGF1R (phospho Y1135/Y1136)	IGF1R_pY1135_Y1136	IGF1R, INSR	CST	3024	Rabbit	1:30
207	IGF-1Receptor beta	IGF1R-b	IGF1R	CST	3018	Rabbit	1:50
208	IGFBP2	IGFBP2	IGFBP2	CST	3922	Rabbit	1:50
209	IGFBP3	IGFBP3	IGFBP3	BD Biosciences	611504	Mouse	1:1000
210	IGFRb	IGFRb	IGF1R	CST	3027	Rabbit	1:250
211	IL-6	IL-6	IL6	CST	12153	Rabbit	1:250
212	INPP4b	INPP4b	INPP4B	CST	4039	Rabbit	01:30
213	Insulin Receptor beta	IR-b	INSR	CST	3025	Rabbit	1:100
214	IRF-1	IRF-1	IRF1	CST	8478	Rabbit	1:250
215	IRS1	IRS1	IRS1	Millipore	06-248	Rabbit	1:250
216	IRS2	IRS2	IRS2	CST	4502	Rabbit	1:100
217	JAB1	JAB1	COPS5	Santa Cruz	sc-13157	Mouse	1:30
218	Jagged1	Jagged1	JAG1	Abcam	ab109536	Rabbit	01:50
219	Jak2	Jak2	JAK2	CST	3230	Rabbit	1:750
220	JNK (phospho T183/Y185)	JNK_pT183_Y185	MAPK8	CST	4668	Rabbit	01:30
221	JNK2	JNK2	MAPK9	CST	4672	Rabbit	1:25
222	KAP1	KAP1	TRIM28	Abcam	ab10484	Rabbit	1:2000
223	KMT3A/HYPB/HIF-1	SETD2	SETD2	abcam	ab184190	Rabbit	1:1000

224	LAD1	LAD1	LAD1	Atlas	HPA028732	Rabbit	1:500
225	Lasu1/Ureb1	Lasu1	HUWE1	Bethyl	IHC-00439	Rabbit	1:1000
226	LC3A/B	LC3A-B	MAP1LC3A, B	CST	4108	Rabbit	1:250
227	Lck	Lck	LCK	CST	2752	Rabbit	1:75
228	LDHA	LDHA	LDHA	CST	3582	Rabbit	1:250
229	LRP6 (phospho S1490)	LRP6_pS1490	LRP6	CST	2568	Rabbit	1:250
230	MAPK (phospho T202/Y204)	MAPK_pT202/Y20 4	MAPK1, 3	CST	4377	Rabbit	1:25
231	Mcl-1	Mcl-1	MCL1	CST	5453	Rabbit	1:100
232	MDM2 (phospho S166)	MDM2_pS166	MDM2	CST	3521	Rabbit	1:60
233	MEK1	MEK1	MAP2K1	Epitomics/ Abcam	1235-1/ ab32576	Rabbit	1:1500
234	MEK1 (phospho S217/S221)	MEK1_p_S217/ S221	MAP2K1, 2	CST	9154	Rabbit	1:50
235	MEK2	MEK2	MAP2K2	CST	9125	Rabbit	1:50
236	MelanA	MelanA	MLANA	Abcam	ab51061	Rabbit	1:500
237	Melanoma gp100	Melan-gp100	PMEL	Abcam	ab137078	Rabbit	1:500
238	MERIT40	MERIT40	MERIT40	CST	12711	Rabbit	1:3000
239	MERIT40 (phospho S29)	MERIT40_pS29	BABAM1	CST	12110	Rabbit	1:300
240	Merlin/NF2	Merlin	NF2	Novus	22710002	Rabbit	1:250
241	MIF	MIF	MIF	Santa Cruz	sc-130329	Rabbit	1:100
242	MITF (D5G7V)	MITF	MITF	CST	12590	Rabbit	1:500
243	Mitofusin-1	Mitofusin-1	MFN1	CST	14739	Rabbit	1:500
244	Mitofusin-2	Mitofusin-2	MFN2	CST	11925	Rabbit	1:1000
245	MLH1 (4C9C7)	MLH1	MLH1	CST	3515	Mouse	1:500
246	MLKL	MLKL	MLKL	CST	14993	Rabbit	1:1000
247	MMP2	MMP2	MMP2	CST	4022	Rabbit	1:75
248	Mnk1	Mnk1	MKNK1	CST	2195	Rabbit	1:750
249	Monocarboxylic Acid Transporter 4	MCT4	SLC16A4	Millipore	AB3314P	Rabbit	1:500
250	MR1	MR1	MR1	Santa Cruz	sc-377312	Mouse	1:500
251	MRAP	MRAP	MRAP	Abcam	ab103319	Rabbit	1:500
252	MSH2 (D24B5)	MSH2	MSH2	CST	2017	Rabbit	1:750
253	MSH6	MSH6	MSH6	Novus	22030002	Rabbit	1:1000
254	MSI2 (EP1305Y)	MSI2	MSI2	Abcam	ab76148	Rabbit	1:1000

255	MTCO1	MTCO1	MTCO1	Abcam	ab14705	Mouse	1:500
256	mTOR	mTOR	MTOR	CST	2983	Rabbit	1:3000
257	mTOR (phospho S2448)	mTOR_pS2448	MTOR	CST	2971	Rabbit	1:50
258	MTSS1	MTSS1	MTSS1	Novus	H00009788-M01A	Mouse	1:250
259	Myosin Heavy Chain 11	Myosin-11	MYH11	Novus	21370002	Rabbit	1:1000
260	Myosin IIa	Myosin-IIa	MYH9	CST	3403	Rabbit	1:1000
261	Myosin IIa (phospho S1943)	Myosin-IIa_pS1943	MYH9	CST	5026	Rabbit	1:750
262	Myt1	Myt1	PKMYT1	CST	4282	Rabbit	1:100
263	NAPSIN-A	NAPSIN-A	NAPSA	Epitomics/ Abcam	5795-1/ ab129189	Rabbit	1:150
264	N-Cadherin	N-Cadherin	CDH2	CST	4061	Rabbit	1:25
265	NDRG1 (phospho T346)	NDRG1_pT346	NDRG1	CST	3217	Rabbit	01:50
266	NDUFB4	NDUFB4	NDUFB4	Abcam	ab110243	Mouse	1:25
267	NF-kB p65 (phospho S536)	NF-kB-p65_pS536	RELA	CST	3033	Rabbit	1:30
268	Notch1	Notch1	NOTCH1	CST	3268	Rabbit	01:30
299	Notch1 (Cleaved)	Notch1-cleaved	NOTCH1	CST	4147	Rabbit	1:100
270	Notch3	Notch3	NOTCH3	Novus	H00004854-M01	Mouse	1:250
271	NQO1	NQO1	NQO1	CST	3187	Mouse	1:15000
272	N-Ras	N-Ras	NRAS	Santa Cruz	sc-31	Mouse	1:50
273	NRF2	NRF2	NRF2	CST	12721	Rabbit	1:500
274	Oct-4	Oct-4	POU5F1	CST	2750	Rabbit	1:40
275	p16/INK4a	p16-INK4a	CDKN2A	Epitomics/ Abcam	1712-1/ ab40803	Rabbit	1:500
276	p21	p21	CDKN1A	Santa Cruz	sc-6246	Rabbit	1:150
277	p27 (phospho T157)	p27_pT157	CDKN1B	R&D Systems	AF1555	Rabbit	1:30
278	p27 (phospho T198)	p27_pT198	CDKN1B	Abcam	ab64949	Rabbit	01:50
279	p27 KIP 1	p27-Kip-1	CDKN1B	Epitomics/ Abcam	1591-1/ ab32034	Rabbit	01:40
280	p38 (phospho T180/Y182)	p38_pT180_Y182	MAPK11, 12, 13, 14	CST	9211	Rabbit	1:38
281	p38 alpha MAPK	p38-a	MAPK1	CST	9228	Mouse	1:300
282	p38 MAPK	p38-MAPK	MAPK11, 12, 14	CST	9212	Rabbit	1:1500

283	p38/MAPK (phospho T180/Y182)	p38-MAPK_pT180_Y182	MAPK14	CST	9215	Rabbit	1:250
284	p44/42 MAPK	p44-42-MAPK	MAPK1, 3	CST	4695	Rabbit	1:2000
285	p53	p53	TP53	CST	9282	Rabbit	1:2500
286	p70 S6 Kinase (phospho T389)	p70-S6K_pT389	RPS6KB1	CST	9205	Rabbit	1:50
287	p70/S6K1	p70-S6K1	RPS6KB1	Epitomics/ Abcam	1494-1/ ab32529	Rabbit	1:300
288	p90RSK (phospho T573)	p90RSK_pT573	RPS6K	CST	9346	Rabbit	1:25
289	PAI-1	PAI-1	SERPINE1	BD Biosciences	612024	Mouse	1:50
290	PAICS	PAICS	PAICS	Sigma-Aldrich	HPA035895	Rabbit	1:250
291	PAK1	PAK1	PAK1	CST	2602	Rabbit	1:750
292	PAK4	PAK4	PAK4	CST	3242	Rabbit	1:300
293	PAR	PAR	PAR	Trevigen	4336-BPC-100	Rabbit	1:30000
294	PARG	PARG	PARG	CST	66564	Rabbit	1:1000
295	PARK7/DJ1	DJ1	PARK7	Abcam	ab76008	Rabbit	1:5000
296	PARP	PARP	PARP1	CST	9532	Rabbit	1:1000
297	Patched	Patched	PTCH1	Abcam	ab53715	Rabbit	1:1000
298	Paxillin	Paxillin	PXN	CST	2542	Rabbit	1:250
299	P-Cadherin	P-Cadherin	CDH3	CST	2130	Rabbit	1:38
300	PCNA	PCNA	PCNA	CST	2586	Mouse	1:250
301	PD-1	PD-1	PDCD1	CST	43248	Mouse	1:500
302	Pdcd4	Pdcd4	PDCD4	Rockland	600-401-965	Rabbit	1:750
303	PDGFRB	PDGFR-b	PDGFRB	Invitrogen	MA5-15143	Rabbit	1:500
304	PDH	PDH	PDH	Abcam	ab110332	Mouse	1:100
305	PDHK1	PDHK1	PDHK1	CST	3820	Rabbit	1:300
306	PDK1	PDK1	PDPK1	CST	3062	Rabbit	01:50
307	PDK1 (phospho S241)	PDK1_pS241	PDPK1	CST	3061	Rabbit	01:50
308	PD-L1	PD-L1	CD274	CST	13684	Rabbit	1:250
309	PEA-15	PEA-15	PEA15	CST	2780S	Rabbit	1:100
310	PED/PEA-15 (phospho S116)	PEA-15_pS116	PEA15	Life Technologies	44836G	Rabbit	1:100
311	PHGDH	PHGDH	PHGDH	CST	13428	Rabbit	1:1000
312	PI3 Kinase p110 alpha	PI3K-p110-a	PIK3CA	CST	4255	Rabbit	1:50
313	PI3K p110 beta	PI3K-p110-b	PIK3BC	Santa Cruz	sc-376412	Mouse	1:40

314	PI3K p85	PI3K-p85	PIK3R1	Millipore	06-195	Rabbit	1:15000
315	PKA RI alpha	PKA-a	PRKAR1A	CST	5675	Rabbit	1:250
316	PKC alpha/beta II (phospho T638/641)	PKC-a-b-II_pT638_T641	PRKCA, B	CST	9375	Rabbit	1:1000
317	PKC(pan) beta II (phospho S660)	PKC-b-II_pS660	PRKCA, B, D, E, H, Q	CST	9371	Rabbit	1:200
318	PKC delta (phospho S664)	PKC-delta_pS664	PRKCD	Millipore	07-875	Rabbit	1:75
319	PKCalpha	PKCa	PRKCA	CST	2056	Rabbit	1:200
320	PKM2	PKM2	PKM	CST	4053	Rabbit	1:300
321	PLC gamma2 (phospho Y759)	PLC-gamma2_pY759	PLCG2	CST	3874	Rabbit	01:25
322	PLK1	PLK1	PLK1	CST	4513	Rabbit	1:125
323	Met (phospho Y1234/Y1235)	c-Met_pY1234_Y1235	MET	CST	3129	Rabbit	1:100
324	PMS2	PMS2	PMS2	Novus Biologicals	22510002	Rabbit	1:1500
325	PRAS40	PRAS40	AKT1S1	Life Technologies	AHO1031	Mouse	1:75
326	PRAS40 (phospho T246)	PRAS40_pT246	AKT1S1	Life Technologies	441100G	Rabbit	1:500
327	PREX1	PREX1	PREX1	Abcam	ab102739	Rabbit	1:100
328	Progesterone Receptor [YR85]	PR	PGR	abcam	206926	Rabbit	1:500
329	PTEN	PTEN	PTEN	CST	9552	Rabbit	1:500
330	PTPN12	PTPN12	PTPN12	Abcam	ab76942	Rabbit	1:500
331	Puma	Puma	BBC3	CST	4976	Rabbit	1:50
332	PYGB	PYGB	PYGB	Sigma-Aldrich	SAB2900066	Rabbit	1:750
333	PYGM	PYGM	PYGM	Novus	H00005837-M10	Mouse	1:500
334	Pyk2 (phospho Y402)	Pyk2_pY402	PYK2	CST	3291	Rabbit	1:500
335	Pyruvate Dehydrogenase	PDHA1	PDHA1	CST	3205	Rabbit	1:200
336	Rab11	Rab11	RAB11A, B	CST	3539	Rabbit	1:30
337	Rab25	Rab25	RAB25	CST	4314	Rabbit	1:30
338	Rac1/Cdc42	Cdc42	CDC42	CST	4651	Rabbit	1:100
339	Rad23A	Rad23A	RAD23A	CST	24555	Rabbit	1:1000
340	Rad50	Rad50	RAD50	CST	3427	Rabbit	1:250
341	Rad51	Rad51	RAD51	Millipore	ABE257	Rabbit	1:1000

342	Raptor	Raptor	RPTOR	CST	2280	Rabbit	1:300
343	Rb	Rb	RB1	CST	9309	Mouse	1:150
344	Rb (phospho S807/811)	Rb_pS807_S811	RB1	CST	9308	Rabbit	1:1000
345	RBM15	RBM15	RBM15	Novus	21390002	Rabbit	1:5000
346	Rheb	Rheb	RHEB	R&D Systems	MAB3426	Mouse	1:75
347	Rictor	Rictor	RICTOR	CST	2114	Rabbit	1:100
348	Rictor (phospho T1135)	Rictor_pT1135	RICTOR	CST	3806	Rabbit	1:200
349	RIP	RIP	RIP	CST	4926	Rabbit	1:75
350	RIP3	RIP3	RIP3	CST	13526	Rabbit	1:500
351	RPA32 (phospho S4/S8)	RPA32_pS4/S8	RPA2	Bethyl	A300-245A	Rabbit	1:250
352	RPA32/RPA2	RPA32	RPA2	CST	2208	Rat	1:150
353	RRM1	RRM1	RRM1	CST	3388	Rabbit	1:100
354	RRM2	RRM2	RRM2	Life Technologies	PA527856	Rabbit	1:250
355	RSK	RSK	RPS6KA1, 2, 3	CST	9347	Rabbit	1:150
356	S100A4	S100A4	S100A4	CST	13018	Rabbit	1:1000
357	S6 (phospho S235/236)	S6_pS235_S236	RPS6	CST	2211	Rabbit	1:2500
358	S6 (phospho S240/244)	S6_pS240_S244	RPS6	CST	2215	Rabbit	1:1000
359	S6 Ribosomal Protein	S6	RPS6	CST	2317	Mouse	1:750
360	SCD	SCD	SCD	Santa Cruz	sc-58420	Mouse	1:20
361	SDHA	SDHA	SDHA	CST	11998	Rabbit	1:250
362	SFRP1	SFRP1	SFRP1	CST	4690	Rabbit	1:500
363	Shc_pY317	Shc_pY317	SHC1	CST	2431	Rabbit	01:25
364	SHP-2 (phospho Y542)	SHP-2_pY542	PTPN11	CST	3751	Rabbit	1:75
365	SHP2 / PTPN11	SHP2	PTPN11	CST	3397	Rabbit	1:250
366	SLC1A5	SLC1A5	SLC1A5	Sigma-Aldrich	HPA035240	Rabbit	1:150000
367	Slfn11	Slfn11	SLFN11	Santa Cruz	sc-374339	Mouse	1:150
368	Smac	Smac	DIABLO	CST	2954	Mouse	1:150
369	Smad1	Smad1	SMAD1	Epitomics/ Abcam	1649-1/ ab33902	Rabbit	1:500
370	Smad3	Smad3	SMAD3	Epitomics/ Abcam	1735-1/ ab40854	Rabbit	1:150
371	Smad4	Smad4	SMAD4	Santa Cruz	sc-7966	Mouse	1:30

372	Snail	Snail	SNAI1	CST	3895	Mouse	1:50
373	SOD1	SOD1	SOD1	CST	4266	Mouse	1:500
374	SOD2 (D9V9C)	SOD2	SOD2	CST	13194	Rabbit	1:200
375	Sox2	Sox2	SOX2	CST	2748	Rabbit	1:50
376	Src	Src	SRC	Millipore	05-184	Mouse	1:50
377	Src (phospho Y416)	Src_pY419	SRC	CST	2101	Rabbit	1:25
378	Src (phospho Y527)	Src_pY527	SRC	CST	2105	Rabbit	1:150
379	SRSF1/SF2	SF2	SRSF1	Invitrogen	324500	Mouse	1:75
380	Stat3	Stat3	STAT3	CST	4904	Rabbit	1:3000
381	Stat3 (phospho Y705)	Stat3_pY705	STAT3	CST	9145	Rabbit	1:100
382	Stat5a	Stat5a	STAT5A	Epitomics/ Abcam	1289-1/ ab32043	Rabbit	1:300
383	Stathmin-1	Stathmin-1	STMN1	Epitomics/ Abcam	1972-1/ ab52630	Rabbit	1:75
384	STING	STING	TMEM173	CST	13647	Rabbit	1:250
385	Syk	Syk	SYK	Santa Cruz	sc-1240	Mouse	1:500
386	Tau	Tau	MAPT	Millipore	05-348	Mouse	1:100
387	TAZ	TAZ	WWTR1	CST	4883	Rabbit	1:300
388	TFAM	TFAM	TFAM	CST	7495	Rabbit	1:300
389	Transferrin R	TFRC	TFRC	Novus	22500002	Rabbit	1:15000
390	TIGAR	TIGAR	TIGAR	Epitomics/ Abcam	S1711/ ab137573	Rabbit	1:100
391	Transglutaminase	Transglutaminase	TGM2	Lab Vision	MS-224-P1	Mouse	1:150
392	TRIM25	TRIM25	TRIM25	Abcam	ab167154	Rabbit	1:3000
393	TTF1	TTF1	NKX2-1	Epitomics/ Abcam	2044-1/ ab76013	Rabbit	1:150
394	Tuberin	Tuberin	TSC2	Epitomics/ Abcam	1613-1/ ab32554	Rabbit	1:2500
395	Tuberin/TSC2 (phospho T1462)	Tuberin_pT1462	TSC2	CST	3617	Rabbit	1:38
396	TUFM	TUFM	TUFM	Abcam	ab173300	Rabbit	1:38
397	TWEAK Receptor/FN14	FN14	TNFRSF12A	CST	4403	Rabbit	1:1000
398	TWIST	TWIST	TWIST1	Santa Cruz	sc-81417	Mouse	1:30
399	Tyro3	Tyro3	TYRO3	CST	5585	Rabbit	1:30
400	UBAC1	UBAC1	UBAC1	Sigma-Aldrich	HPA005651	Rabbit	1:250
401	Ubiquityl-Histone H2B	U-Histone-H2B	HIST1H2BB	CST	5546	Rabbit	1:500

402	UGT1A	UGT1A	UGT1A1, 3, 4, 5, 7, 8, 10	Santa Cruz	sc-271268	Mouse	1:75
403	ULK1 (phospho S757)	ULK1_pS757	ULK1	CST	6888	Rabbit	1:300
404	UQCRC2	UQCRC2	UQCRC2	MitoSciences / Abcam	MS304/ab14745	Mouse	01:50
405	UVRAG	UVRAG	UVRAG	CST	13115	Rabbit	1:100
406	VASP	VASP	VASP	CST	3112	Rabbit	1:100
407	Vav1	Vav1	VAV1	CST	2502	Rabbit	1:500
408	VDAC1/Porin	Porin	VDAC1	Abcam	ab14734	Mouse	1:100
409	VEGF Receptor 2	VEGFR-2	KDR	CST	2479	Rabbit	1:3000
410	VHL/EPPK1	VHL-EPPK1	EPPK1	BD Biosciences	556347	Mouse	1:1500
411	Vimentin	Vimentin	VIM	Dako/Fisher	M0725/MS-129-P	Mouse	1:250
412	Vinculin	Vinculin	VCL	Sigma-Aldrich	SAB4200080	Mouse	1:25000
413	Wee1	Wee1	WEE1	CST	4936	Rabbit	1:250
414	Wee1 (phospho S642)	Wee1_pS642	WEE1	CST	4910	Rabbit	1:50
415	WIPI1	WIPI1	WIPI1	CST	12124	Rabbit	1:150
416	WIPI2	WIPI2	WIPI2	CST	8567	Rabbit	1:150
417	XBP-1	XBP-1	XBP1	Santa Cruz	sc-32136	Goat	1:200
418	XIAP	XIAP	XIAP	CST	2042	Rabbit	1:100
419	XPA	XPA	XPA	Santa Cruz	sc-56813	Mouse	1:75
420	XPF	XPF	ERCC4	Abcam	ab73720	Rabbit	1:100
421	XPG	ERCC5	ERCC5	Proteintech Group	11331-1-AP	Rabbit	1:250
422	XRCC1	XRCC1	XRCC1	CST	2735	Rabbit	1:20
423	YAP	YAP	YAP1	Santa Cruz	sc-376830	Mouse	1:300
424	YAP (phospho S127)	YAP_pS127	YAP1	CST	4911	Rabbit	1:250
425	YB1 (phospho S102)	YB1_pS102	YBX1	CST	2900	Rabbit	1:50
426	ZAP-70	ZAP-70	ZAP70	CST	2705	Rabbit	1:500

Table S3. Molecular/signaling characteristics of *MMTV-R26^{Met}* tumors identified through RPPA analysis.

Sample	14-3-3-beta	14-3-3-zeta	4E-BP1	4E-BP1_pS65	53BP1	A-Raf	ACC1	ACC_pS79	Akt	Akt_pS473
T1	1,00030313	1,112909745	1,134492549	1,137233694	1,447094044	0,994553464	1,181854819	1,197543263	1,102463951	0,720638799
T2	0,941037749	1,096944273	1,027642301	1,216365052	1,226844507	1,198216315	0,911067172	0,918659697	0,90597967	0,783979594
T3	1,245118013	0,757216041	0,882534965	0,93677973	0,384268168	0,580713129	0,302714776	0,307450113	0,99411866	0,924505019
T4	0,843563418	1,047775802	0,902704787	1,108629724	0,855440051	1,073170685	0,626047448	0,814158536	1,106024715	0,746302303
T5	0,890252276	1,226663216	1,184383298	1,260307415	0,93378607	1,088196632	1,208043539	1,169484449	0,84737051	0,895688597
T6	0,93645119	1,005972333	1,194694942	1,054710983	1,189703081	1,223393087	0,69113579	0,14513807	0,897245656	0,325770129
T7	0,985372751	1,05955999	1,263612676	1,234111085	1,404953067	1,016783258	1,050783876	1,025081272	0,939280133	0,486231922
T8	0,863746677	1,239080121	0,853463853	1,176759829	1,510982604	1,146751384	0,825043095	1,13633138	1,11054025	0,913958817
T9	0,925172458	1,248622659	1,369888819	1,272146599	1,440378765	0,969565693	0,989826514	1,009446208	1,059704219	0,732273159
T10	0,950840569	1,137862054	1,387515563	1,129187785	1,090606388	1,066259701	0,753114714	0,78318462	0,844195763	0,853441455
T11	0,817212578	1,014257531	1,014197744	0,861902884	0,947313349	1,052522223	1,093881911	1,082935858	1,120470229	0,974542868
T12	1,03998673	1,094035434	1,275213813	1,170383334	1,317040387	0,979142264	0,96358135	1,151345074	1,139495304	2,01446105
T13	1,017625373	1,048012612	0,750049112	1,061406134	0,945045464	0,891689943	0,395264773	0,522335999	0,83651811	6,805906933
T14	1,211802243	1,122590701	1,04265535	0,909412674	0,686463438	1,134026642	0,608433899	0,813731225	1,101593417	1,302656486
T15	1,077863185	1,139889093	0,926640629	1,1019766	0,960782985	0,939882009	0,650313996	0,747168934	1,316225115	1,065531224
T16	1,007403104	1,162129699	1,045959689	1,097375679	0,966304379	1,015226523	0,679954377	0,803804062	1,106787398	0,915525325
T17	0,965560836	1,265364374	0,902678014	1,217621153	0,773950562	1,137843915	0,636906952	0,772715336	1,043402038	0,900258261
T18	0,897611045	0,991430929	1,23006533	1,597264099	1,548351183	1,152894977	0,725471131	0,926021669	1,110552168	0,950555405
T19	0,933238047	1,039550859	1,736692426	1,404388906	1,017718425	1,068116608	1	1,082159856	1,355815816	0,571355996
T20	0,928451687	1,052360811	1,072346262	0,998826644	0,793427054	0,913167381	0,433369405	0,675786219	0,874258653	1,43691674
T21	0,918862457	0,978238756	1,333393795	1,134903538	0,873341792	0,917925863	1,276197022	1,366606083	0,950787718	0,889009113
T22	0,933876569	0,545456675	0,417475528	0,754254632	0,419997194	0,557967669	0,213328439	0,315396431	0,378923613	3,863099235
T23	0,800170574	0,9657963	0,876890933	0,932487044	0,944547246	0,991183413	1,009073519	1,32439926	1,531700485	2,726033381
T24	0,998593076	1,235547228	1,27248621	1,381722847	1,423449099	0,89640053	1,108624092	1,380400047	0,971670192	1,663675989
N1	0,822850439	0,619543551	0,698145721	0,710435346	0,381816917	0,70722531	3,360065853	2,108678779	0,488063966	0,991773211
N2	0,961319758	0,63981164	0,982891136	0,919567691	0,348989132	0,804085605	3,00322954	1,902650763	0,681699351	1,139334501
N3	0,977415159	0,590343678	1,026865551	0,876695954	0,345709493	0,582900753	2,336784039	1,487356495	0,374327279	0,94939265

Akt_pT308	AMPK-a2_pS345	AMPKa	AMPKa_pT172	AR	ARID1A	Atg3	Atg7	ATM	ATM_pS1981	ATR_pS428
0,906277073	1,039448488	0,983553321	1,005736217	1,034786543	0,99261002	0,952801101	0,897605057	1,250909885	0,954248231	1,069764814
0,919392833	0,962364296	1,137137669	1,023455848	0,928971023	1,608431904	0,950128565	1,016021747	1,746167849	0,898804229	0,947903557
1,234067532	1,027639557	0,717918343	0,517299149	0,48095966	0,305538572	1	1,134149856	0,574129574	1,409557465	0,841320619
1,038753193	1,031319897	1,10339874	1,190598039	0,800992049	0,876614626	0,877954285	1,180311361	0,761215968	1,014249365	0,748569997
0,902597672	0,906582726	1,151562842	1,081831828	0,897823961	1,304870796	0,882493758	0,848368391	1,453886617	0,986112008	1,00480032
0,634527581	0,968615001	1,207414439	1,090044705	1,104000705	1,422561781	1,040407658	0,977515608	0,999130409	0,947820407	0,998691021
0,852323375	0,996417132	0,934347428	0,991054466	0,888861114	1,32772081	1,03825765	0,882056647	1,003323421	1,062369295	0,930525225
1,137674538	1,088868073	1,294449187	1,39550735	0,554599806	0,656260779	0,82326045	1,106127266	0,684083925	0,943864558	0,87345653
0,900585396	1,049738913	1,086657044	1,095100742	0,967657026	1,505963851	0,876599424	0,942562061	1,419579567	1,021712492	1,074122299
0,950899754	1,134676365	1,15582576	1,095424885	0,998154866	1,303274437	0,774040907	0,906845548	1,388638709	1,043699853	1,094538709
1,053278972	1,010177859	1,03032509	1,005909801	1,164581939	0,686681104	0,779805722	1,068196832	1,05207154	0,947708578	0,977508318
1,32615107	0,993624302	0,976145435	0,976345945	0,96509194	1,215694809	0,774663563	0,921129611	1,04898057	0,976777129	0,967528786
2,393555921	0,862057129	1,084457112	0,659587568	0,881157428	1,222825587	0,845691189	0,830651548	0,917011594	1,063707892	0,976547973
1,063543863	0,95990482	1,170891812	0,901462475	0,856820149	0,542342364	1,292141354	1,3066609	0,885117722	0,864535343	0,713915378
1,038580954	0,913359358	0,923746717	0,893018102	0,656064662	0,975996094	1,004696031	1,200922363	1,011501996	0,954818725	0,97081817
1,012045259	0,936988553	1,155886853	1,01237763	1,0428335	1,135651751	0,936805474	0,938815886	0,944473673	1,037054605	0,890577823
0,907896729	0,859532338	1,079404996	0,938347597	1,048556388	0,751212882	0,994364598	1,112034836	1,490479498	0,960607868	0,976429598
0,863919693	0,964201089	1,125344876	1,050463834	0,909773111	1,475606851	0,929740052	1,002662306	1,749524112	0,929096619	0,936600607
0,801263831	1,094527698	1,127773688	1,182583672	0,847770527	1,504449406	0,807320289	0,905550182	1,274661418	0,924095499	0,933109343
1,266834357	0,821468171	1,120350589	0,82510951	0,710140773	0,565699336	0,884656242	1,097439935	0,70749545	1,07576532	0,899108485
1,090086204	1,046945894	0,813719584	0,755305277	0,696394513	0,964102876	0,792287944	0,874181241	0,763870683	1,218618686	0,935249645
2,025598422	1,071080068	0,567733495	0,425164667	0,744776102	0,85915432	0,502339187	0,592050323	1,002715565	1,369705949	0,915339048
1,558861966	1,037529874	0,981108579	1,001467012	0,93140676	1,038421038	0,703860751	1,01215664	1,54227391	1,025681767	0,992331284
1,213196916	1,023873253	1,170211407	1,216501015	0,815353401	1,439965449	0,911292024	0,969610934	1,068481297	0,932377422	0,965862452
1,038948409	1,016353635	0,955406936	0,423815167	2,056643929	0,664354985	1,115550242	0,636867421	0,969524908	1,19739591	1,249585999
0,996610783	1,02166068	1	0,696828063	1,918041384	0,514336123	1,055366827	0,736479036	0,926380569	1,134027187	1,072491495
0,810915732	1,025700295	1,582223106	0,659657529	2,313458017	0,465951245	1,07686836	0,849734189	1,102360025	1,26998829	0,82518238

Aurora-B	Axl	b-Actin	b-Catenin	Catenin_pT41_S45	B-Raf	B-Raf_pS445	B7-H4	Bad_pS112	Bak	Bax
1,18449035	1,087090696	1,414838545	1,056757564	1,139319141	1,223994396	1,061436479	0,890897194	0,948628259	0,874344503	1,003675359
1,007131724	0,925581062	0,887372578	1,531516363	1,237116735	1,292053137	1,175672764	0,901742913	1,017092646	1,033275584	1,032030568
0,991316655	0,954169469	1,151239261	0,415157814	1,321509279	0,570035416	0,809274063	1,135132098	1,088430419	1,178829844	0,62412262
1,013914341	0,745866166	1,162439661	0,699102862	1,032959535	0,95749834	1,017230248	0,924385515	1,162873541	0,693073514	0,883814664
1,07858742	0,956894829	0,836317598	1,417942978	1,176608926	1,035404321	0,87481818	0,973262461	1,068368231	0,897358066	0,879263858
0,954223754	1,204692915	1,05491283	1,109456768	0,947246857	1,086365493	0,53246517	1,078336519	0,68947732	1,007535349	1,104729135
0,957188586	0,935070648	0,966475676	0,760087919	1,150623757	0,880508094	0,779410705	0,937752587	0,870622717	0,964314864	1,176870188
1,031980975	0,841439381	1,045712538	0,86604425	1,188970298	1,083501823	1,308020672	0,961137001	1,222114906	0,821124106	0,909665389
1	0,69688318	0,833791744	1,068331143	1,252959539	1,349647405	1,271886779	0,958010684	1,02085139	0,930668195	1,310090331
0,907109041	1,056512193	1,062045188	1,202932251	1,105390737	1,179795334	1,156920715	0,964129424	1,074399405	1,135855839	1,041258404
1,028824741	1,094638832	1,097191901	1,064131705	0,951569777	1,231772081	1,060773619	1,053930163	0,968755511	0,928344324	0,870128269
0,97952723	0,977130346	0,963129348	0,842261193	1,067683553	1,034858574	1,038245784	0,949348223	1,00010892	0,923649979	0,995272542
0,869633496	1,165473776	1,024501989	1,430524229	1,155973698	1,154545064	1,177654184	1,112340422	1,197551203	1,186517395	0,860057172
1,01676825	0,973653862	1,23737939	1,034546851	1,198460601	0,893191744	1,296289679	1,044722596	1,30235415	1,141140537	1,007921252
0,915940562	0,962491778	1,5449353	1,237883177	1,199649718	0,946873852	1,078239539	0,913595313	1,206288219	1,06207767	1,207922839
0,962553983	0,839235759	1,256094867	1,03586576	0,911733989	0,880073965	0,944948797	1,013201595	1,001858327	0,939317157	0,932091887
1,096233911	1,083593244	1,470924543	0,87768101	1,019013065	1,172420033	1,282318686	0,981485639	1,100437513	1,14355804	1,036150536
0,947018765	0,937396078	0,993015439	1,246157485	0,972293942	1,34045197	1,365706925	0,960749696	1,034414238	0,982339164	1,382173991
1,065774866	1,066288334	1,1357293	1,180960895	1,070747818	1,235507501	1,291973377	0,933177395	1,093737168	0,918820678	1,272747135
1,195423101	0,866195733	1,10632144	0,715211258	0,728262956	0,918922268	1,147715957	1,246219241	1,047488516	0,897487425	0,803470748
1,109748069	0,912034056	1,057542813	0,479747648	1,117285584	0,898319133	0,923197351	1,014799263	0,952803794	1,039650434	1,310382267
1,431256454	1,311203329	0,991958809	0,485579231	1,10060945	0,781873804	0,660045144	1,345783071	0,734882944	1	0,5269289
1,071203057	0,963687336	1,484345303	0,980196064	0,940909402	1,043157092	0,985102592	0,961255447	1,04826267	0,846474543	1,030397297
0,947307727	0,967205113	0,923606977	1,151318933	0,981354633	1,307091798	1,307501638	0,907705767	1,17163516	0,93614206	0,928592653
1,570742641	1,703762778	0,808381267	0,520028735	0,935586377	0,667902531	0,425208977	1,100881429	0,708541616	0,892342891	0,508927683
1,016567707	1,728155595	0,827151506	1,199560769	0,973550477	0,736810905	0,643466345	1,152184302	0,860218649	1,019157262	0,575664963
1,492168044	2,101296125	0,705221341	0,444643066	1,012111385	0,699430949	0,512812891	1,401674197	0,973043762	1,090045698	0,571913786

Bcl-xL	Beclin	Bid	Bim	BRD4	c-Abl	c-IAP2	c-Jun_pS73	c-Kit	c-Myc	C-Raf
1,02812525	0,942337878	0,867086961	1,088330566	1,031485972	1,035652119	1,030350751	1,129897396	1,010752369	1,065990853	0,897389178
1,049479618	0,996699251	1,008765878	1,057318013	1,001306126	0,958409887	1,024476555	1,531928896	1,052220677	1,299017692	1,088136514
0,709650836	1,295232334	0,878728627	0,653061586	1,079156784	0,820733097	1,364696468	1,183833471	1,000982091	1,147864342	0,778773298
0,774808429	0,998612148	0,844360562	0,919542513	1,070131651	0,856074545	0,964524365	1,082107816	1,005060253	1,165969073	0,907180267
1,002844274	0,903310071	0,936875551	0,961513103	1,018457063	0,857730878	1	1,287395119	1,012433073	1,116426133	1,017986523
1,169576179	0,976451837	1,026213329	1,510443173	0,985320707	1,162115946	1,002932635	0,745408287	1,011017669	0,839294358	0,984255747
1,388941037	1,01891683	1,037083184	1,30015777	1,110795888	0,9237513	1,088097092	1,137161874	1,050183739	1,079290679	0,972730721
0,982148759	0,966360133	0,826454436	1,403947784	1,089663486	0,816896168	0,961244037	1,270206362	0,984153951	1,062644675	1,000572219
0,961366513	0,913945405	0,950496335	1,072384157	1,006859012	1,021287842	1,055514055	1,098263047	1,036740704	1,089152633	1,032202142
0,96204955	0,963017775	1,156347774	1,58410474	1,016487478	0,934767227	0,810493521	1,322685114	1,001854448	1,271264311	1,049850659
1,042903124	0,89919724	0,888649406	0,973506738	0,903896155	0,927378367	0,836874959	0,761183577	0,841129909	0,829512094	1,057736083
1,028111046	0,953761915	1,027835641	1,244451012	0,911619918	1,106414618	0,980343069	0,913888045	0,972393649	1,168213481	1,019322995
0,963159274	1,034068169	0,905508399	0,947613892	0,920670803	1,182446114	0,993903451	1,019750728	0,899439672	1,022886854	0,97047247
0,809150092	1,158135454	0,96772053	1,070831529	1,028212103	1,081521573	0,970063076	0,934382083	0,818001065	0,977614878	0,813261655
1,019839124	1,031290179	0,901020239	1,048629397	1,073533708	0,931758096	1,096511572	1,45789205	0,962584025	1,121590387	0,969668697
1,194028993	1,142404416	1,103615663	0,891577392	0,957505241	0,949296343	1,053209743	1,082773054	0,95763726	0,906809263	0,943371259
0,920349426	0,948778337	1,051469718	1,290934703	0,923348174	0,837550428	1,012969497	1,056468866	0,933617766	0,911647579	1,029645422
1,017650891	0,907851307	1,168389286	1,069666864	0,962992132	1,005470806	1,050334743	1,569976703	1,035995554	1,486145285	1,117363905
1,153575149	0,890708141	1,04856261	1,155439679	1,025719333	1,039660708	1,071520265	1,305735811	0,982304013	1,02481481	1,126245699
0,797717794	1,044315547	1	0,823319837	1,137632313	0,846172205	0,964469849	1,310389106	0,964879176	1,018365263	0,810570357
1,006252656	0,961338323	1,240505506	1	1,031404503	0,889282632	1,042932212	1,132083415	0,911906068	1,136033269	0,915854414
0,675052583	1,406292641	0,67186617	0,725642062	1,613092877	0,575406234	0,685730028	0,948938437	1,160410471	0,943078712	0,666101539
1	0,807247744	0,85117856	0,801288626	0,91383452	0,940875593	0,803162154	0,878472301	1,043869389	1,04164572	1,067018148
0,854721764	0,964868303	0,887642712	1,083459665	1,018494823	1,008699993	1,027461922	1,133361907	1,037179429	1,392704517	1,050136418
0,7165335	0,835860413	1,118523593	0,631391532	1,545719658	1,079336223	0,869235926	1	0,764951697	0,965730945	0,669777722
0,82132354	1,042860458	1,388357397	0,715912341	1,463334493	1,03972651	0,823789435	1,282690361	0,783010752	0,877992605	0,661427409
0,874607689	1,269364038	1,467575094	0,693285152	1,773393339	0,996350895	0,93903938	1,272102378	0,83180102	0,814455707	0,673747483

C-Raf_pS338	Caspase-3	Caspase-7-cleaved	Caveolin-1	CD134	CD20	CD4	cdc25C	Cdc2_pY15	CDK1	Chk1_pS296
0,867295438	1,000959699	0,925511774	0,479700257	0,871265319	0,775336088	0,921174923	0,945371715	0,914436008	1,330130543	1,035727144
1,082200845	1,055642329	1,471618901	0,577119438	0,922656268	1,025992994	0,991215887	0,917730545	1,068987286	1,533934756	0,805132758
0,760761809	1,020651627	1,656418837	0,913615018	1,175355304	1,426420718	0,896941767	0,832577116	1,007947697	0,621350221	1,401653969
1,245358426	1,042150336	1,42458202	0,496106717	0,819133732	0,895216074	0,774153016	0,987824652	0,981978466	1,088184206	1,268036046
0,987804014	1,121716925	0,964800664	0,401798549	0,85069715	0,777259699	0,887040712	1,006435906	1,081912856	1,292210402	0,783906993
0,60476035	1,208024556	1,135259287	0,808348742	0,926727113	1,10342551	1,083672538	1,019068139	0,824837575	1,650737269	1,336168974
0,81918803	1,105451397	0,881513895	0,527176076	0,944542981	0,920692748	0,971771899	1,244295796	0,841812414	1,406006635	0,929440861
1,353491634	1,071133213	0,895501141	1,29428858	0,851056776	0,912653434	0,894653217	0,982257452	1,087805217	1,249829473	0,992811591
0,964934684	0,999856339	1,069529537	0,4739244	0,930939972	0,797464757	0,938364634	0,924374332	0,895934448	1,373034655	0,898887702
0,884956688	1,397009276	1,342052156	0,846105771	0,877189442	0,894161711	0,84724859	0,783981702	1,15104014	1,190267401	0,999815562
0,998305431	0,788089429	1,594853655	0,543298329	1,055133054	0,9357062	0,775162183	0,778138271	0,876193576	1,024330131	1,20818014
0,971243396	1,030067002	0,859727914	0,566834893	0,961163576	0,917600511	0,80839878	0,82969613	1,088759348	1,362594587	0,918829458
1,265824216	0,941092439	1,228988608	7,583045684	0,910504853	1,057044541	0,907386727	1,073638504	0,803196327	0,627222038	1,011294869
1,181887288	0,916095557	1,042560376	5,192564468	0,86348801	1,438374133	0,791148521	1,140330711	0,872934898	0,620217611	1,649064774
0,900804745	1,023752558	1,353285357	0,562129699	0,93747421	1,101572723	0,922699262	0,732041258	0,932686296	1,15206987	2,393576918
0,880085552	1,029179469	1,185014134	1,088241416	0,94779079	1,14669623	0,920760915	0,906902156	0,992069432	0,973183086	1,307163094
1,271265267	0,990835302	1,236496459	0,944898342	0,885294343	1,096610194	0,877773094	1,229215983	1,110137571	1,172088445	1,492848628
1,082379719	1,163663349	0,857339649	0,80321579	0,918668782	0,919920257	0,955964239	0,991051272	1,030702958	1,371670732	0,92291082
1,358700295	1,148124041	0,711305922	0,797172169	0,844337092	0,869872351	0,88132508	1,315268248	0,89978305	1,222401633	1,03030341
1,023083781	0,97742663	0,917060382	1,415775029	1,01363621	1,330427002	1,061827022	1,034505738	0,988947286	0,838908303	1,348332517
1,144444169	1,147821445	1,122981971	0,3719211	0,861437391	0,998721011	0,980282838	0,929740945	0,936925023	1,166561163	0,986187429
1,075680646	1,364457488	0,695537312	2,42148905	0,59209477	1,715686572	1,962650888	1,454093415	0,974919174	1,085186283	1,226863681
1,070105172	0,840554838	0,896225802	0,939279714	0,712881511	0,983530707	0,719331316	0,759639113	1,047604692	1,5029133	1,384105564
1,472577509	0,993161813	0,820098726	1,034863972	0,988682913	0,952062335	0,955650914	0,903676673	1,025782305	1,502202511	0,935357221
1,072255545	0,907308002	0,865146641	2,216818839	1,234439539	1,350983279	1,208917135	2,837740832	1,120047929	0,730886764	0,81530021
1,192211116	0,967561694	1,066671931	7,233938264	1,142255671	1,320647366	1,150216031	2,966050295	1,260726922	0,792653889	0,859406067
1,252462698	0,995048436	0,940254744	20,75855182	1,2790254	2,199771741	1,293910141	2,78259476	1,046401161	1,193026237	0,980667937

Chk2_pT68	Claudin-7	COG3	Collagen-VI	Connexin-43	Cox-IV	Cox2	Creb	Cyclin-B1	Cyclin-D1	D-a-Tubulin
0,856951624	1,089833776	1,124177148	0,808835596	1,106836373	0,941849188	0,97932357	0,978442357	0,869384814	0,981715786	0,938087843
1,002629451	1,509736017	0,852957157	0,891031502	0,948536741	0,915806141	0,995550269	1,024570722	0,915806141	0,962477144	1,009210002
1,111968503	0,908164	0,93483863	1,755729294	0,677509944	1,131397804	1,002453993	0,993968502	1,131397804	1,21863609	1,28252324
1,180429311	0,889878605	0,955582022	1,006786185	0,995920245	1,183189393	1,364693696	0,901656608	1,183189393	1,097666071	1,041964469
1,056126566	1,503343769	1,08258623	0,92222927	0,781972937	0,787643965	0,968077077	0,981872624	0,787643965	1,008012254	0,94209367
1,165901745	1,242272958	1,10136603	0,930498847	1,040417236	1	1,031721376	1,042446322	1	1,462593394	1,323577202
1,212816431	1,566390081	1,055773847	0,954448696	1,537724652	0,92930878	0,926266376	1,027377838	0,92930878	0,917632337	1,056515545
1,232645473	1,234427302	0,862636233	1,065954593	1,345336369	1,334799989	0,781790076	0,943838491	1,334799989	0,98731963	0,881044298
1,093771681	1,266547948	0,987702213	0,742729058	1,224230083	0,890984391	0,90419881	1,03569998	0,890984391	0,890852346	0,887201494
1,051903516	1,918802212	1,054638615	1,087574167	0,940341485	0,785632569	1,025667724	0,949100874	0,785632569	1,020541428	1,066657404
0,664719451	1,045652327	1,140437243	0,940499033	1,02503075	1,057420285	1,208436834	0,995817378	1,057420285	1,216293668	0,940640738
1,055730171	0,830178731	0,864524641	1,231259538	0,990305733	0,983226513	0,969679046	0,983840956	0,983226513	1,019815783	0,994720386
0,862321096	1,341299537	1,117482551	0,837601406	1,355625416	0,807683589	0,981432885	0,963077665	0,807683589	0,944659976	0,946266786
1,048541539	0,9745352	0,985755734	1,429696027	0,47900067	1,129335468	0,733697925	0,975560892	1,129335468	1,08162973	0,858747131
1,075802404	0,994695359	1,124952325	1,042784998	0,886944447	0,898645048	0,901587064	1,090832337	0,898645048	0,98145023	0,987495657
1,159810274	1,209315208	0,915075574	1,175183476	0,987355313	0,943653081	1,082969044	0,993784298	0,943653081	1,218609116	1,091432021
1,078250398	0,801810332	0,979854142	1,595750096	0,991577307	0,792985253	1,041451823	0,918882281	0,792985253	1,009470291	0,917361098
1,154008836	0,984884715	1,109028393	0,965498381	1,309507173	0,92304201	0,87854597	0,939084734	0,92304201	0,900719634	0,825394496
1,106712255	0,84686274	0,939831516	0,984321333	0,891894043	0,768032445	0,920841824	0,956485157	0,768032445	1,004358822	0,921979594
1,031524917	1,087900265	1,252374885	1,246551344	0,625525043	1,374071717	1,083370411	0,87634242	1,374071717	0,974613556	1,053544039
1,005322321	1,236897248	1,059581956	1,00896321	1,207959352	1,263434755	0,830633842	1,011825337	1,263434755	0,861888333	0,9087405
1,107296093	1,294522217	1,035721193	1,577995211	0,56418926	1,975982845	1,166217824	0,8039812	1,975982845	1,077293453	1,137387217
0,679801562	0,901030908	1,02508114	0,850421365	1,222489077	0,986457081	1,049217687	0,989055351	0,986457081	0,964578443	1,00319944
0,951460701	1,060401046	0,977993241	1,117617953	0,9613685	0,949246349	0,974307807	0,948653141	0,949246349	0,976983602	0,953276611
0,928430089	0,987240455	0,981538285	1,227351007	0,264894721	1,275737202	0,875563726	0,884070618	1,370364777	0,994589323	0,635117799
1,161562075	1,389829522	1,26372227	1,344971297	0,188643867	1,213257289	0,960815344	0,871941541	1,502541425	1,014646176	0,837628026
1,046064088	0,903366834	0,86278296	1,734807856	0,32674927	2,172345353	0,859555653	0,877532394	2,172345353	1,003039528	0,951453208

DJ1	DM-Histone-H3	DM-K9-Histone-H3	DUSP4	E-Cadherin	eEF2	eEF2K	EGFR	EGFR_pY1173	eIF4E	eIF4E_pS209
1,158786545	0,978867184	1,124872792	1,134565628	1,1808459	1,194232448	0,857683052	1,201572786	0,95159528	1,072947362	0,959044531
1,198327219	1,24674163	1,341550787	0,790429848	1,801175199	1,077363279	1,022673739	1,136698087	0,98650542	0,943507446	0,956035749
0,87308216	0,859348889	1,052595139	0,570677023	0,092434432	0,723440718	0,811762264	1,023661592	1,151503808	0,605954477	0,944193822
0,808677842	1,043399199	1,010566332	0,986784734	0,761652238	0,864575423	0,848922012	0,955183024	0,989660337	0,787752059	0,958610867
0,943132865	1,038179371	1,090358702	1,131407192	1,329958384	0,99636624	1,006609374	1,160676215	0,968312919	0,925445599	0,997569902
0,868166191	0,978800311	1,00561982	1,411565467	0,974262653	0,791294984	0,8064532	1,273581292	0,996449798	0,711592366	0,901050179
0,937759193	1,229882697	1,298035438	1,131357371	1,508505265	1,061020457	1,02988088	1,111890951	1,066809816	1,079980081	0,971937903
0,85802021	0,923093424	1	0,6640873	0,382771605	1,037437814	0,957700516	0,994808894	1,140517092	1,021502107	1,073599126
1,313275279	1,250930154	1,302016257	0,919865829	1,254735772	1,183970927	0,930800861	1,118161304	1,071014854	1,525427502	0,96170535
1,233350171	1,277987103	1,253084749	1,35021207	1,228874164	1,006056502	0,875943936	1,103754937	0,954250371	1,015940657	1,057931529
1,28960445	1,096453764	1,051477773	1,298557958	0,961181881	1,077082755	0,78493774	0,956857195	0,905276688	1,189129776	1,057081636
0,981711664	1,061463312	1,073181293	0,937338428	1,008532155	1,012080788	0,903109697	0,997276586	0,986717165	1,139986926	0,961259521
1,270982153	0,783369934	0,877253135	1,007531213	1,905455396	0,792664911	2,053103477	1,352536015	0,964141036	0,826873836	0,895202354
1,364625996	0,889461945	0,991861714	0,743080386	0,768124783	0,760677067	1,213427416	0,94745712	0,962799011	0,754358537	0,934818361
1,212518742	0,847789747	0,943419519	0,849493569	1,218071128	1,026976188	1,034879119	1,230938952	1,045282665	0,825165791	0,898932849
0,742334088	0,993674652	1,146380569	0,931346261	1,338394499	0,964686943	0,99571023	1,244558631	1,061115433	0,971240509	0,836410578
1,178607983	0,881588416	0,882025439	1,056208321	1,226298395	0,850907713	1,051863815	1,114077002	0,954338256	0,887145853	0,837461628
1,206255841	0,942610213	1,042215613	0,935080026	1,50949452	1,011928725	0,890394325	1,040334284	1,023256396	1,15234593	0,981207932
1,098661217	0,97698689	1,016331836	0,87464069	1,529222172	0,817129519	0,854752015	1,055474498	1,040434166	0,965671722	0,997111608
0,912760796	0,902150393	0,973829524	0,854291159	0,980984919	0,791621303	0,985877437	1,009652404	1,049866485	0,859303746	0,884514508
0,689219241	1,093655086	1,080139716	0,700788623	0,968993754	1,028416901	0,906496949	0,960040701	1,003368391	1,233416037	0,965340216
1,279041327	0,778754238	0,816886547	1,092474827	0,25549001	0,614292997	1,41774034	0,910372655	0,946234515	0,502152986	0,949814838
0,974437355	0,776973889	0,87596045	1,133456376	0,850073525	1,828150787	0,999734615	0,966932709	0,97075509	1,11326491	1,028070973
0,930023773	1,025784289	1,034909685	1,067356774	1,349151774	1,069102306	0,906047827	1,096538851	1,042273732	1,203212725	0,990266875
1,2367623	1,224858699	0,971931065	1,721843353	0,888500872	0,701786993	1,608155822	0,93193392	0,918366682	0,433074134	1,256128208
0,775184714	1,248976985	0,88959639	1,714060662	1,217765089	0,693788313	1,845882574	0,999998924	0,898779416	0,561125829	1,246201557
2,175692268	1,255732627	0,718557078	1,535430576	0,351676173	0,45960962	1,558627721	0,715540739	0,977857936	0,391721541	1,204258998

eIF4G	Elk1_pS383	ER	ER-a_pS118	ERCC5	Ets-1	FAK	FAK_pY397	FASN	Fibronectin	FoxM1
1,315013646	0,928791664	0,919175582	1,012496168	0,924702287	0,897500837	0,849999366	0,911112828	1,360176881	0,638985218	0,956389904
1,431504612	0,90363113	1,066580732	1,071036268	0,912029905	1,001418681	0,981177295	0,893500385	1,061135918	0,510686146	0,918773117
0,481111903	1,435080806	1,432993438	0,972915058	1,803003043	1,265923565	1,167232966	1,012878956	0,336111395	3,14184878	1,0758361
0,701737018	1	0,842279874	0,958603573	1,096526263	0,894891944	0,592189025	1,06488503	0,757266569	4,023726701	1,009443613
1,23708784	1,009656335	0,826005727	1,07693309	1,201436495	0,91873935	0,896009694	1,033859784	0,857954345	0,610087608	0,989112629
1,06745528	0,878538737	0,98691606	1,060905892	1,078788353	1,046902972	1,099777003	0,789209671	0,691242972	0,984812536	0,894007474
1,332188708	0,981059606	0,89001465	1,111379608	0,926638896	1,03826658	0,959360201	0,971177957	1,043987445	2,24661883	1,012942802
1,242003361	1,000425105	0,881184811	1,109953601	0,912348101	0,800563464	0,94747494	1,134686946	0,927695963	2,023763514	0,749013376
1,079354609	0,925866824	0,870744695	1,081240609	0,866850284	0,881820409	1,021430464	1,128030369	1,002802969	0,803790761	0,920452437
1,015754048	0,901916493	0,949465159	1,033829801	0,985731004	0,952723122	0,865116865	0,989584838	0,758443443	1,1893404	1,252523204
0,893844666	0,920553181	1,050787538	0,828472596	0,821758286	1	0,838857793	0,922777908	1,221927868	1,092726455	1,062197781
1,070758025	1,073152631	0,989393874	0,97239421	0,880977828	0,956918684	0,976396295	1,311771699	0,917663922	2,054315063	0,989504245
0,913515991	1,004980034	0,986002608	0,970253317	0,895348989	0,961624318	0,742808953	1,060625921	0,559199902	0,567892936	1,223634694
0,586515788	1,014213514	1,39597075	0,811749309	2,039669873	1,165163655	1,171910758	1,055099531	0,600073137	0,86866115	0,968473072
1,049308134	0,910591915	1,088291486	0,908545509	1,626778971	1,085971585	0,904887701	0,768840475	0,583171847	0,926141112	0,953127235
0,964529409	1,141076938	1,115107235	0,980878313	1,062994268	1,077111957	1,033312789	0,966637089	0,843537342	3,082385077	0,922579843
0,775442132	0,911070767	1,021675499	0,969538787	0,974167561	0,975341607	0,877751763	0,984504773	0,74813353	2,08363982	1,19773172
1,107861159	1,022102191	0,869963023	1,135796472	0,9588583	0,880084106	0,824441948	1,165987317	0,979806119	0,937060677	0,962177777
1,198202529	1,075371223	0,82081471	1,091483729	0,908695733	0,892330032	0,810418515	1,755593074	0,824478588	3,074857993	1,302351482
0,748951433	1,234508518	1,008209983	0,980511458	0,997653816	1,008006538	1,111237372	1,292400372	0,53251362	1,619486766	1,189882783
1,060497804	1,187389535	0,873718443	0,925620616	0,991396898	0,860462281	0,791052713	1,222201535	1,215261159	2,425964719	0,817076861
0,441468568	1,078924065	1,385405254	0,87228443	1,284037723	1,174330375	1,14883508	1,10089117	0,450342168	1,043611817	1,099243877
0,876954142	0,904710302	0,952275344	0,867398504	0,989291151	1,086887459	0,890328885	1,134260787	1,020596331	1,557288478	0,926260438
1,091052344	0,997033984	1,0215505	0,984235713	0,935331683	0,959009569	1,086444692	1,359313882	0,875073151	0,776395861	0,946171035
0,771882222	1,266421447	1,178143079	1,018640234	1,856251941	1,016231296	1,349020309	1,382480254	4,092788879	0,168156724	1,621542176
1,179368564	0,906656204	1,186766968	1,15064117	1,473085515	0,954848358	1,093638483	1,326775825	4,474527914	0,189676912	1,518270734
0,511065174	0,975808903	1,280310171	1,259110064	1,281834569	1,164837493	1,247436959	1,815759712	4,007109025	0,397251237	1,169991856

FoxO3a	(p_S318-S321)	G6PD	Gab2	GATA6	GCLM	GCN5L2	Glutamate-D1-2	Glutaminase	Granzyme-B	GSK-3a-b_pS21_S9
0,901597741	1,066827872	0,862699125	0,897094838	1,050870295	0,898350766	1,1937865	1,12985667	0,918771986	0,811095455	0,691021159
0,958584535	1,168062291	1,008756349	1,447456966	0,948374276	0,91644396	1,258503663	1,00001721	0,968517755	0,936931836	0,902155422
0,818162334	1,054353094	0,987818495	1,066693973	0,858195457	1,322310958	0,829126986	0,888883268	1,048129271	1,18080982	1,385143917
0,933632025	1,101101377	1,150403522	1,100954749	0,916842113	0,986074136	0,947809273	0,708719315	0,998690898	0,793881676	1,50702592
0,906799054	1,099650283	0,883506365	1,382565569	0,921090312	0,985499208	0,997213624	0,880065096	0,863894469	0,87848391	1,108181784
1,055114983	0,877271239	1,681225301	1,43174921	0,989914436	0,882319717	1,065266927	0,914925471	1,170732102	1,015226117	0,410957441
0,975838039	0,99259185	1,253963628	1,221446722	1,033404119	0,945422455	1,224326902	1,044474324	0,956249859	0,951662156	0,526581558
0,932026706	1,09818278	0,668416356	1,223675712	0,9286139	0,967358838	1,247681695	0,623187535	0,785281223	0,714220079	1,287444941
0,946216541	1,092511654	0,921212249	1,439950969	1,111246172	0,902600306	1,256146405	0,867030633	0,989479607	0,933395087	0,888799642
0,909596412	1,07413216	0,933749041	1,224913122	0,942323314	1,030651997	1,243890793	0,95360325	0,955508072	0,971399726	0,884698807
0,850032511	0,955947098	1,565894733	0,983676049	0,880669604	0,83855294	0,983755115	1,049600994	1,106631629	0,941383622	0,816755418
0,949908905	1,186122123	0,947147889	0,956511201	1,127800198	1,001886386	1,268325965	0,921341154	0,860333304	0,902823847	1,958136521
0,961061057	1,248565003	0,920703193	1,362716445	0,951449145	0,915666547	1,01945645	2,162940534	0,978541582	1,250460317	1,357101355
1,100010379	0,994256141	0,724254604	1,160020716	0,88407564	0,89774784	0,932631577	1,139202496	0,675765345	1,297127956	1,270951831
1,029912637	1,102051275	1,074838414	1,446878522	0,749885255	0,940204584	1,118437752	1,211839579	1,024608462	0,938852388	0,95277958
0,968156615	1,164011955	0,996253917	0,999852304	0,973447401	0,990839025	0,784586424	0,914287157	0,916296153	0,975513274	1,266448852
0,94778066	1,139643606	0,932636741	1,240236659	0,925582218	0,953922679	1,122368942	1,026021678	0,867336276	1,016276432	1,349874825
0,975482284	1,202325411	0,812790927	1,314537341	0,993192576	0,879637533	1,451514254	0,929867616	0,963157896	0,908987664	1,175853884
0,918333044	1,10938472	0,842979527	1,087249688	1,018403197	0,928626586	1,256626539	1,229956361	0,998948702	0,911892963	1,025274039
0,91134693	1,05863877	0,861723553	1,15607981	0,968961197	1,038574766	0,754682092	0,904914915	1,1259937	0,883702409	1,297753355
0,906312271	1,051127053	1,097989747	0,953414364	0,987925158	0,98879726	1,006578083	0,83827496	0,958541646	0,690056664	1,14512816
0,757416884	1,146116241	1,022005997	0,949632142	1,055934973	1,171734671	0,723000815	1,028268996	1,255968316	1,231467947	1,064061124
0,844499803	1,191855861	0,994043072	0,942512899	0,72364903	0,985770057	1,169243702	1,232068544	0,866810916	0,919459922	1,71652024
0,876530236	1,151499063	0,789705445	0,98288648	1,025803535	0,905126943	1,237446904	1,099329948	0,889537445	0,685651822	1,779251173
1,233995216	0,940445913	1,676687067	0,889995726	1,102013345	1,137606047	0,636658082	1,576716688	1,481445168	1,216564264	1,093685117
1,294522944	0,919634795	1,573606085	0,923422795	1,095621555	1,202187129	0,566606122	1,500861981	1,17254679	1,28969422	0,828930852
1,304979789	0,98342439	1,254560308	1,078957433	1,180977839	1,126641509	0,483814674	1,735537977	1,172077005	1,154635146	1,393437464

Gys	Gys_pS641	HER2_pY1248	HER3	HER3_pY1289	Heregulin	HES1	Hexokinase-II	Histone-H3	HSP27_pS82	HSP70
1,049553444	0,912156825	0,880815502	0,884828286	0,961465516	0,93640444	1,077403717	1,037911047	1,22001778	0,939253282	1,112679588
0,844165331	0,866946898	0,990160641	0,983648542	1,030672207	0,952395239	0,809917896	1,001226438	2,662414786	0,894575803	0,932270848
1,21987393	1,072448794	1,10876637	1,484306	0,767414859	1,434153907	0,419360607	0,718634537	1,496465702	0,844698135	0,907682163
1,007320755	0,975103388	1,050775444	1,280853226	1,11382633	1,18287408	1,244089979	0,85855306	1,169916162	0,970053719	0,952553888
0,664715364	0,77713048	0,933165559	0,900195261	1,035981783	0,923704098	0,76867998	0,989822396	1,338732214	0,652394744	1,368367939
1,111750411	0,481121078	0,883066606	0,838126108	0,938519546	0,881040265	1,067378181	1,02612275	0,976063789	0,99748292	1,132597454
1,135344858	0,962424844	0,860840157	1,067377639	1,006989346	0,969812391	1,069754361	1,035557024	2,341093702	0,839960816	1,124031043
0,698380774	0,797374758	1,018163452	1,407905109	0,932559287	1,012041851	1,366937767	0,879198959	1,025234274	1,301738925	1,036815655
1,146341684	0,966298915	0,96922283	0,976833932	1,017432209	0,873865846	1,0444836	1,048731176	2,384375199	0,867567823	1,003874303
0,892455423	0,759585658	0,908613967	0,968688977	0,968733251	1,125811622	0,805680283	0,865283519	2,806149312	1,078158241	1,393004257
1,400956904	1,059079115	1,043517303	0,823095885	0,971626627	1,058936126	0,892684904	0,971185871	1,801946445	1,029442695	1,089175622
1,124275213	1,055995129	0,966861816	1,133788507	1,10311801	0,958599037	1,55699793	1,008102205	1,253090979	1,188652082	1,037963847
1,277333889	1,302415552	0,964090472	0,883100806	0,878585465	1,040181211	1,617557388	0,923854649	0,759847755	1,14313598	1,405227004
0,823143347	0,905028826	1,011140482	0,827822295	0,734091245	0,913513276	0,705536722	0,911936696	0,961027066	1,132178095	1,044516333
0,767520394	0,797088908	0,986711084	0,853146173	0,957002476	0,938481006	0,709569531	0,910887351	0,868763684	0,905011353	1,396334472
1,113416322	0,99084064	0,974324246	1,128950934	1,097691236	0,975598209	1,159368665	0,93079763	1,595164904	1,000684715	1,195933591
0,712309505	0,796682039	0,920527336	0,856662947	0,857539165	0,883532215	0,894518249	1,029361004	0,86242617	0,729330624	1,043986359
0,837097866	0,84783119	1,024445437	1,08257963	1,098052884	0,970678368	1,28916537	1,009809612	1,24571197	1,09490544	0,88781933
0,976976142	0,937050161	0,972646824	1,167741083	1,065121575	0,853860466	1,422997855	1,070327135	1,110867521	0,909579342	0,982042285
1,072038642	0,97493016	1,090763259	0,969075738	0,918760183	1,155774217	0,86601182	0,790144439	0,835191611	1,090605189	0,924861029
1,565989929	1,257089509	1,05838967	1,177215174	0,934570495	1,103503965	0,784392362	0,872096652	1,277608193	1,128533906	0,994319884
1,492175916	1,305283752	1,192899607	0,86454857	0,840609718	1,631194536	0,930184677	0,980971489	0,514521982	1,575046179	1,142688074
1,235004077	1,32034671	1,056364255	0,883314458	1,107413546	0,956158688	1,145716187	0,857246369	0,8072434	1,03643598	1,288727412
0,875014599	0,959230458	1,044121807	0,932384243	1,004894781	0,949499318	1,021790231	0,922599835	1,304230865	1,132942633	0,932180442
2,259451543	2,335791098	1,271574984	0,739396843	0,622853087	1,175690431	0,569550895	1,368664499	0,664237015	1,184192211	0,905364527
0,449639446	1,012904335	1,185334111	0,787473723	0,653591857	0,851441618	0,546606881	1,434873682	0,54678543	1,444092626	0,884021139
4,680427801	3,198836313	1,034126057	0,771868563	0,586678519	0,970144416	0,560971008	1,373071068	0,359652797	2,593680618	0,92640376

IGF1R_pY1135_Y1136	IGFBP2	IGFRb	INPP4b	IR-b	IRF-1	IRS1	Jagged1	Jak2	JNK2	JNK_pT183_Y185
0,963931986	0,92379931	1,118917668	1,0448453	1,270201311	0,553958262	0,927650127	0,939114462	0,969747864	0,951161215	1,043682722
1,021453312	0,872290119	0,835360768	0,965240912	1,104968655	1,082058033	1,017348773	0,925626139	1,013758681	0,98557421	1
1,162504905	0,828774673	0,533480543	1,120922497	0,644759668	1,918551167	0,716596994	1,024424025	0,802834607	0,859621301	1,112814
1,080143575	0,868889	1,301601865	0,818984233	1,034532518	0,659931484	0,837298829	1,069097911	0,876487686	0,944514823	1,074612049
0,970188433	1,150275299	0,756279705	0,88901078	1,341806106	0,56595326	0,95242923	1,012765276	0,928450809	1,159680605	1,003904903
0,877354978	1,269866479	1,452017158	0,937184406	1,278371861	1,119535041	1,296444175	1,115800533	1,011326477	1,063537695	0,959421681
1,067667841	1,142819143	1,111790125	0,9839931	0,990486375	0,808119453	1,147630918	1,07240334	0,950401572	1,08720175	0,986865068
0,954165613	1,010408929	0,95248368	0,914036757	1,360853339	0,939810194	0,82629378	1,180976687	0,969078335	1,023857414	1,096938095
0,938719242	0,755582094	1,232725539	0,974572996	1,13754664	0,556858048	0,970806042	1,012934621	1,038561293	1,359068546	1,0215221
0,966056992	0,79750487	0,805272496	0,95819623	0,901102259	0,928225548	0,862076919	1,040696842	0,907634442	0,934841786	1,134407058
1,059504942	1,04144079	1,007749889	1,013784271	0,978239122	0,870678058	1,114802495	1,083470601	0,805547636	0,852227254	1,012905704
0,995843934	0,963002227	1,211403073	0,983085582	1,064259559	0,798710475	0,983491198	0,898328555	1,006107665	0,920754567	0,999376526
0,957423517	1,261185007	0,958211153	0,957106138	0,70954048	0,877429377	1,492749821	1,226763997	0,900631192	1,152904876	0,925821638
1,002288526	0,853580314	0,677575895	0,980781739	1,034168628	1,98927273	0,82836314	1,026830808	1,19411814	1,036337537	0,777725833
0,954133456	1,247558459	0,876179937	1,006795231	1,000973438	1,231129041	0,924115175	1,091773311	1,009398444	1,364150661	0,962196962
1,052543359	0,981464204	1,370088633	0,94895571	1,150889796	1,535115584	1,164225847	1,175353185	0,92811749	1,173717395	0,974234248
0,903655851	1,302509131	0,859421749	0,945713313	0,797275325	1,384146743	0,835483473	1,017524779	1,21955427	1,055037163	0,901517753
0,967541244	1,095456044	1,097375448	0,940743835	1,423881331	0,893387601	1	0,977888114	1,008598394	1,022155264	0,998915299
0,90141113	1,366950633	1,788587117	0,876742689	1,159226958	0,622912602	1,557932847	0,904098381	0,881008494	1,074386877	0,987007988
0,886185341	0,840436618	0,665484153	1,04589034	1,061192462	1,585358273	1,043955287	1,071097656	0,874384376	0,931888388	1,080535863
1,183872221	1,040942093	1,554702125	0,946109101	1,144815303	0,784516802	1,155937307	1,049671766	0,727778839	0,973458081	1,106853163
0,647322797	0,84751295	0,809757781	0,799420333	0,557675987	1,850275641	1,036500161	1,050319517	0,685915834	0,918428833	1,123888467
0,96118929	1,007587289	1,32437168	0,960691493	1,322298011	0,776419454	0,986191527	1,178575567	0,975283997	1,078187509	1,010337627
0,947374952	0,968348853	1,054096575	0,94938241	0,944110901	1,125254471	0,892711659	0,939067779	1,098573084	0,827778051	1,023730441
0,999978627	1,775840653	0,557664773	1,142153027	0,602214575	1,026728239	1,048016453	0,928902599	0,814247378	1,00724012	0,917856046
0,943185006	2,00300738	0,619963882	1,049725145	0,843976675	1,305874705	1,010253937	0,913703925	0,736708794	1,188324236	0,919718834
0,837474262	1,442790049	0,854735613	0,808369267	0,781304954	2,242135912	1,072428007	1,109107894	0,663609414	1,259740658	0,799734069

LC3A-B	Lck	LDHA	LRP6_pS1490	MAPK_pT202_Y204	Mcl-1	MCT4	MDM2_pS166	MEK1	MEK1_pS217_S221	MERIT40_pS29
1,016596909	0,885767516	0,869384814	1,048477911	0,83850575	1,151420529	0,82126549	1,108763364	0,869384814	1,044813711	1,304845059
1,005151876	0,902048348	0,915806141	1,184701776	0,979580984	1,16249644	0,819572802	1,198002682	0,915806141	1,034264492	0,896479757
1,042034595	1,151972966	1,131397804	0,915404526	1,216246678	0,851800991	1,032275686	1,147323453	1,131397804	0,989569788	0,742595883
0,966847506	1,005554761	1,183189393	1,00374454	0,880557902	1,033932272	1,250478339	1,058672487	1,183189393	0,887381809	0,954026931
1,027405586	0,839653052	0,848996338	1,112814821	0,955480323	1,145188583	0,905586643	1,232204826	0,862211	1,00446864	1,198959903
1,056348237	1,112785576	1,135767418	0,875504298	0,821955909	1,091971785	0,726444898	0,969303943	1,096790164	0,969348781	1,053487122
1,081734361	0,786156445	1,086739658	0,945014959	0,915902103	0,924418962	1,820403696	1,170418073	1,043445781	1,02749216	1,266963878
1,463200215	0,900908735	1,334799989	1,185050057	1,121479187	1,28081049	0,729754806	1,280730006	1,334799989	0,943429961	0,828436327
0,974136547	0,738884506	0,890984391	1,126405627	0,99516408	1,037871882	1,333516685	1,14382713	0,890984391	0,994462257	1,168420846
0,80752977	0,907238272	0,785632569	1,188061876	0,817520837	1,058113097	0,888123118	1,275200072	0,785632569	1,069930987	1,293506319
1,030438573	1,028336138	1,057420285	0,915345123	0,710592619	1,090110597	1,248438406	1,020564627	1,057420285	0,933839677	1,091115161
1,054678755	0,774833272	0,983226513	1,259468263	0,77281965	0,988400034	1,310090949	0,967594158	0,983226513	1,013363605	0,95744768
0,899527221	1,098748589	1,014984308	1,003209526	1,052165366	0,862560416	1,219696529	1,536644662	0,807683589	0,976462539	0,951256664
1,144694392	1,885135421	1,129335468	0,917461689	1,103159538	1,101256611	0,653760379	1,11343885	1,129335468	0,859267552	0,997598155
0,886423506	2,199748293	0,898645048	0,883457115	0,966349494	1,256514998	0,948383889	1,349374821	0,898645048	1,006786467	0,887397156
0,869098332	1,159105238	1,175731916	1,031610618	0,962005452	0,900458485	1,165852724	1,21881748	1,027307626	1,000894361	0,980712202
0,963081945	2,103376533	1,01918828	0,972094316	0,894959895	1,361053413	0,862770718	1,261251753	1,13269813	0,924878699	1,238479606
0,865646656	0,940189671	0,962329745	1,278523212	0,914833746	1,058402092	0,771056497	1,440844198	1,089089241	1,006411906	0,858158343
0,798177965	0,819176658	1,147273455	1,133317016	0,892235972	0,833849803	1,013930337	1,243769725	0,952476186	0,992651857	1,224457287
1,023229574	1,422399248	1,374071717	1,180736139	1,386290818	1,151854266	1,113049522	1,206570261	1,374071717	0,906465244	0,822086188
0,839048184	0,774319328	1,263434755	1,022540642	1,044477473	0,841086968	1,018098587	1,100169927	1,263434755	0,894184307	0,856249723
0,845222597	1,081525886	1,975982845	1,017053746	0,928588083	0,489001617	0,664428242	1,64166588	1,975982845	0,847015803	1,131124506
0,848287935	1,391947118	0,986457081	1,009421501	1,091100996	1,126334386	1,224691436	1,286112066	0,986457081	1,127873873	1,001764457
0,9625595	0,963506501	0,949246349	1,229314228	1,040483671	1,359925997	0,859221623	1,223987627	0,949246349	1,053270679	0,961127593
1,019820933	0,738949496	2,308844355	0,904300636	1,126056858	0,799888882	1,417064891	1,037066888	1,616932156	0,935498267	2,183517967
1,333954614	0,809330251	2,358333435	1,043090689	1,169290259	0,818378624	1,161325827	0,970583001	1,387126502	0,824946081	2,046556959
1,045217648	0,885887247	2,172345353	0,971344361	1	0,766228873	1,194233298	1,861534973	2,172345353	0,944579122	1,805303095

Merlin	MIF	MMP2	Mnk1	MSH6	MSI2	mTOR	mTOR_pS2448	Myosin-Heavy-Chain-11	Myosin-IIa_pS1943	Myt1
1,03751251	1,149713758	0,973275109	1,128837875	0,982119569	0,693055984	0,861570616	0,821734848	0,403735669	0,869384814	1,234192718
0,995490948	1,113588887	0,965066948	0,911186994	0,935187317	1,070011893	1,078506472	1,128140308	0,730576205	0,915806141	1,068370079
0,648548317	1,072290329	1,122300606	1,122813984	1,137537326	1,578551081	0,590048366	0,71980694	0,96472008	1,131397804	0,854119208
0,756151871	1,090551006	0,981613247	0,923406009	0,763634361	0,664184651	0,882477372	1,053144636	0,562265312	1,183189393	0,980670075
1,010056076	1,101487302	0,984294037	0,927597154	0,880109369	0,760307666	1,200339515	1,23571096	0,777282889	0,787643965	1,080601003
1,095315426	1,13719021	1,060617971	0,834105223	0,935286045	1,166767292	1,045391202	0,55068598	0,849224258	1	0,982141244
1,024839771	1,260168452	1,034600162	0,794347893	1,014484928	0,933539324	0,919161781	0,895221291	0,596763241	0,92930878	1,055481091
0,838804167	0,990723614	0,951788203	0,915705594	0,856345741	0,947212535	0,919727337	1,168166678	2,061934568	1,334799989	0,99005854
0,91433929	1,173729332	1,006507122	1,10545649	0,717910516	0,757392655	1,292729048	1,233071109	0,627770097	0,890984391	0,982947778
0,985547263	1,157995568	1,002287254	1,008128755	0,98186677	0,953592911	1,06019205	1,241291848	0,750225754	0,785632569	1,055727339
0,991616213	0,952495523	1,040752837	0,868726738	0,70049341	0,908338862	0,91703514	1,096206965	0,779137564	1,057420285	1,058619781
1,053807078	1,120425576	0,991132315	1,059341681	0,715004147	0,827346964	1,21683839	1,492230125	0,677870868	0,983226513	0,934189644
1,030283376	1,176565544	1,086355333	0,99356685	3,924871729	0,947910306	1,187289289	1,316581941	293,953477	0,807683589	0,958901751
0,756216424	0,962107244	0,984056791	1,537193431	0,935614489	1,675197774	1,139486153	1,206208147	44,2788609	1,129335468	0,833273967
1,00019248	1,188772743	1,022399616	1,366860214	2,585263415	1,094647926	1,031688935	1,103638782	0,91046629	0,898645048	0,873332338
0,973019207	1,062750423	0,928861834	1,040296935	2,69226294	1,459380535	1,032375478	1,134423417	1,541905634	0,943653081	0,942582638
1,045170696	1,022031413	0,896868186	1,337127623	0,967247994	1,263269725	1,146580675	1,209068259	1,400705465	0,792985253	1,082044535
1,060305964	1,13570824	0,840383812	0,829789602	0,931275709	0,97184603	1,183455308	1,300026684	0,897814869	0,92304201	0,975240498
0,998526719	1,038380144	0,92929718	0,979547986	1,05016363	0,743034861	1,373822306	1,225270929	0,736000694	0,768032445	1,071773289
0,692752814	1,051117456	1,067968165	1,122117228	1,434054949	1,322960741	0,898492659	1,135960792	2,259755987	1,374071717	0,840245285
0,787547699	1,110822385	0,971678011	0,869478482	1,096220722	0,701910056	0,776379959	0,831855449	0,568761838	1,263434755	0,843992393
0,8487584	1,125991923	1,29622275	0,817091091	1,267698912	1,834875694	0,551403819	1,112234555	48,93540834	1,975982845	0,973308101
1,259191414	0,889794665	1,159860933	1,222103834	0,74393369	0,840389308	1,184350194	1,482776579	0,893805317	0,986457081	1,058141566
0,92436426	0,998837708	1,064737325	1,092076723	0,763446037	0,944925041	1,028471065	1,284120262	3,434426202	0,949246349	1,016528998
0,793812301	0,90031492	1,310251797	1,096512735	1,321978612	0,959693404	0,628429658	0,596420497	53,01071797	1,091009894	1,265529892
0,775251859	0,93444739	0,757793186	1,09712442	1,075639824	1,290874647	0,682866547	0,63399926	95,82640676	1,014495827	1,193220269
0,765132672	0,912884651	1,042414284	1,112747295	1,393675986	2,187407395	0,702759816	0,802231146	16,46188768	2,172345353	1,242895045

N-Cadherin	NAPSIN-A	NDRG1_pT346	NF-kB-p65_pS536	Notch1	Notch3	Oct-4	P-Cadherin	Met_pY1234_Y1235	p16INK4a	p21
0,907799347	0,973576468	0,79509645	0,948961674	1	1,017497131	1,024863341	0,942904386	0,86306001	0,961996733	1,017507133
0,973027481	1,007002379	1,037041584	1,146008476	1,046111106	1,095624577	0,969151423	0,925533572	1,259823078	0,889588549	0,839609133
1,128563764	1,102349088	1,853542962	1,088130609	0,675142002	0,930640199	1,165805125	0,972959818	0,745570797	0,839365216	1,565781587
1,067989265	1,094834181	1,276789683	0,971865969	0,782353788	0,943025734	1,006261273	0,826551652	2,178987282	1,022471585	1,064812813
1,011702018	1,103925844	1,965841759	1,120874005	1,1067517	1,010170594	0,919543957	1,018181294	1,119070998	0,858782276	0,928399324
1,059056908	0,963235048	0,223060666	0,769441403	1,182131487	1,143240774	0,946515225	1,363329143	0,651302121	1,219062202	0,718953697
1,033021531	0,956636148	0,437450177	0,953803798	1,055690299	1,062365413	1,091402215	4,906684496	0,81571637	1,161619179	0,904392176
0,829681267	1,046023833	1,016594839	0,890395453	1,064756082	1,079863962	0,982687357	0,830893411	1,200115414	1,751598668	0,778110096
1,000464373	0,980514317	0,858018913	1,191543113	1,288407824	1,003072351	1,012298263	1,048919823	1,058455889	1,045831542	1,003089591
0,909051369	1,221088642	0,813586932	1,012389533	1,105182806	1,081472695	0,900841132	0,930706282	0,970877698	0,834594324	1,119815175
0,773120387	1,038635719	1,07113835	0,679689717	0,95690224	0,996721122	0,892515956	0,98260267	1,341926824	0,707425305	0,970614531
0,95579699	1,013583929	4,263460592	1,162643647	1,519635807	1,028080198	1,065304767	0,828990683	1,309547091	0,990388862	1,094576667
1,064712874	0,832386951	3,092039389	1,176192395	1,419396838	1,012187557	1,154055967	0,984336702	0,58853928	1,223978673	1,103101172
1,015736434	0,988981791	1,824356781	0,95377778	0,678513889	0,859364357	0,870258076	1,117339989	0,716201694	1,003427054	1,082366171
1,125206266	0,940852936	0,806455932	1,0359667	1,021818085	0,954354645	0,949240901	1,009225813	0,714329755	1,301210833	1,031447067
1,104480377	0,978191195	0,992806635	1,016962123	0,974135976	1,038970594	0,997738332	0,997932073	1,02851646	0,955780344	1,065241189
0,955668465	0,885252719	1,239907315	1,003167472	0,821784747	0,968734446	0,848813703	0,987063282	1	1,010181649	1,002102525
1,021315252	0,974631284	0,911067254	1,13074306	1,352469788	1,066106916	0,938624442	1,002691509	2,169154008	1,286469942	0,915226086
0,937030539	0,873530636	2,907642321	1,045596523	1,149661115	1,064479338	0,915168472	0,924959992	1,565514032	0,96122835	0,983720813
0,89904873	0,936569616	1,233875876	1,066275166	0,776236804	0,881457611	0,989948672	0,958808888	1,384068135	0,901430696	1,201051312
1,058104217	0,916716498	1,700215217	0,958151361	0,717088013	1,071836673	1,242105947	0,854592288	1,791343887	1,032509594	1,165574036
1,067797812	1,112082481	0,738916296	0,863158239	0,927703565	0,998451823	0,824400179	1,06122827	0,677758136	0,651896838	1,319589666
0,903858192	1,00398102	2,48537846	1,03821956	0,954591485	0,941456022	0,840536698	0,811435509	1,659748136	1,428397803	0,994809977
0,951624118	0,987503795	2,865911183	1,402400334	1,049430406	1,007686779	0,970289301	0,760481005	2,391643494	0,854931408	1,031506238
1,071768342	0,939051762	0,597728308	0,953890966	0,870326248	0,713957167	0,909711289	1,369907476	0,515514337	0,925537199	1,242135556
1,172725615	0,975041807	0,943079948	0,987755422	0,926425268	0,701990652	0,820700543	1,372288938	0,587825193	1,007105696	1,325567322
1,140698638	1,035748683	0,871193254	0,929858271	0,679714688	0,793507415	0,976925792	1,377748187	0,595376807	0,766191185	1,345371701

p27-Kip-1	p27_pT198	p38-MAPK	p38_pT180_Y182	p44-42-MAPK	p53	p70-S6K1	p70-S6K_pT389	p90RSK_pT573	PAICS	PAK1
1,190345081	1,002265522	1,077699534	0,833320185	1,292901327	0,865302841	1,197179028	0,934396381	0,772600576	0,952102266	1,234695402
1,091079005	0,985696935	0,888347247	0,832207757	0,973948692	0,928490451	1,26391758	1,004805496	1,189734178	0,886093897	1,230010481
1,158365499	1,04261697	1,140975333	1,201438516	1,034464335	0,943192027	0,772760315	0,99225317	1,250976373	0,643075627	0,410232093
1,053079568	0,815422732	1,124187285	1,306894909	1,079922135	1,019157169	1,055113804	0,938158931	1,153141893	1,167255232	0,893610747
1,033752677	1,054208295	0,765418108	1,235068809	0,871681366	0,980506143	1,142275115	0,866083708	1,189787695	0,839677295	1,402834747
0,977798364	0,999297093	1,160184448	0,622388247	1,081683503	0,996776382	0,907793265	0,845216009	0,656453291	1,060063034	1,080809485
1,075803191	0,951816539	0,944173265	0,659301593	1,025279428	1,004180217	1,217480884	0,830452832	0,727665148	1,019358437	1,009798919
0,964672675	0,863882333	1,323500617	1,62588548	1,045439333	0,873363501	1,385971798	0,850441212	0,952185465	0,773752029	0,979383042
1,034721643	0,925828571	0,905065204	0,876004019	0,987781236	0,945561891	1,599210891	0,952486271	0,862107253	0,942569872	1,305920003
0,993543645	1,089405585	0,901545114	0,91165953	0,775354686	1,029107524	1,105469577	0,857640748	1,041399905	1,231711414	0,91963244
0,98053013	0,945363281	0,954985921	0,734018303	1,030084202	1,054366375	1,059691858	0,876009136	0,810063586	1,446722616	1,068952783
0,997545257	0,994949834	0,918742506	0,89838299	1,044275794	1,068647162	0,881361461	0,971984724	1,655171137	0,996467749	0,968477876
1,209692285	1,001808189	1,0205517	1,394657467	0,868331536	0,955915983	0,981324799	1,190778117	1,915563815	0,83200736	1
1,097568087	0,875278987	1,535768128	1,379069371	1,214359835	0,984495828	1,041222959	1,131302756	1,301401162	0,831883895	0,904739487
0,962570393	0,987598496	1,431768424	1,358779443	1,04563897	0,901240404	1,013868091	1,061192529	0,887868979	0,846051552	1,102833857
1,113005285	0,944316381	1,066999107	1,210224245	1,032252817	1,034859911	0,957240643	0,98275118	0,832522467	1,244192116	1,035029733
1,038465501	0,942059389	1,273524052	1,216055752	0,906916481	1,05340187	1,324021585	1,199228823	1,038875808	1,19282651	0,833116892
1,094562739	0,991611446	0,998069986	1,096236719	0,913355671	1,024469336	1,536117087	0,921434083	1,140329788	1,279773485	1,036151865
1,097141178	0,977933568	0,998056545	0,822735812	0,881888125	0,91308238	0,965690224	0,96678597	0,97837733	1,391149104	0,882311698
0,940378634	0,790123076	1,206430882	1,397174372	0,999973953	0,910973263	0,957080164	0,955176258	1,387492697	0,996390458	0,80930932
1,027761835	0,817573969	0,762090541	0,784691504	0,983714136	0,944371054	1,159850771	0,916701051	0,934334455	1,134615185	1,379674925
0,787135488	1,050038394	0,670720232	1,532348151	0,375274943	1,040188475	0,516417739	0,941450088	1,956682813	0,838780161	0,437790981
0,972091291	0,99729365	1,258597383	1,820232192	1,126191685	0,891111148	1,022955741	1,022639112	1,991901058	1,395983007	0,975698527
1,00102756	0,962585282	0,968945351	1,100929859	0,959207674	1,040963917	0,947207158	1,024858901	1,440027058	1	0,920104829
0,902034538	1,043460912	0,513241217	0,971732513	0,528610894	1,4050874	0,640694934	1,139614728	1,473814651	0,604805199	0,486974371
0,934053617	0,826585289	0,403423996	0,855718787	0,607342885	1,364772155	0,660951351	1,324396067	1,359679186	0,577996697	0,588945995
0,824504616	0,945871767	0,953449985	1,230276979	0,504269947	1,161792538	0,61005565	1,122439535	1,879954794	0,922133605	0,405099397

PAK4	PAR	PARP	Paxillin	PD-L1	Pdcd4	PDGFR-b	PDHK1	PDK1	PDK1_pS241	PEA-15
1,008511218	0,949483072	1,244225846	1,169322915	0,849401633	0,937328255	0,726457288	1,045458606	0,761037834	0,94075097	1,210846967
0,965789423	3,706514017	1,374407367	0,67769123	0,882143754	0,8848502	1,571059101	0,978248861	0,813346235	0,952677593	0,891847939
0,872571877	0,683035101	0,724717472	0,825573635	1,133927128	0,499522605	1,698652918	1,076629628	0,75191024	0,880247851	1,028494283
0,855261567	0,722774096	0,976044021	0,928864475	1,036703915	0,83165709	1,039117014	0,941280738	0,833256553	1,082257325	1,002283787
0,918024983	1,823386809	0,982309064	0,870602076	0,878147994	1,282186647	9,265792379	0,914575581	0,878234783	1,148775173	0,97411906
1,003082514	0,462575301	0,938507377	0,96009292	0,889691798	0,441509258	1,090747532	0,987548937	1,037747758	1,410806151	1,317277609
1,032653767	2,931661544	1,490635081	1,033473762	0,889035155	0,6553009	0,777672854	1,049398224	0,715731614	0,838459122	1,18874488
0,918892076	0,402605991	1,025633411	1,156116863	0,824165259	0,589326553	1,183812517	0,913055935	0,863728683	1,218710643	1,039877386
0,970840662	3,318713526	1,326271773	0,813304419	0,873319913	1,130988863	0,776550391	0,987164259	0,726843983	0,909152499	1,134701079
0,896802698	2,002969958	1,331369947	0,911486107	0,928547528	1,46553439	0,760814406	1,047477766	0,894606623	1,144621504	0,942978677
1,19356846	0,678830143	0,993011017	1,070110221	5,497039886	0,971335224	1,891477383	1,009613243	1,506797707	0,945984942	1,368007614
0,936419736	1,188740872	0,97743926	1,020483641	1,485707452	1,998147614	1,250282762	1,024469428	1	1,319576263	1,043764104
0,938886336	0,733269995	0,851663008	1,347637862	0,805877952	1,469133625	0,569399542	0,900843843	0,873838927	1,177096535	0,804922304
0,926435698	0,697254454	1,07448589	1,253805537	0,94029811	1,002909881	2,804433625	0,95585206	0,786350315	1,148269546	1,080301195
0,895874962	1,199803678	0,996182448	1,011268282	0,910016096	0,905061992	1,050272069	1,028253536	0,88331449	1,016984973	1,227421316
0,855931936	0,854606627	0,898078348	0,997702542	0,909184654	0,931917055	1,113767378	0,945923224	0,924392227	1,003565286	1,182178205
0,907141493	0,942113939	1,563988453	1,066695703	0,850153065	2,177939753	1,109370868	0,868736571	1,005211942	1,322229655	1,004118273
0,904157936	2,387238624	1,465535927	0,927076308	0,876205094	1,242974239	0,852018658	0,954229723	0,824068395	1,241440016	0,926197678
0,89265906	3,390547926	1,095006779	1,288317282	0,813156942	1,461665166	1,073442236	0,850825393	0,973987699	1,209371573	0,987884453
1,269614636	1,515394732	1,140995825	1,036182711	4,819660264	0,961681112	1,435912774	0,953598642	2,371226971	1,077495143	1,085285739
0,925669651	0,94576349	1,000258366	0,89599018	1,01006563	0,931638106	1,798063449	1,105165535	0,742629906	0,908208619	1,033227849
1,998670773	0,723439494	1,123570998	0,881972322	22,94153439	1,961872969	1,494478198	1,294514724	4,395941425	0,553196977	0,671469645
1,00898509	0,57528098	1,197863274	1,180114378	3,350507837	2,430732349	0,877941429	0,906311295	2,157889991	1,045868521	1,177264096
1,030417439	2,810951451	1,282743957	0,957952642	3,515948827	2,615564077	0,979233078	0,955019558	1,464811125	0,933331587	1,148629839
2,033828789	1,204290678	1,097431558	0,739853675	38,30942767	1,436991395	0,953770616	1,089825531	11,73716828	0,537868225	0,823366673
0,993005284	1,12222345	1,094565514	1,010061816	0,958722394	1,366271846	0,975952474	1,015597129	0,708394225	0,752944389	0,649386914
1,233962886	1,367253434	1,235225418	0,996057153	4,447379407	1,032068823	1,162460878	1,287499768	8,386683086	0,837620716	0,676131151

PEA-15_pS116	PI3K-p110-a	PI3K-p85	PKA-a	PKC-b-II_pS660	PKC-delta_pS664	PKCa	PKM2	gamma2_pY759	PLK1	PMS2
0,948732575	1,136447061	1,068873588	0,984248802	1,013517202	1,063355977	0,98775855	1,193374647	1,081900748	0,869384814	0,869384814
0,961183367	1,090306639	1,036097026	0,918375431	0,815233416	1,030515824	1,022078288	1,102529476	1,170640309	0,915806141	0,915806141
1,27477249	0,784813083	0,707399062	0,862231752	1,110485933	1,207939721	0,715698568	0,92515778	1,060132674	1,131397804	1,131397804
1,064515115	1,000462077	0,905676997	0,904312498	1,185794743	1,04823176	1,443737719	1,195651936	1,090700509	1,183189393	1,183189393
0,877641559	1,033741067	1,080331611	0,865328649	1,095334696	0,941791561	1,385700183	1,402931234	1,185238822	0,787643965	0,787643965
0,891854202	1,09542718	1,331209385	0,979534896	1,219888027	0,998041584	1,395086076	0,228054156	0,91714639	1	1
0,92940006	0,965052832	1,04944021	0,942483225	0,825534071	1,035460002	0,608122898	1,559513536	0,914799783	0,92930878	0,92930878
1,056727154	1,107038899	0,83029428	1,299646188	1,236174394	0,945949122	1,016145267	1,035191931	1,160381632	1,334799989	1,334799989
0,924034901	1,107459347	0,960699453	1,145378556	0,889022468	1,065807106	1,58614248	1,121955917	1,100741584	0,890984391	0,890984391
0,910405201	1,130310446	0,906655968	0,936367184	1,008393601	1,096167287	1	1,139811952	1,163707978	0,785632569	0,785632569
0,950864352	0,976032905	0,92618886	1,033007469	0,945210782	0,997056899	1,383412519	1,440437931	1,084432808	1,057420285	1,057420285
1,060975932	1,052025935	1,008984003	1,030006973	1,129662365	1,041340505	0,888710717	1,228223885	0,982560179	0,983226513	0,983226513
1,186423503	1,092847668	1,567419989	1,408155097	1,776066326	1,008680417	1,293045492	0,753240265	1,1276144	0,807683589	0,820931135
1,129224541	1	1,220700965	1,191270362	1,61359843	0,905187627	1,193051106	0,67807188	1,109716344	1,129335468	1,129335468
1,072966852	1,091055852	1,284467032	1,076337725	1,954480343	1,044439087	0,814551801	1,231315148	1,274513759	0,898645048	0,898645048
0,910173104	0,950635438	1,071544674	0,941005666	1,224078624	0,945501146	1,438554048	1,302665286	0,960068199	0,943653081	0,943653081
1,136237876	1,041927822	1,389362744	1,403938149	2,045459246	0,958822647	1,542692895	1,01054689	1,350011777	0,792985253	0,821716878
0,912695163	1,191524362	1,064746816	1,104042884	1,119780766	0,999797734	1,600846767	0,918639755	1,047353067	0,92304201	0,92304201
0,84038619	1,062573086	0,971369359	1,311438675	1,09675763	0,945443431	1,318065601	1,322462047	0,969584274	0,768032445	0,853180905
0,856116527	1,024391866	0,928026326	1,05736049	1,128069499	1,062995201	1,56283231	0,725970026	1,087429255	1,374071717	1,374071717
1,030372882	0,940121754	0,9949424	0,795501026	0,791406526	1,162332919	0,878487578	1,259673402	1,038015005	1,263434755	1,263434755
1,182712655	0,763361791	0,61835015	0,820076756	1,215395903	1,204161641	1,013699103	0,450631101	1,413339009	1,975982845	1,975982845
1,032035347	0,979158005	0,96061496	1,074905074	2,098133088	0,983970589	0,783546478	1,300878661	1,342033335	0,986457081	0,986457081
1,01732084	1,196631789	0,864070921	1,02589461	1,171154156	1,003116274	0,895691105	0,952072336	1,289283157	0,949246349	0,949246349
1,107706131	0,743959135	0,759704813	0,40195522	0,705040044	1,008786409	0,673514176	0,344863238	1,091749273	1,21104404	1,909150194
0,989134917	0,845617373	0,930669663	0,390212412	0,788473653	0,898606955	0,571519095	0,460984102	0,951953309	1,2774609	1,684543271
0,889585482	0,817523619	0,838561591	0,485458745	0,854188808	1,014178511	0,9798212	0,495412387	1,115854944	2,172345353	2,172345353

PRAS40_pT246	PREX1	Progesterone-Receptor	PTEN	Rab11	Rab25	Rad50	Rad51	Raptor	RBM15	Rb_pS807_S811
1,026829772	1,050184247	1,080115009	1,005460294	1,070154834	1,127594726	1,165325057	0,981281383	1,012687225	1,488230682	0,918489598
0,986150033	1,04358813	0,999886045	0,892706119	1,035260339	0,986315061	1,215743674	0,91630983	1,029916301	1,282269056	1,032926598
0,773792109	1,022678141	1,057004039	1,110147839	1,457344071	0,835036777	0,580377653	1,235290424	0,648200038	0,4902366	0,787991418
0,860289828	0,804579879	0,884643096	0,895121853	0,996161473	0,99663848	0,904440279	0,874094235	0,796082844	0,937684483	0,824063016
1,363534304	1,080110593	0,955782828	0,900742544	0,972319181	1,06870357	1,162248611	1,028782333	1,204213241	1,348858366	1,535870354
0,788871902	0,923314035	0,925424125	1,061041838	0,940475331	1,201081505	1,072965	0,931954254	0,840652333	1,057102439	0,696476001
0,997292474	0,936064196	1,060105237	0,995550771	0,967987433	1,152631938	1,228102445	0,928797665	1,076014378	1,236955634	0,647241262
1,294809336	0,858397482	0,891238305	1,033930113	0,855440521	0,800711887	1,090968375	1,082620128	0,947546035	1,131769518	0,929656158
0,984171735	0,940639601	1,199736482	1,181808728	0,954271988	1,150904668	0,939960033	0,944653257	1,275423262	1,150165192	0,975046479
0,978690739	0,92799341	1,001319727	0,898331632	1,084447099	1,246051762	1,041827192	0,94836289	1,182267654	1,126962255	0,866168858
0,770014012	1,013826434	0,965126377	1,020739127	1,142736405	1,00053879	0,934578586	0,919435176	1,058224528	0,877629712	0,736467851
1,236758131	0,953706816	0,877118611	1,001693519	0,953086312	0,859924968	1,020105663	1,050610078	1,059602105	1,319493921	1,161033123
1,657134768	1,2835323	1,051916115	0,587378969	1,147809814	1,0536683	1,151248525	0,852745478	1,070839334	1,004419939	1,587719833
0,818671945	1,159905581	0,930516846	1,174992124	1,045454254	1,036391072	0,924701456	0,615684829	1,040885162	0,678607715	0,812520281
0,925568484	1	0,959067596	1,049585391	0,947909371	0,906562264	1,005610508	1,064464488	1,260392863	0,959385007	0,931400565
1	1,128448256	1,072010728	1,036028609	0,961147203	0,935339336	0,872554809	0,802718133	1,01900945	0,889768188	1,138858904
1,043560951	1,191459323	1,071255091	0,98046051	0,843776674	1,182604402	1,20538135	0,977213531	1,098405625	0,864692105	1,495908301
1,159998938	0,936584288	0,951473527	1,107356236	0,882316542	1,166960015	1,235989872	0,97106787	1,142692684	1,021645954	1,232852253
1,479056289	1,120835538	1,099580134	1,28836633	0,986913996	1,03896793	1,30831411	0,941231002	1,200891332	1,263328099	1,082961111
1,006134848	1,018823222	0,960372873	0,96636917	1,139939307	0,85464162	0,726684762	0,921384287	0,876795057	0,720612429	0,957007974
0,908906517	1,002132369	1,10256127	0,866823302	1,108918104	1,065524689	0,729336331	0,932622122	0,902211083	0,735133746	0,890645101
0,960068687	1,132609829	0,976047824	0,382377744	1,069150666	0,98851124	0,764002473	1,511219908	1,105820392	0,469676465	1,376224629
1,231765821	0,87765853	0,956072255	1,29923238	1,103376036	0,972229276	1,139683835	0,964128813	1,32411987	1,098380617	1,036470882
1,725056124	0,942346001	1,084541388	1,074399583	0,957563734	1,180198468	0,954416626	1,079978915	0,94852438	1,1572205	1,727301584
0,979154843	1,685366443	1,523112976	0,606179838	1,061469605	1,791792467	1,054657298	1,342275887	0,688926573	1,013377674	1,068424358
0,77933938	1,690271015	1,642377051	0,595035898	1,00560672	1,880065593	1,008970155	1,374152726	0,723492948	0,913103967	1,035497407
0,960354811	1,277035593	1,178215713	0,570720295	0,828881401	1,659141028	0,942172003	1,429366241	0,614034358	0,652681034	1,512986403

Rictor	Rictor_pT113 5	RIP	RPA32_pS4_S8	RSK	S6_pS235_S2 36	S6_pS240_S2 44	SDHA	Shc_pY317	SHP-2_pY542	SLC1A5
1,327776901	0,904227673	0,926987351	1,097754534	1,02125946	1,067831132	1,118803103	0,955860022	1,170592463	0,849959485	0,819590002
1,688080549	0,912132664	0,916520742	1,19844302	1,003642265	0,737863774	0,733162707	1,064857191	0,992518138	1,037960153	0,855939523
0,510298407	1,548288011	0,857731662	0,73870385	0,556302306	1,357354049	1,092084604	0,750096129	0,953230837	0,954444615	1,057437872
1,000124845	1,064405757	0,567508594	1,01525174	1,313705779	1,673320198	1,411966752	0,894708279	1,204986895	1,209626298	1,105843824
1,592187833	1,021401171	0,99441702	1,083669551	0,880318531	1,38251747	1,325033732	1,027308369	1,043207173	1,045988352	1,409090101
1,233754787	0,730237821	1,060230684	0,780858461	1,056856119	0,48004743	0,469201614	1,05933113	0,697811601	0,609918018	1,010402526
1,415163637	0,891344406	0,928583643	1,105180729	0,91832939	0,691919947	0,798333744	1,196461819	0,821110019	0,7676151	0,935565186
1,279913158	1,041237397	0,800409028	0,981491389	0,770303246	2,918392201	2,420848242	0,920334084	1,10976255	1,021305711	1,247543573
1,847974823	0,918549642	0,952415819	1,03204694	0,891939199	0,614909257	0,660094033	0,969932776	0,911753512	0,961520256	0,832740381
1,440554872	1,050723311	1,302719603	0,929120143	0,962877355	0,713635426	0,831610274	0,92640485	1,282852487	0,951288219	1,363967859
1,043127954	0,913334661	1,144909157	0,732602814	0,906880081	1,418018895	1,303294893	1,085013965	0,955019738	0,870511646	0,988296293
1,801383083	1,384682002	1,101947	1,171700148	1,151029781	2,355104631	1,922537544	0,837036446	1,30715014	1,124939813	0,918952598
1,642179313	1,582005204	0,935481931	0,996863446	0,930246313	1,322681905	1,184627694	0,879168929	1,149749579	0,940780614	1,03487985
0,868924675	1,133865453	0,707058739	0,748297783	0,954753242	1,17286237	0,956578839	1,049471131	0,96054705	1,008432028	1,588098731
0,910791338	1,08955092	0,883074102	1,045812276	1,190605324	1,044868929	1,046405551	1,051308534	0,821319644	0,979805379	0,845997786
1,211323734	1,198071475	0,788601404	1,095927888	1,101453729	1,134295824	1,110167932	0,997640531	0,926268476	1,083368978	0,922187547
0,980737444	1,016458266	1,329401048	0,985362219	1,087354756	1,121891285	1,108718817	0,887515174	0,916956371	0,886021232	1,461399627
1,634175436	0,940225632	0,986959835	1,169444326	1,12896797	1,544463149	1,629991542	0,890938102	1,203906973	1,069943743	0,916827794
1,759431707	1,041662053	0,975632859	1,057331427	1,355010392	0,720879861	0,794719622	0,866844495	1,195081061	0,978639117	1,246342441
1,074991705	1,241982476	0,681790275	0,882161103	0,854113558	1,108281641	0,892394841	0,791930953	0,809928989	1,127359521	1,284248093
1,105569449	1,137993205	0,819203679	0,849378604	1,043783541	1,214739393	1,208601627	0,919437045	0,800506096	1,02066265	1,180843514
0,558139547	1,158967018	1,062723131	0,61276954	0,464377333	1,203513849	0,819974074	0,734907078	1,362822239	0,899856811	1,846812047
0,881098085	1,01860386	0,96231541	1,126471257	1,52103042	2,832885116	2,181120258	0,981703935	1,204791983	1,172400771	1,590464893
1,813284839	1,272769216	1,106965475	1,18100596	0,948229105	1,987524831	1,795996851	0,91245412	1,348869159	1,315143672	1,425543203
0,688723848	0,96547344	2,894107647	0,759624617	0,472578734	0,326636183	0,431963284	1,096266818	1,724182207	0,945613463	2,656884655
0,739365977	0,932059632	2,846876191	0,697825335	0,640315147	0,750295868	0,842388825	1,098850902	1,400538692	1,052519798	2,8025146
0,481973104	0,921115117	2,131561711	0,70541115	0,323815247	0,608082036	0,495015141	1,44815142	1,328309794	0,800926815	3,272926537

Slf11	Smad1	Smad3	SOD2	Sox2	Src-(phospho-Y416)	Src_pY527	Stat3	Stat3_pY705	Stat5a	Stathmin-1
0,918623857	1,071437428	1,04506218	0,920966593	0,883479796	0,97909468	0,522086572	1,401620256	1,118735842	0,92915578	0,962649318
0,969293414	1,088571895	1,166566219	1,000540148	0,818422895	1,100019054	0,869286752	1,113555951	1,114806437	1,069173503	1,003719447
1,128110889	0,828359213	1,049931935	0,921803986	2,417890041	0,74283989	1,154773187	0,448183649	1,072901932	0,379111403	1,137406246
0,765505826	0,950749534	1,006586347	1,041816692	2,711438096	1,534176497	1,558775287	0,8057947	1,106494211	0,951714253	0,910942049
0,849013609	1,090749813	1,056073485	1,05534269	0,744420736	1,052690465	0,843577989	1,389401072	1,075107979	1,128045935	0,946188827
1,037447952	1,027596894	1,103998723	1,135729725	0,90462786	0,627345694	0,12303244	0,94446899	0,954488922	0,643398362	0,982551811
0,922516929	1,123663905	1,063988667	1,037429508	1,471420964	0,849704501	0,674218668	1,210414875	0,871785889	1,038119625	1,068474778
0,942297556	1,402165436	1,08389842	0,994825865	1,910331621	0,904611188	2,117227404	1,343272791	1,138544106	1,376982323	0,846953027
0,895071351	1,034519403	1,110066741	1,080294105	1,087054519	1,017552476	0,92122884	1,720470398	1,174754167	1,128746809	1,015071534
0,877649154	1,02935771	1,082901337	1,120105202	0,901619884	1,02514403	0,728780633	1,277418314	0,994052359	0,867080235	1,041198402
0,921115408	1,055394761	0,91558109	0,966029005	1,040276761	1,09812281	1,035573324	0,985044063	1,054973843	0,784816344	1,043290614
1,017593112	0,773767016	0,947572342	0,940915032	1,540193632	1,274276923	2,714539243	1,108269531	1,019555099	1,49526987	1,074381957
1,20587405	1,010473068	0,84762259	0,832702674	0,782062264	0,818433984	1,524217807	0,883232903	0,87865077	1,001933637	1,246140145
0,967392838	0,862679171	0,947767985	1,019421399	0,874281142	0,726299209	1,704641155	0,930667114	1,131948293	0,702396489	0,878135272
0,901255775	1,011681283	0,931631556	0,958315561	1,205213434	0,862850078	1,045838492	1,062029151	1,00251678	0,63155085	1,022442637
1,03415231	0,976670583	0,995962595	1,007626232	2,1428006	0,93109291	1,491544761	0,93766313	0,985831082	1,223375595	1,03114005
0,82459492	0,9990809	0,858783284	1,051122163	1,110157516	1,098191636	1,08765768	0,807702189	0,970468906	0,729399509	0,964376058
0,937611179	1,135781994	0,956513746	0,984299896	1,134578865	2,031918569	1,477063349	1,134735675	1,13445417	0,902706372	0,985723234
0,856614975	0,968765291	0,921856558	1,083755044	1,923988284	1,870535682	1,582694529	0,96764987	1,002503705	2,414335791	0,997447994
1,0769374	0,957874515	0,844326461	0,947604463	1,267259539	1,082968276	1,196048599	0,782360363	1,133035868	0,984416555	0,962718541
1,144566733	0,920763358	0,838346956	0,954583957	1,761443238	1,665446856	1,206365592	0,820192907	1,065077834	1,263570824	1,246487119
0,993627972	0,967715386	1,099691205	0,931893227	0,926972881	1,43240083	0,916896053	0,460872647	0,693376018	1,262620628	1,160577565
0,932416323	0,894875504	1,02984355	0,786149341	1,21022701	1,635977221	2,04671902	1,176483565	1,116789117	0,986350843	0,981218367
0,972210701	0,951064662	1,028634329	0,919842167	0,815495585	1,775719049	1,780360775	1,167856473	1,10274435	1,395987609	1,011567366
1,03052794	0,816469372	0,707021271	1,212889262	0,914164587	0,971642775	0,79699733	0,332741439	0,844866312	1,454613005	0,809861042
1,025580911	0,988601559	0,809113041	1,422803958	0,874641687	0,924610379	0,815380601	0,438018643	0,927004317	0,968365826	0,969971192
1,119553701	0,852868294	0,722236612	1,56309088	1,007487475	0,921373628	0,794155712	0,331404756	0,802799441	1,161463217	0,667561634

STING	TAZ	TFAM	TFRC	TIGAR	TRIM25	TSC1	TTF1	Tuberin	Tuberin_pT14 62	TUFM
1,635075879	1,359296317	1,056274663	0,869384814	1,13278611	0,869384814	1,151396659	0,97567229	0,958130252	0,886392259	1,025816648
0,982024628	1,268853401	0,877941422	0,915806141	1,089387752	0,915806141	1,032319405	1,046630843	0,677876027	0,981624513	0,999831436
1,011713456	0,465485208	1,08461928	1,131397804	1,038780413	1,131397804	1,054237927	1,2539141	0,837456111	1,196347832	0,638855985
1,47436741	0,661706943	1,134269505	1,183189393	1,099347582	1,183189393	1,084454886	0,86817791	0,875792036	0,840215124	0,821835383
0,974633629	1,443549472	0,859595053	0,787643965	0,983295709	0,787643965	1,038337911	0,845179666	0,809016846	0,857692439	0,974945574
1,549220626	1,293820664	0,95865422	1	1,101641102	1	1,014487422	0,924794775	0,828342624	0,968715614	1,006542842
1,085202003	1,038134105	0,935687132	0,92930878	1,064002354	0,92930878	0,959359291	0,91642433	0,966102312	0,98727856	1
1,149854394	0,920100313	1,279611642	1,334799989	1,343524488	1,334799989	1,056019052	0,907074862	0,988013591	0,841041122	0,989853423
1,225438787	1,034889397	0,854145946	0,890984391	0,98916527	0,890984391	1,051906323	0,953543135	1,179048813	0,945732605	1,008542807
1,510490854	1,135999112	0,978444106	0,785632569	0,817040062	0,785632569	0,993863384	0,842603089	1,087244222	0,807889763	0,987736515
2,36679459	1,112878272	1,069252323	1,057420285	1,041552141	1,057420285	1,105251422	0,804561457	0,925635213	0,732307511	0,857561105
0,670499848	0,901166488	1,022822516	0,983226513	0,976799963	0,983226513	0,812152372	0,889535907	0,811724532	0,883532327	1,012428624
0,626453603	0,961231481	1,034109378	0,807683589	0,966594455	0,807683589	1,264962877	1,014020763	1,099397318	1,028201064	0,869441687
1,047677481	1,043896526	1,082642212	1,129335468	0,913044894	1,129335468	1,38968228	1,260241775	1,104330493	1,206961548	0,705038147
1,799972184	1,27019522	0,950305768	0,898645048	1,157539192	0,898645048	1,273867975	1,082279943	0,965797341	1,062660548	0,714346992
1,058683538	1,008819507	0,937176276	0,943653081	0,971113718	0,943653081	0,937562142	1,050143136	1,05668004	1,16759096	0,754845891
1,168999812	0,751395957	0,933938866	0,875376447	0,986322509	0,792985253	1,282574912	0,939852895	1,400153234	1,058930622	0,921310875
0,595467692	0,998670346	1,009989097	0,92304201	0,963909042	0,92304201	0,927910107	0,89705044	1,090000033	0,969785599	1,014627116
0,921445889	0,859956485	0,960743888	0,768032445	0,898308691	0,768032445	1,281179134	0,871275878	1,281219669	0,992118232	0,96861751
0,724453776	0,83392434	1,31725965	1,374071717	0,953358635	1,374071717	0,940550313	1,078820434	1,088365505	1,174422038	0,8660515
1,087026237	0,828931551	1,21119706	1,263434755	0,857689371	1,263434755	0,933237417	0,976180559	1,098058722	0,820812322	0,789585385
1,041800232	0,463642866	1,894284293	1,975982845	0,529852256	1,975982845	0,826252983	0,875533946	1,462614565	1,030065855	0,742439498
0,863549627	0,660734004	1,069625508	0,986457081	1,022846746	0,986457081	0,981254534	0,980890911	1,158452475	0,891553127	0,980002848
0,850209903	1,003548566	1,112537908	0,949246349	0,932273339	0,949246349	1,023307365	0,954602554	0,970263913	0,956309053	0,97701058
1,26191856	0,741565158	1,575979809	1,976928763	0,631570154	1,091009894	0,591514295	1,197835408	1,798945443	1,082892423	1,178947784
1,290339987	1,43595783	1,580472488	2,051373506	0,684403222	1,014495827	0,682705156	1,234314003	1,973353602	0,989256968	1,080809105
1,145328715	0,545909435	2,08252804	2,172345353	0,700418485	2,172345353	0,714106342	1,367575367	1,607961305	1,527319217	0,96417767

Tyro3	U-Histone-H2B	UBAC1	ULK1_pS757	VASP	VEGFR-2	Wee1	Wee1_pS642	WIPI1	WIPI2	XBP-1
1,07255918	1,042845431	0,748974666	0,837840723	1,113913268	1,097267533	1,246381379	0,956326435	1,000570206	0,96600351	0,647975726
0,987093223	0,995767973	0,939918031	0,969356501	1,251708511	1,066924804	1,114774033	0,997267426	1,338772815	0,589059808	1,127666012
1,0276038	1,079828853	0,878455668	0,977601121	0,402263485	0,774635256	0,732031697	1,141387393	0,611735766	0,677450451	2,185414307
0,890684749	1,234574781	0,766242051	1,139340495	1,061754069	1,186093778	0,765541648	1,0684342	1,013784043	0,695603564	0,897645663
1,171528576	1,301233784	0,8781879	1,096069067	0,779688523	1,199109565	0,782637558	1,053795907	1,329164896	0,9166671	0,657890848
1,086816485	0,438279513	1,075785876	0,33769572	1,595227486	1,163114465	0,975400546	0,801252	1,287007281	1,043631826	1,283286161
0,980602047	0,699858517	1,087788295	0,788528954	1,557212909	1,111861558	0,601277005	0,921103521	1,289842672	1,024495462	0,923734061
0,98996246	0,864018691	0,787776362	1,383230848	0,805585135	1,019638737	0,863636024	0,909490935	1,537678844	0,748530755	1,037537422
0,954152577	0,937122317	1,018027145	1,145412068	1,527626879	1,156473694	0,968577485	1,01982143	1,482083243	1,022185947	0,635833212
1,040056215	0,967246325	1,085508827	1,069853995	1,082498761	0,973414116	1,47896526	0,916754334	0,99484005	0,857196901	0,917594445
0,872302527	0,742372996	0,979218044	1,169581025	1,193049594	1,034374474	1,094257456	0,780005513	0,948267784	0,723169823	0,860061642
1,113742461	1,157995209	0,895513666	1,675307352	0,909161011	1,18418114	1,309701952	0,942468713	0,999942859	1,007899515	0,913504959
1,079588204	0,933082889	0,980298944	1,679892265	0,874063196	0,805700961	1,343772467	0,998576875	0,987391579	0,915045867	0,970659308
0,921933626	1,315111646	0,858064275	0,775102793	0,635192392	0,869970701	1,082038401	0,968648781	0,811596538	0,771267487	2,133887863
0,910728861	0,991612566	0,895131202	0,840758549	0,953851317	0,805423613	1,007596005	1,067631146	0,914513509	0,876094527	1,282765558
0,926752851	0,990979786	0,962494503	0,994047009	1,174873738	1,366587942	0,949651109	1,101018024	1,164990058	0,708377833	1,731916461
0,942999694	0,885897885	0,99631097	1,121433445	0,992313684	1,024308065	1,365739764	1,03644191	0,779503298	0,964154697	1,414963438
0,940280013	1,034802207	1,003397844	1,369615012	1,182558465	1,18918494	0,894701773	0,950805209	1,272217306	0,946564871	0,928579136
0,954726192	0,872833295	0,844165968	1,253740716	1,917276189	1,559713916	1,169221773	0,950086826	1,079591448	0,911636718	0,741307788
0,981110491	1,00611435	1,032103172	1,073665852	0,853862968	1,033352872	0,889045433	0,834632144	0,965141604	0,845954408	1,637130024
0,958235749	0,898971671	1,044608029	1,082354177	1,616228425	1,110001453	0,83009057	1,007127634	1,106082215	0,843180563	0,99397852
0,972801733	0,891973046	2,443872343	1,16518945	0,491010326	0,367253548	1,278491146	0,786621367	0,506944255	1,211172773	1,693683025
0,9340764	0,94361569	0,954686228	1,268530629	0,775113921	1,123773167	0,690896476	0,963318384	1,067478593	1,018214588	0,748305814
0,936482116	1,526407697	0,952958055	1,052863051	0,958834023	0,974122018	1,552666944	0,963265354	0,886467178	0,99070981	1,085860798
1,204939368	0,789415936	1,33411409	1,012248666	0,474485781	0,410074221	3,335943624	1,369396374	0,825688329	1,759317567	1,005801748
1,838268388	0,670531846	1,204980554	1,067323773	0,561232926	0,512731773	3,321566053	1,547048179	0,938021711	1,288950335	1,495129191
1,007024799	0,471283025	2,107449674	0,929508878	0,556443555	0,373792475	2,704586322	0,952218424	0,6676689	1,462912878	2,243137295

XPF	XRCC1	YAP	YAP_pS127	YB1_pS102	ZAP-70
0,94430059	1,420583345	1,027471429	1,160888573	0,841021121	1,181052484
0,992503616	1,514062263	1,058664854	1,058291758	0,897663993	0,889337827
1,305872272	0,473663941	1,072489255	0,922037345	1,587006077	1,291317269
1,020445963	1,012902573	1,100520198	0,909631286	1,235304985	1,149317352
1,004789204	1,379089484	1,04738806	1,090037108	0,913510783	0,810192433
0,951570426	1,193844085	1,015305174	0,655865742	0,759720163	1,22540778
1,025387585	1,545770007	0,916037027	1,160431599	0,940369368	0,881753492
0,84075884	1,064810892	0,850109364	0,886736164	1,207346976	0,84518364
0,926809343	1,587427783	0,903708821	0,882089647	0,948125224	0,750375619
1,129098156	1,425090928	1,199310253	0,950860182	1,027904779	1,102709727
0,951354293	1,042938652	0,943320451	0,839951866	0,799429065	1,364403967
0,99627765	0,981885298	1,044379974	1,940154246	1,003733585	0,836182304
1,083841174	0,94557109	0,953787478	2,225132126	0,968826396	1,564966525
1,065872168	0,764765666	0,865419057	1,129772849	0,941306611	2,575787897
1,037132838	0,791980956	0,974060989	0,985422409	1,002339102	2,569526438
1,009925372	0,944940313	0,930116551	1,240277521	1,006725237	1,114726261
0,93967275	0,969887142	1,050808613	0,739110542	0,873258438	1,469035233
0,918083676	1,402464819	0,951676849	1,168402662	1,018841449	0,875248997
0,983971639	1,109258988	1,114748738	1,159869022	0,974711615	0,980132555
0,954170986	0,75715604	1,036538306	0,893414949	1,324895429	1,151888094
0,869829936	1,221220442	1,169252304	1,26294544	1,272555998	0,980939402
1,110697398	0,546751359	1,196813111	1,016528504	1,21145404	1,566968074
0,991756064	1,015020336	0,796090361	1,102338051	1,031982895	1,418294842
0,891174062	0,924296106	0,986263809	1,147637031	0,942393359	0,903688487
1,003463752	1,226152486	1,589685338	0,627133314	0,795000518	1,434648467
1,031103821	1,019043386	1,565861008	1,09941583	0,905193199	1,488937757
0,924088243	0,804190519	1,357329751	0,855845806	0,894325112	1,67185964

Table S4. Molecular/signaling characteristics of *MMTV-R26^{Met}* MGT cells identified through RPPA analysis.

sample	14-3-3-beta	14-3-3-zeta	4E-BP1	4E-BP1_pS1	53BP1	A-Raf	ACC1	ACC_pS79	ADAR1	Akt	Akt_pS473	Akt_pT308	AMPK-a2_r	AMPKa
MGT2 - A	1,061894	0,773692	0,567263	0,861403	0,787794	1,135853	0,817423	0,87167	0,942721	0,906558	0,603454	0,562641	0,870328	0,70348
MGT2 - B	1,112429	0,780973	0,61677	1,047868	0,669072	1,210138	0,954432	1,027931	0,978911	0,876482	0,646971	0,576709	0,894695	0,898233
MGT4 - A	0,944269	1,147524	0,939736	1,507674	1,244175	1,131135	1,381581	1,507208	1,096794	1,075582	0,829757	0,905952	1,011924	1,007448
MGT4 - B	0,927013	1,143091	0,890366	1,447299	1,364928	1,10769	1,568612	1,475278	1,168686	1,200284	0,879378	1,02913	0,956247	0,942412
MGT4 - C	0,957631	1,053998	0,92813	1,701487	3,502548	0,826835	1,537085	1,370714	1,135028	1,066843	1,267612	1,244567	1,006902	0,937592
MGT7 - A	0,983932	0,817087	1,118397	0,650066	0,870207	0,872195	0,531382	0,33931	0,992725	1,013167	0,508949	0,74041	0,857425	0,679711
MGT7 - B	0,99467	0,813931	1,060866	0,678065	0,847705	0,901238	0,549096	0,392927	0,979534	0,898701	0,576662	0,75749	0,907273	0,701624
MGT8 - A	0,994884	0,961993	1,399697	0,845108	0,42008	1,023148	1,028445	1,049691	1,044992	1,079825	0,604259	0,684113	1,049691	0,872814
MGT8 - B	1	1	1,356221	0,904133	0,456771	1	0,950028	1,157648	1,026418	1,135973	0,54491	0,656548	1,039683	0,932238
MGT9 - A	0,963546	0,947508	1,383455	1,170172	1,580132	0,975289	1,166519	1,015439	1,07095	0,757149	0,695144	0,783925	0,936875	0,828407
MGT9 - B	0,926588	0,904043	1,554455	1,398565	1,607038	1,034138	1,632789	1,158385	1,134757	0,827822	0,792719	0,696414	0,933259	1,016165
MGT9 - C	0,915921	0,867385	1,406538	1,451486	2,418755	0,817541	1,219583	2,049206	1,086857	0,675495	0,762742	0,909713	0,975745	0,776867
MGT11 - A	0,984726	1,086006	1,117997	1,450093	2,448217	1,04708	1,0308	0,87808	1,087955	0,997418	1,178316	1,234289	0,977591	1,018972
MGT11 - B	1,019739	1,125547	1,103159	1,169476	2,214632	1,071563	1	0,769391	0,933606	0,99925	1,206755	1,304766	0,753278	0,939625
MGT11 - C	1,049403	1,157388	1,019803	1,194263	1,652744	1,122258	0,991028	0,591985	0,909742	1,065215	1,130654	1,194263	1,089954	1,027391
MGT13 - A	1,002599	1,015075	0,824867	0,934115	0,556838	0,957682	1,300158	1,641682	0,940843	0,980086	1,458444	1,367861	0,785139	1,080881
MGT13 - B	0,98377	0,992169	0,758636	0,892288	0,682954	0,991863	1,195894	1,514237	0,992976	0,992976	1,511358	1,389082	0,755205	1,031048
MGT13 - C	0,909464	0,946696	0,774656	0,983326	0,774656	0,919941	1,248657	1,442013	0,980087	0,954359	1,241198	1,169117	0,904467	0,992274

AMPKa_pT	Annexin-I	Annexin-VI	AR	ARID1A	Atg3	Atg7	ATM	ATM_pS19	ATR_pS428	Aurora-B	Axl	b-Actin	b-Catenin	b-Catenin_
1,185521	1,201896	0,971385	1,253836	0,953191	1,309958	0,948325	1,554367	0,997391	0,900957	0,877864	1,247242	0,981407	0,937762	0,829435
1,70488	1,291044	1,047486	1,255994	0,963976	1,199333	0,994087	1,351598	1,069209	0,950486	0,878911	1,194812	0,946358	1,179184	1,067835
0,905438	1,211442	1,025903	0,990556	1,196329	0,816748	0,843275	1,199663	0,967155	0,99612	0,972562	0,953189	1,181263	1,584491	1,044274
0,803473	0,929031	0,948913	0,910732	1,283746	0,879378	0,881532	1,227739	0,938498	1,103638	0,942057	0,883766	1,232506	1,60217	1,033801
0,779997	1,051156	1,106336	0,875048	3,111983	0,791852	0,745971	1,387719	0,923196	1,011579	1,011843	0,865188	1,005124	1,522636	1,010487
1,590474	1,61054	0,95383	1,00534	0,456977	1,022396	1,765628	0,610392	1,208691	0,888184	1,019878	1,30298	0,982012	0,721382	1,175808
1,672793	1,568894	0,907313	0,92069	0,445161	1,3327	1,74681	0,594609	1,214923	0,913988	0,857242	1,423572	1,049993	0,809721	0,937747
1,245132	1,049691	0,864323	0,978501	0,701769	1,082987	1,049691	0,947467	1,051689	0,737665	1,035074	1,138806	1,02921	0,873431	0,950814
1,254709	0,995527	0,922027	0,92067	0,643109	1,140186	1,202728	0,904733	1	1	1	1,188744	1	0,965574	0,863447
0,603922	1,190873	1,085405	1,025226	1,382848	0,927122	0,954719	1,085511	0,962209	1,034691	1,084444	0,930748	1,099959	1,097968	0,981921
0,740295	1,102447	1,136863	1,01899	1,346492	0,888263	0,963272	1,163242	0,972759	1,052382	1,07011	0,927136	1,126675	1,423028	1,077272
1,149256	1,207681	1,164739	1,059331	2,683182	0,860233	0,909617	1,140506	0,982103	1,151429	1,105967	0,866735	0,817431	1,218215	1,136989
0,915916	0,900549	1,014038	0,92359	2,154478	0,755984	1,074724	0,92612	0,96124	1,014636	1,007985	0,835638	1,400796	1,115006	1,034224
0,755229	0,953772	1	0,882089	2,041648	0,805057	1,080769	0,920186	0,948127	0,991537	0,921495	0,851309	1,345652	1,066787	1,036697
0,885351	1,033026	0,96827	1,114102	1,812168	0,892673	1,105737	1,021269	0,990947	1,045261	0,855745	0,732509	1,183896	1,095777	1,103492
2,561986	1,159995	1,005641	1,080881	0,66359	1,068775	0,938826	1,000923	0,998601	0,947494	0,96468	1,080881	0,704879	1,04387	0,972783
2,307006	1,130674	1,064119	1,093798	0,682323	1,153175	0,961801	1,277884	1,026769	1,006654	1,006273	1,058585	0,786105	0,992976	0,992976
2,02011	1,343256	1,146424	1,081794	0,797618	1,055499	0,957705	1,236715	0,978045	1,090488	0,89634	1,075952	0,800506	0,993869	0,915826

B-Raf	B-Raf_pS44	B7-H4	Bad_pS112	Bak	BAP1	Bax	Bcl-xL	Bcl2	Beclin	Bid	Bim	BiP-GRP78	BRD4	c-Abl
1,223895	1,122653	1,093275	0,715953	0,788362	1,106712	0,776384	0,90773	1,228027	1,097514	0,940269	0,562243	1,0739	1,085903	1,054685
1,263187	1,299605	1,038922	0,863188	1,000426	1,080545	0,824511	0,952034	1,212509	1,212942	1,038453	0,663213	1,141144	0,988585	0,978247
0,911298	0,999674	0,986017	1,02196	1,132256	0,984244	1,100969	1,301399	0,994814	0,998904	1,294361	1,213675	0,970877	0,901208	0,968297
0,890547	0,94544	0,923383	0,879378	1,009808	1,029548	1,158225	1,272455	0,898573	0,932397	1,218634	1,018356	0,940586	0,945037	0,94461
0,806031	0,909242	0,949624	0,941913	0,993773	1,06161	2,030401	1,300983	0,904936	0,980654	1,229038	1,913522	0,956481	0,925352	0,990287
1,441049	1,094409	1,35341	0,751802	0,842679	1,100368	0,890537	0,885517	1,292679	1,241176	0,710707	0,438936	1,106307	1,302782	0,947473
1,462311	1,126586	1,305622	0,80263	0,849793	1,121779	0,912509	0,903069	1,197689	1,191126	0,933045	0,457017	1,021451	1,269095	0,976518
1,049691	0,949161	1,049691	0,857831	0,94476	1,022725	1,049691	0,972194	1,229907	1,002519	0,922555	0,761124	0,96961	1,077753	0,975049
1,102289	1	1,036146	0,897856	0,992839	0,960582	1,049764	0,992575	1,076737	0,985896	0,931273	0,660989	1	1	1,023613
0,888575	0,819395	0,932112	0,840306	0,986622	1,187014	0,556608	1,179691	1,104289	1,094486	1,34763	1,679256	1,033744	1,05257	0,935164
0,901169	0,931554	0,90369	0,915099	1,033364	0,924522	0,549547	1,296238	1,045	0,971396	1,23442	1,842925	1,029991	0,924708	0,91739
0,860714	0,777683	0,880319	0,975612	0,952845	1,131275	0,738631	1,011163	1,018456	0,971889	1,266608	2,927673	1,197485	0,96661	0,874671
1,107544	1,101552	0,960834	0,969369	1,072554	0,984216	1,146002	1,04407	0,915916	0,93268	1,099471	0,915916	0,980163	0,928742	0,93396
1,096921	1,110234	0,963313	0,987888	1,0837	1,029418	1,108654	1	0,898583	0,963226	0,939826	0,910475	0,999969	0,86236	0,970433
1,076435	1,082559	1,01679	0,832599	0,895569	0,978529	1,798961	1,447057	0,999688	1,006147	0,960022	1,126184	1,060115	0,940154	0,943392
0,934995	1,040925	1,037432	1,107431	1,080881	1,080881	1,005591	0,936309	1,024269	1,007626	1,080881	1,123235	1,154693	0,911476	1,080881
0,954367	0,989338	1,050373	1,038536	0,972574	1,029129	0,957975	0,903081	0,975935	0,992976	1,089684	1,062812	1,154889	0,999625	1,048668
0,951745	0,956248	1,024682	0,947335	0,970021	1,237369	0,980283	0,942852	1,067794	0,999439	1,256913	1,082469	1,197774	0,986549	1,005466

c-IAP2	c-Jun_pS73	c-Kit	c-Myc	C-Raf	C-Raf_pS33	Caspase-3	Caspase-7-	Caspase-8	Caveolin-1	CD134	CD171	CD20	CD29	CD31
0,918496	0,915004	0,965431	0,981334	1,060973	0,755835	0,845005	0,762433	1,032591	0,725523	1,090526	0,549646	0,981009	1,016369	1,149756
0,985704	0,825093	1,026583	1,004596	1,108643	0,838515	0,888827	0,977796	1,030803	0,813294	1,192647	0,667473	1,052061	1,095131	1,221096
1,006856	1,414215	1,247367	1,383655	0,925823	1,140186	1,245658	1,065583	0,986292	0,56746	0,951092	2,660234	0,885279	0,986292	0,986292
0,969264	1,328411	1,228554	1,369265	0,935355	1,101159	1,189247	0,967348	1,01302	0,694315	0,95584	2,711138	0,910352	0,991814	0,932483
0,944587	1,3567	1,25374	1,191528	0,818779	0,811215	1,245679	0,930035	1,013997	1,220556	0,91933	1,540577	1,028159	0,921287	1,017927
0,993856	0,772572	0,821842	0,76926	0,816171	0,713753	0,884546	0,783433	1,108251	1,530223	1,198067	0,875274	1,133996	1,054797	1,226073
0,940632	0,736436	1,004123	0,780173	0,857776	0,752684	0,862104	0,766404	1,025622	1,795102	1,12859	0,717977	1,200966	1,119994	1,11274
0,733027	0,683021	1,049691	0,857537	1,014642	0,789679	1,047712	0,890101	0,775516	0,645213	1,049691	1,055586	0,834976	1,070672	1,164585
0,842101	0,74754	0,969934	0,81273	1,020161	0,727341	0,992429	1	0,896456	0,76045	1,050497	1	0,881183	1,014009	0,980222
0,948238	1,073543	1,136085	1,086487	0,961086	1,111256	1,101896	1,107287	1,044865	0,761327	1,064826	1,860883	1,002297	1,081222	1,057558
0,93285	1,113618	1,264318	1,163378	0,999824	1,139243	1,148335	1,07105	1,021301	0,749057	1,011653	1,548518	0,89484	1,086711	1,060554
0,958213	1,146458	1,243732	1,398914	0,882411	1,034489	1,240448	1,049541	1,010132	0,93624	0,967422	0,935968	0,906305	1,094001	1,071474
0,961363	1,442785	1,22678	1,392995	1,077933	1,259473	1,184421	0,887453	1,064392	1,555904	1,007012	1,495574	1,043424	0,945704	0,996692
1	1,416055	1,192656	1,230252	1,076432	1,308681	1	0,786909	1,05565	1,317761	0,958718	1,28488	1,007253	0,923796	0,966162
0,998445	1,526874	1,09416	1,271842	1,116935	1,328125	1,23835	0,842088	0,991184	1,425577	1,082599	1,097235	0,986934	0,976464	1,053898
0,972557	0,851241	0,977723	0,66138	0,975072	0,780106	1,033268	1,089097	0,99442	1,138974	1,053163	0,736265	1,080881	0,977647	1,038482
1,027664	0,812849	0,979864	0,800291	0,992976	0,783123	0,978493	1,017177	1,051798	1,114052	1,080679	0,741673	1,101653	0,970309	0,997811
0,932693	0,774656	1,073687	0,774656	0,966109	0,774656	1,081962	1,069246	1,064767	1,31035	1,125949	0,8858	1,12156	1,021588	1,081539

CD4	CD44	CD45	CD49b	cdc25C	Cdc2_pY15	CDK1	Chk1	Chk1_pS29	Chk2	Chk2_pT68	Claudin-7	COG3	Collagen-VI	Connexin-4
1,054569	1,156142	0,87791	1,094281	1,091421	1,119051	0,679159	1,013519	1,020439	1,208509	0,956695	0,856098	0,883873	1,108526	1,235065
1,24642	1,273873	0,949786	1,136502	1,305345	1,214552	0,723676	1,021771	0,999038	0,812163	0,898052	0,911448	0,909355	1,1315	1,270129
0,99876	0,972213	1,000326	0,986292	0,986292	1,22034	0,986292	1,18238	0,967123	1,026179	1,117705	2,315467	0,986292	0,975158	1,481903
0,96519	0,936561	0,979238	0,995671	1,034419	1,160656	0,987957	1,254243	0,990695	1,009955	1,029038	3,334419	1,032629	0,940488	1,720383
0,887411	0,899102	0,971245	0,98271	1,026712	0,882868	1,007773	0,965172	0,93115	0,863175	1,020861	2,344901	0,902623	0,899291	1,704662
1,217415	1,002184	1,028723	1,119491	1,583479	0,694923	0,306231	0,463791	0,898834	0,782855	0,872164	0,770352	0,910367	1,528199	0,456565
1,444363	1,037082	1,005342	1,091464	1,17282	0,800371	0,298313	0,48533	0,824335	1,047917	0,783591	0,853184	0,988663	1,488683	0,481463
0,936586	1,059205	0,893725	0,919568	0,8307	0,931704	0,504302	0,672942	1,093122	0,927269	0,964739	0,782536	1,29849	1,327711	0,87747
0,952029	1	0,973673	0,972169	0,724317	0,803935	0,520009	0,619492	1	0,947297	0,863914	0,781457	1,231626	1,230031	0,817406
1,048041	1,040862	0,919445	1,050734	1,400052	1,095157	1,871809	1,501789	0,978244	0,986051	1,0665	4,392841	0,821603	0,874927	0,983482
1,065106	0,910997	0,934149	0,99722	1,257571	1,14301	1,945243	1,643339	0,992789	0,877241	1,079381	4,899628	0,789282	0,897729	1,12155
1,00969	0,953311	0,9413	0,991803	1,250954	1,043432	2,010503	1,13687	0,976404	0,955154	1,125934	3,139896	0,873801	1,109596	1,094807
0,948852	0,938507	0,992838	1,001657	0,966655	1,134977	1,074393	1,342958	1,065175	0,936922	0,915916	3,203973	0,646992	0,888274	2,037159
1	0,960823	1,021155	1,016026	0,961259	1,077636	1,129241	1,285354	1,012707	1	0,851877	3,450831	0,682471	0,829465	1,775288
1,052103	0,979011	0,93914	1,05022	0,968211	0,978439	0,892918	1,194263	0,909112	0,819878	1,054151	2,478599	0,693404	0,867176	1,283
1,011019	1,046445	1,0309	0,990018	1,158557	1,055513	1,182665	1,016582	0,917577	0,773799	1,116169	0,747267	1,080728	1,080881	0,887749
1,060756	1,075204	0,992976	0,993172	1,096662	1,101007	1,221405	1,005941	0,940664	1,054793	1,052724	0,782416	1,133272	1,046374	0,910616
1,098075	1,01595	1,008754	0,964227	1,224113	1,052534	1,158359	0,96216	1,044675	1,064677	1,034637	0,774656	1,211025	1,350151	0,774656

Cox-IV	Cox2	Creb	Cyclin-B1	Cyclin-D1	Cyclin-D3	Cyclin-E1	Cyclophilin	D-a-Tubulin	DJ1	DM-Histon	DM-K9-Hist	DUSP4	E-Cadherin	E2F1
1,259658	1,988633	1,079824	1,259658	0,913282	1,012924	1,372787	0,772436	0,952351	0,985684	1,134366	0,954825	1,191387	1,259658	0,997629
1,423938	2,028096	1,03356	1,423938	0,94692	1,04469	1,481766	0,713809	1,126583	0,910307	1,203545	0,984739	1,237066	0,549113	1,071426
0,986292	3,114737	1,031419	0,986292	1,082751	0,838091	0,934767	1,283673	0,986138	1,209065	1,019721	1,039302	0,968439	7,083806	0,903782
0,879378	3,721234	0,999428	0,886247	1,016372	0,859479	1,019574	1,30328	0,997754	1,168636	0,968357	1,110661	0,962396	7,167034	0,966766
0,785413	4,855096	1,028977	0,945779	1,066268	1,018029	1,016799	1,176528	0,927183	1,060958	0,867055	1,005652	1,100587	5,058402	0,90793
2,462769	0,596399	1,126611	2,462769	1,025772	1,496313	0,751172	0,734717	0,91303	0,918757	1,267385	0,867975	0,937578	0,550883	1,1033
2,399087	0,578169	1,109842	2,399087	0,947781	1,523119	0,743736	0,768799	0,970575	0,933136	1,318301	0,774962	0,849922	0,23153	1,176469
1,049691	0,704906	0,970748	1,049691	1,019449	1,121982	1,045211	0,970245	1,150102	0,97709	0,898029	0,994254	1,169614	0,393104	1,070575
1	0,702912	1	1	1,029775	1,120704	0,990351	0,869159	1,096888	0,920665	0,92974	1	1,166206	0,381053	0,983255
0,924905	0,678607	1,071419	1,063756	0,975416	0,929494	0,906028	1,463037	0,927157	1,008225	1,054112	0,975784	1,238182	7,791182	0,929933
0,874874	0,704746	0,951422	1,005142	0,921767	0,965994	0,935639	1,470465	0,893199	1,0279	1,045079	1,004843	1,144523	7,934911	0,963552
0,913219	3,605096	1,02977	0,883853	1,147938	0,863879	0,908661	4,282414	0,957046	1,134866	1,098194	1,009627	1,329485	5,972277	0,901221
0,915916	1,934289	1,000329	0,915916	1,027073	0,809139	0,961172	1,301101	0,998349	1,216465	1,037937	1,08102	0,963477	4,756514	1,042183
1	1,736373	1,003905	1	1	0,778285	1,086849	1,291978	1	1,257844	0,978589	0,995876	1	4,99747	1,035708
1,194263	1,130383	1,048785	1,194263	0,938969	0,846362	0,992894	1,218944	1,017813	1,194263	1,00798	0,949856	0,973502	4,687067	0,955489
1,080881	0,437708	0,999077	1,080881	0,846108	1,143854	0,996177	0,642598	0,953935	0,91396	1,080881	0,902855	0,888867	0,322478	0,983665
1,061161	0,435655	0,972379	1,102001	0,938588	1,197092	0,992976	0,72565	0,976142	0,955822	1,07933	0,997234	0,87817	0,346751	0,992976
0,964792	0,397165	1,021848	1,0646	0,895951	1,132812	1,027922	0,824453	0,929883	1,031285	1,163898	0,991589	0,877525	0,300729	1,064934

eEF2	eEF2K	EGFR	EGFR_pY11	eIF4E	eIF4E_pS20	eIF4G	Elk1_pS38	ERK5	ENY2	ER	ER-a_pS11	ERCC1	ERCC5	Ets-1
1,240016	1,138301	0,905569	0,846762	0,787259	1,098051	0,888196	0,796644	1,259658	1,109659	1,137187	0,949187	0,886022	0,845669	1,069425
1,066032	0,967526	0,79218	0,942356	0,753642	1,122609	0,918481	0,93772	1,278522	1,166643	1,215817	0,979048	0,951081	0,768567	1,075157
1,174564	0,915655	1,009269	1,037564	0,972674	0,986292	1,086214	1,077293	1,031009	1,010436	1,021575	1,228792	1,125016	0,917006	1,072077
1,295604	1,090285	1,000572	1,01711	1,044555	0,980039	1,068552	1,027935	0,939262	0,962703	0,953965	1,193922	1,075943	0,879378	1,062635
1,12807	1,286046	0,972334	1,048398	0,998241	0,958576	1,079686	1,0471	0,878272	0,864917	0,954116	1,282801	0,866739	1,061614	1,000162
0,765886	1,269658	0,775098	0,856312	0,722217	1,013625	0,909117	0,879009	0,867827	0,727736	1,150272	1,04224	1,028134	1,277025	1,012491
0,770799	1,236827	1,022445	0,883854	0,715981	0,871494	1,040045	0,862913	0,980447	0,713497	1,166466	0,99283	1,046081	1,227056	0,974033
1,050182	1,696561	1,031656	0,934935	1,053007	1,04242	0,932422	0,874211	1,035197	1,022496	1,040964	0,893406	0,852761	1,141719	0,997978
1	1,722976	1	0,941435	1,037225	1,055293	0,944024	0,850709	1,086355	1	1	0,824356	1	1,137644	0,945865
1,1544	1,563629	1,000628	0,999372	1,151288	1,080773	0,959125	0,927984	1,225343	1,094041	1,121031	1,118101	0,973648	1,112793	1,020349
1,334161	1,375525	0,942029	1,01332	1,188548	0,990034	1,054065	1,010291	1,138718	1,152744	1,03436	1,182157	1,00265	0,839628	1,015104
0,913071	1,251005	1,094976	0,93948	1,179872	1,08105	1,038902	0,978365	1,139986	0,813274	1,035461	1,247337	0,924404	0,984333	0,994598
0,942961	1,112393	0,932877	1,031285	0,973771	1,02983	1,070264	1,016025	0,881356	0,937824	1,017144	1,167598	1,065507	0,921984	1,022081
0,927063	1	0,924729	1	1	1,018788	1,060021	1,035811	0,954738	1,040266	0,994351	1,069857	1,134333	0,927598	1,064196
0,87363	0,751671	1,005128	1,038947	0,99787	1,031804	1,194263	0,96829	0,781894	0,879845	0,98799	1,105752	0,925828	0,821037	1,081821
0,790432	0,853512	0,581879	1,004013	0,925466	0,971105	0,904357	0,98689	1,15452	0,937908	0,985812	0,89951	0,772486	1,07104	1,008247
0,978805	0,799856	0,828141	1,007065	0,940163	0,934215	0,945456	0,992976	1,209702	0,920567	1,00193	0,992976	0,964257	1,050227	0,992976
0,900654	1,127506	0,834724	0,96474	0,88562	0,920009	0,86132	0,948355	1,335755	0,793471	0,940001	1,051963	0,911074	1,336473	0,961262

FAK	FAK_pY397	FASN	Fibronectin	FoxM1	FoxO3a	FoxO3a-p	G6PD	Gab2	GATA3	GATA6	GCLM	GCN5L2	Glutamate	Glutaminase
0,762542	1,196141	0,810006	1,037631	1,137089	1,111002	0,871278	1,066818	0,643284	1,114531	0,843342	1,080801	0,859535	0,914201	1,081074
0,792806	1,275762	0,698052	1,304073	0,942205	1,177071	0,927761	0,984575	0,66633	1,153312	0,95854	0,979908	1,048417	0,918305	1,117758
1,03781	0,741775	1,202837	0,976896	0,96187	0,986501	0,986292	0,988248	1,410846	1,021905	0,981726	1,013243	1,104967	1,112667	0,997246
0,996049	0,830999	1,211248	0,879378	1,009688	1,017541	0,940346	0,900315	1,449647	1,042395	0,915931	0,982869	1,135906	1,075933	0,976334
1,141812	0,753227	1,003459	1,336248	0,937699	0,912997	0,986162	0,613331	1,202452	1,149242	0,77123	1,015702	1,348467	1,048482	0,817721
0,739792	1,521569	0,412473	1,27562	1,187182	1,080331	0,933468	0,974743	1,385018	0,83044	0,962548	0,888547	0,662072	1,195354	1,647547
0,888473	1,507928	0,470903	1,16704	0,975707	1,131682	0,880296	1,300572	1,384154	0,908661	0,967203	0,933011	0,581375	1,209507	1,705061
0,860803	2,057431	0,612523	1,14058	1,131857	0,984084	0,938987	1,120574	1,403426	1,049691	0,933549	1,081153	0,716654	1,049691	1,319355
0,929069	2,080686	0,769715	1,144729	1,039947	0,938808	0,952774	1,050601	1,471	0,981223	1	1	0,795436	1,049945	1,334861
0,909992	1,578856	1,081749	0,380105	0,959591	0,895472	0,912026	0,883376	1,050415	1,291561	0,781301	1,012958	1,366199	0,949509	0,678607
0,972936	1,515036	1,151841	0,360354	0,902927	0,87463	0,921141	0,951594	1,075868	1,227786	0,796235	0,991609	1,439041	0,979275	0,691577
1,129294	0,790125	0,978201	0,88207	0,918045	0,961057	0,965967	0,867297	1,315301	1,447523	0,829221	1,070633	1,489573	1,102235	0,621001
1,015796	2,094	1,075027	1,782758	0,882038	1,069413	0,996682	0,911175	0,98591	0,978533	0,873067	1,002312	1,451161	0,975904	0,951769
1,034434	2,055549	1,092571	1,502065	1	1,076498	0,962462	0,959675	0,971543	0,983761	0,866174	0,993383	1,430573	0,892893	0,984287
1,067356	1,194263	0,84012	1,07104	0,813077	0,957962	0,97451	0,921616	0,535427	0,990592	0,819824	1,016872	1,194263	0,899856	1,001292
0,923132	0,875055	0,968705	3,653135	1,044375	0,986787	0,99173	1,018443	0,407522	1,066194	1,10034	0,980343	0,827587	0,848751	1,008263
0,992976	0,886009	1,097244	2,848528	1,042575	0,992976	1,020374	0,998626	0,451903	1,097291	1,051942	0,970851	0,947641	0,873616	1,019516
0,95096	0,788544	1,025306	4,212246	0,973587	1,034699	0,986574	0,998194	0,435635	1,051219	1,062311	0,965957	0,86547	0,917381	0,908475

Granzyme-	GSK-3a-b	GSK-3a-b_γ	Gys	Gys_pS641	H2AX_pS14	HER2	HER2_pY12	HER3	HER3_pY12	Heregulin	HES1	Hexokinase	Hif-1-alpha	Histone-H3
1,311703	1,012587	0,828409	1,066764	1,035103	0,899889	1,243608	0,770454	0,934409	0,870773	1,607701	0,483372	0,976377	1,140818	0,802812
1,279028	1,061349	0,901366	1,104995	0,990326	0,873729	1,153921	0,800021	0,941719	0,853943	1,67842	0,481514	1,009066	1,273751	0,867021
0,765757	1,026143	1,123733	0,826931	0,80756	0,986292	1,326283	1,251007	1,545014	1,035516	0,828693	2,176057	0,981651	0,986292	0,995125
0,814977	0,986318	1,083039	0,790138	0,879378	1,038741	1,291541	1,274349	1,534707	1,042704	0,890163	2,104699	0,9552	0,965294	0,984859
0,924733	0,967438	1,113762	0,88038	0,915345	0,981348	0,888933	1,156152	1,190292	1,055818	1,275605	2,703425	0,876117	0,940594	1,312241
1,466264	1,222176	1,298561	2,01477	1,738773	0,823398	0,695391	0,893566	1,145377	1,171408	0,887748	0,850235	1,37076	1,227999	0,856412
1,566259	0,999519	1,315297	1,991356	1,738359	0,810435	0,688566	0,978483	1,013578	1,194764	0,884112	0,844202	1,279147	1,176065	0,834267
1,485874	1,049691	0,868171	1,234322	1,109224	0,986032	0,950573	1,007623	0,841076	0,994528	1,109324	1,003608	0,964492	0,966512	0,68668
1,326697	0,967983	0,870835	1,291186	1,176551	1,003537	0,941285	1,032242	0,859457	1	1,039001	0,886914	0,962952	0,971495	0,709353
0,809318	0,836527	0,682319	0,792118	0,822421	0,901464	1,242881	1,373902	2,025411	0,951749	0,742183	0,792269	0,972488	1,134741	1,290188
0,756066	0,872785	0,720675	0,749057	0,833574	0,93051	1,346344	1,379385	1,904472	1,036636	0,749057	0,811372	0,953873	1,007983	1,104881
0,914552	0,783439	0,817611	0,803345	0,8398	0,988248	0,940895	0,789941	1,655316	0,877923	0,67886	1,033503	1,022391	1,069016	1,455678
0,801994	0,977255	1,112029	0,715559	0,757128	0,989766	1,053359	1,036553	1,402503	0,991732	0,934402	0,915916	1,005304	0,964894	0,947744
0,793574	0,974201	1,100623	0,74268	0,773634	1,033764	1,059629	0,994603	1,333759	0,968128	0,958712	0,940872	0,966237	1,02826	1
0,737215	1,018895	1,194263	0,786783	0,825191	1,048297	0,990721	0,925277	1,194263	0,989645	0,799143	1,150739	0,911964	1,027755	0,859499
1,080881	1,043228	1,120672	1,245169	0,995294	0,958844	1,080881	1,080881	0,854295	0,949158	0,793918	1,873081	1,080881	1,058965	0,831517
1,217441	1,008575	1,155399	1,272453	1,03852	0,969792	1,05558	1,216846	0,888925	1,038393	0,796336	2,043334	1,067453	1,064798	1,073433
1,2285	1,02552	1,07909	1,186726	1,049318	0,934899	1,039629	1,207428	0,906789	0,96971	0,832813	2,012099	1,032533	1,051862	0,993721

HLA-DR-DP	HSP27	HSP27_pS8	HSP70	IGF1R_pY1	IGFBP2	IGFRb	INPP4b	IR-b	IRF-1	IRS1	Jagged1	Jak2	JNK2	JNK_pT183
0,896759	1,05974	1,101863	0,861499	0,864816	1,037606	0,707453	1,078832	0,719394	1,07267	1,160839	0,877804	1,021255	1,0087	0,934006
0,96042	1,110337	1,410483	0,941684	0,946026	1,236771	0,783126	1,112324	0,652075	1,127715	1,216245	0,857484	1,072637	1,041098	0,998093
0,986292	0,984472	1,018431	1,034085	0,969291	0,977155	0,781153	1,002853	0,986292	1,099876	1,474196	1,324285	0,948607	1,078275	1,03866
0,971678	0,945253	1,074139	1,005809	0,977078	0,997982	0,805757	0,961954	0,937932	1,11047	1,462553	1,309458	0,902246	1,202202	1,085179
0,989732	0,910932	0,76501	0,971697	1,020121	0,934737	0,665644	0,937318	1,062646	0,947043	1,999185	1,471895	0,998334	1,05457	0,919787
1,114195	1,292416	1,850525	0,8511	1,155188	1,039969	1,397669	1,05622	1,132482	1,10091	0,616654	1,145361	1,107786	0,957664	1,153113
1,105568	1,169192	1,578925	0,842047	1,06112	0,806968	1,376594	1,180301	1,333261	1,033303	0,700103	1,141185	1,141128	1,024102	1,216773
0,82059	1,037078	1,238832	1,035557	0,917146	0,642351	1,053945	0,964616	1,005702	0,980884	0,914997	0,94966	1,114348	0,911499	1,042238
0,891701	0,978892	1,070562	1	0,886021	0,776586	1,037007	1	1,023517	1	0,905795	1	1,162812	0,935971	1
0,976916	0,963118	0,923458	1,16126	1,06846	1,017639	0,842598	0,989761	1,494401	1,030356	0,745362	0,911424	0,988365	0,924897	1,130563
0,95837	0,991288	0,975102	1,201655	1,074157	1,006415	0,898003	0,968127	1,437409	1,034645	0,749057	0,902065	1,096815	1,011477	1,133961
0,94025	1,025949	0,933546	1,126558	1,016103	0,915439	0,708788	0,993329	1,43052	1,051343	0,901679	0,817691	1,046179	0,944939	0,869666
1,001413	0,941154	0,915916	1,123343	1,002632	1,16021	0,784093	0,963942	0,943696	1,036191	1,734534	1,249861	0,915916	0,956424	1,088826
1,013277	1,007324	0,987169	1,07797	1	1,007688	0,753999	0,91908	0,958699	0,969949	1,702839	1,210785	0,925651	0,91354	1,028002
0,911345	1,070272	1,177571	1,10313	0,90812	0,748446	0,695339	0,905544	0,915111	0,973192	1,519723	1,000312	1,042953	0,934592	1,008635
1,06495	1,080881	0,876699	0,76536	1,30274	1,126967	2,163686	0,92218	1,113609	0,953675	0,770392	0,805412	0,973971	0,943849	0,94903
1,058231	1,000264	0,901644	0,63489	1,309727	0,992976	2,257407	0,995766	1,181735	0,940633	0,801736	0,816817	1,008463	0,992976	0,955506
1,006531	1,000431	0,947274	0,809376	1,213346	1,082695	2,217586	0,982669	1,506156	1,031972	0,833949	0,834277	0,93048	1,004341	0,953183

LC3A-B	Lck	LDHA	LRP6_pS14	MAPK_pT2	Mcl-1	MCT4	MDM2_pS:	MEK1	MEK1_pS2:	MERIT40_c	Merlin	MIF	MIG6	MMP2
0,914505	0,947561	1,097064	0,881259	0,813867	1,263939	0,636594	0,839038	1,29878	0,96309	0,900957	1,026067	1,055924	0,981191	1,032118
0,891237	0,972464	1,423938	0,918077	0,823666	1,335978	0,556306	0,908626	1,196825	0,904556	1,202905	0,888626	1,110797	0,981025	1,069618
0,886561	1,143672	1,057241	0,959064	1,173354	0,928047	0,685915	0,97418	0,971572	1,085309	0,955982	0,791671	1,027109	0,984935	1,073193
0,879378	1,18811	0,884431	0,938115	1,19477	0,879378	0,64045	0,969209	1,214176	1,074462	0,936733	0,94119	0,959185	0,995142	1,030937
1,116291	1,487838	0,870414	0,926187	1,036807	0,705679	0,897716	0,954171	1,275356	1,064064	0,862393	1,199554	0,853108	0,999838	1,053517
1,94076	0,919758	1,697672	0,944609	0,938551	0,993564	2,511424	0,876044	1,850695	0,91616	1,343773	0,921504	1,197281	0,922639	1,046428
1,978578	0,839831	1,653773	0,932661	1,050316	1,07514	2,473769	0,851767	1,802839	0,906297	0,954732	0,855076	1,170437	0,934643	1,085224
1,235996	1,00114	0,723588	1,0612	0,820385	1,045603	1,828918	1,037531	0,824009	0,982973	1,050247	0,890142	1,049691	0,99495	0,955835
1,391551	1,061959	0,739739	1	0,803335	1,02532	2,325304	1,017689	0,796443	0,967706	1	1,102457	1,060962	1	1
1,082416	1,042357	1,088081	0,859904	0,757636	1,28532	0,678607	0,776389	1,284103	0,97594	0,967376	1,2103	0,856395	1,026565	1,007691
1,086228	1,071496	0,929814	0,869119	0,749057	1,390475	0,631849	0,819903	1,236984	0,988924	1,014425	1,248579	0,866837	1,053377	1,032615
1,00872	1,042248	1,04609	0,796018	0,705109	0,970909	0,691808	0,782271	1,062206	1,042265	0,998754	1,296272	0,89282	1,109676	1,043149
0,921694	1,113745	0,952829	0,972482	0,963089	0,655787	0,454252	0,977404	0,937888	1,052953	0,93747	0,915916	1,028448	1,038142	1,036368
0,938523	0,983491	0,689334	0,90037	0,894234	0,647882	0,468354	0,999256	1	1,000481	0,898529	1,173957	0,995982	1,077273	0,972589
0,881747	0,974678	0,823247	0,829245	0,977089	0,903511	0,386696	0,843973	0,995266	1,11559	1,069017	1,250372	0,930804	1,137435	1,033977
0,975295	0,96567	1,270841	1,405657	1,119624	1,463317	1,651212	0,763097	1,28465	0,905754	1,057717	0,628192	0,925212	0,978291	0,980238
0,987455	0,992976	1,239993	1,485759	1,180339	1,536869	1,720575	0,992976	1,253552	0,992976	1,113013	0,624711	0,930508	1,019689	0,971601
0,906373	1,105087	1,176899	1,501659	1,023984	1,388217	1,93326	0,867747	1,389404	0,975128	1,060261	0,788788	0,911951	0,97334	0,931438

Mnk1	MSH6	MSI2	mTOR	mTOR_pS2	Myosin-He	Myosin-IIa_	Myt1	N-Cadherin	N-Ras	NAPSIN-A	NDRG1_pT	NDUFB4	NF-kB-p65_	Notch1
1,110739	1,04767	1,143311	0,92796	0,943175	1,07319	1,259658	0,90844	0,97101	1,046718	0,811153	0,450859	1,111708	1,088148	0,819963
0,964196	0,877233	1,220312	0,916326	0,977379	1,051917	1,423938	0,863568	0,998619	1,037752	0,874816	0,444728	1,16164	1,056013	0,809647
0,960173	1,181663	0,959081	0,99589	1,033089	1,052429	0,986292	0,986292	1,113882	1,026597	1,013411	1,221704	1,004114	1,11878	1,111945
0,947585	1,237729	0,914411	0,950432	1,021723	1,162808	0,879378	0,974612	1,094278	1,01097	0,949358	1,311155	0,931246	1,136327	1,083881
1,002355	1,207447	0,926345	1,015662	0,951308	0,928747	1,108681	0,949385	1,055535	0,913274	0,950624	1,143231	0,974773	0,871418	1,284239
1,329371	0,997198	0,946785	0,80739	0,911712	2,124396	2,462769	0,864005	1,134655	0,998131	0,855509	2,319897	0,955211	0,875263	0,515025
1,364377	1,102031	0,984487	0,818084	0,915238	2,038653	2,399087	0,772712	1,097919	1,000481	0,884431	2,218576	1,0007	0,966122	0,533368
1,077366	1,049691	0,985946	0,931217	0,79211	1,380158	1,049691	0,859924	1,049691	1,038003	1,097087	0,710741	0,945695	0,915963	0,958098
1	1,008999	1	0,942116	0,869397	1,091155	1	0,860362	1,073071	0,965365	1	0,752319	0,940461	0,972572	0,940667
1,051641	1,352641	0,884569	0,819757	0,702299	0,740417	0,724602	1,126654	0,747959	0,968858	0,84942	0,782599	1,007305	0,863791	0,716396
1,104656	1,328653	0,871735	0,845685	0,739029	0,690343	0,749057	1,153767	0,798436	0,928805	0,884915	0,796349	0,991527	0,918225	0,699052
1,024815	1,203324	0,977406	0,857807	0,758408	0,749908	0,703929	1,113355	0,792461	0,931472	1,021706	1,776848	1,063236	0,832103	0,70633
1,338719	1,046094	0,975996	1,005462	0,953829	1,051725	0,915916	0,992256	0,976166	1,03622	0,998272	2,025421	1,031877	1,114146	0,969763
1,209747	0,914	0,961456	1	0,982291	1	1	0,910119	0,99119	1,069486	0,987569	1,91767	1	1,138945	1,011614
1,135564	0,872961	1,014437	1,112106	1,098148	1,048049	1,194263	0,939898	0,945746	0,951561	1,029808	1,891997	1,036377	1,200654	0,783945
0,97431	0,916501	1,083088	1,065699	1,080881	0,93433	1,080881	0,995881	0,938657	1,012586	0,757738	0,929716	0,973045	0,716876	2,672888
0,986131	0,858202	1,14104	1,08239	1,082585	0,916485	0,992976	1,033418	0,956343	0,992976	0,959994	0,992976	0,99831	0,755466	2,72818
1,127816	0,993854	1,118498	1,041854	0,959881	0,970005	0,774656	1,043663	0,955736	0,929298	0,911255	0,977825	1,020037	0,774656	2,602653

Notch3	oct-04	P-Cadherin	P-Met_pY1	p16INK4a	p21	p27-Kip-1	p27_pT198	p38-MAPK	p38_pT180	p44-42-MA	p53	p70-S6K1	p70-S6K_p	p90RSK_pT
0,863041	1,103883	1,075566	0,084234	0,698135	0,79412	0,917514	1,097539	0,94479	0,819106	0,977588	0,914048	1,067787	1,048461	0,788604
1,009729	1,09051	1,035056	0,094166	0,711997	0,82359	0,913999	0,941683	1,030003	0,823262	0,999574	0,806096	1,126393	1,145075	0,845638
1,081849	0,979321	1,01104	0,986292	1,558868	0,897469	0,98836	0,975158	0,933252	1,285209	0,902727	1,067182	1,289397	1,13788	1,129377
1,06292	1,006867	1,018846	1,114634	1,745272	0,879378	0,967136	1,002682	0,916942	1,231771	0,923677	1,001642	1,316478	1,138281	1,191809
1,044908	1,023402	0,996735	1,784451	2,024797	0,774441	0,983165	1,175819	0,868151	1,184975	0,877686	1,023084	1,076615	0,704307	1,038109
0,994702	1,166548	1,168682	0,074825	1,155974	0,914867	0,946758	0,913729	1,184852	0,964611	1,181568	0,991562	1,17002	1,900563	0,540575
0,947347	1,111147	1,412444	0,073108	1,169048	0,890207	0,882859	0,929997	1,24017	0,971148	1,237145	0,945685	1,176312	2,021467	0,563025
1,00557	0,932013	1,039683	0,770386	1,78203	0,999559	1,019551	0,949258	0,984844	0,904842	1,297959	0,946465	1,049691	1,00262	0,711899
1,023948	1	1	0,755592	1,674917	1,113509	1	0,997304	1,001487	0,89603	1,144891	0,857037	1,115049	0,954797	0,698215
1,025898	1,006048	1,113545	1,282598	1,08649	0,821372	0,945984	1,014086	1,208296	1,055021	0,728582	1,101162	1,024335	0,754359	0,951753
1,029546	1,045591	1,119174	1,429457	1,05396	0,820063	0,929048	1,036666	1,342873	1,078659	0,720221	1,051569	1,105879	0,808552	0,95733
1,118091	0,984603	1,121748	0,317081	1,165569	0,851564	0,968926	1,218161	0,933056	1,105284	0,704125	1,150461	1,038137	0,73706	1,150384
1,059402	1,038081	0,959042	1,493735	0,998882	0,919929	0,979979	1,109273	1,020949	1,120617	1,003503	1,019117	0,994312	0,724977	1,029505
1	0,968069	0,936242	1,212844	1	0,787326	1,006803	1,120244	1	1,085248	1	1,017184	0,996949	0,737939	0,93254
1,050156	1,015303	1,083471	1,223094	0,98531	0,69866	1,009572	1,194263	1,092962	1,194263	1,005653	0,725031	0,914426	0,878778	1,214363
0,891613	1,044472	0,891577	2,04571	0,347246	1,00753	0,824371	0,968216	0,952038	0,904827	0,994374	0,884883	0,880907	1,080881	1,076377
0,941664	1,019627	0,951473	1,86761	0,373882	1,069552	0,896777	1,034655	1,03336	0,925596	1,062354	0,992976	0,965911	1,132224	1,086228
0,918719	1,040605	0,928164	1,848636	0,385501	1,025307	0,86841	1,005849	0,946718	1,038849	1,04144	0,938744	0,924055	0,856342	0,914855

PAI-1	PAICS	PAK1	PAK4	PAR	PARP	Paxillin	PCNA	PD-1	PD-L1	Pdcd4	PDGFR-b	PDHK1	PDK1	PDK1_pS24
0,898206	0,899554	0,977166	0,905988	3,52169	1,014518	0,745916	1,047238	0,939747	1,084449	1,110518	2,132013	1,038907	0,725539	0,685787
0,946851	0,968838	1,032286	0,926292	3,168963	0,888372	0,812777	0,938238	0,907776	1,125584	1,023391	2,154569	1,05005	0,758166	0,754924
0,996996	0,986292	1,49457	1,137789	1,271324	1,111637	0,986292	0,986292	1,010366	0,965586	0,947221	0,292474	0,894261	1,059967	1,02363
0,95498	0,954782	1,455662	1,14418	1,252301	1,252256	0,997498	1,010882	0,97341	0,960295	0,965982	0,325128	0,879378	0,994958	1,09082
0,860225	1,132277	1,285362	0,903726	0,634258	1,506098	1,101156	0,939375	0,891963	0,888868	1,077382	0,336405	0,86028	0,938042	1,044656
0,947997	1,10535	0,653418	1,383926	0,733318	0,756448	0,798164	0,922082	1,346829	1,15629	0,814151	5,552944	1,225257	0,893287	1,196531
0,883629	1,054578	0,668512	1,469062	0,838122	0,726995	0,789633	0,980529	1,267889	1,166716	0,745634	5,358982	1,313244	0,95132	1,215594
0,955129	1,021966	1,43772	0,961848	0,938854	0,847564	0,93454	0,974502	0,9088	1,223371	1,688251	2,002783	1,123006	0,946861	1,020485
0,962453	0,936545	1,61388	1	0,873599	0,628519	0,955589	0,995165	0,958437	1,060939	1,678876	2,135528	1,001002	1	1
0,900852	1,682711	0,694692	1,069138	2,492672	1,235254	1,018913	1,155265	0,962998	0,99789	0,902372	0,331679	0,871916	1,027362	1,147451
0,913508	1,613203	0,729471	1,029141	1,63618	1,288657	1,046976	1,11368	0,942904	0,941878	0,749057	0,333568	0,823667	1,063667	1,26348
0,897457	1,282533	0,65461	0,899877	5,561362	1,264099	1,035885	0,959608	0,97637	0,969296	0,860719	0,344078	0,865263	0,991715	1,146981
0,997508	1,775151	1,081841	1,02332	1,892851	1,472783	1,083211	1,01934	0,976054	0,955445	0,687464	0,277468	0,916044	1,008656	1,103926
1,006409	1,694393	1,018422	1,025801	1,572881	1,498993	1,084063	1,042377	0,979124	0,941523	0,741277	0,277066	0,923225	1,07099	1,102947
0,861673	1,093352	0,934637	1,104929	2,727331	1,194263	0,98977	0,999101	0,992601	0,920481	0,648838	0,305694	0,876347	0,944978	1,061658
1,011665	0,967408	0,960372	0,832853	0,53854	0,845681	1,029585	0,99872	1,080881	0,958723	1,277697	0,993901	0,989227	0,840384	0,93099
0,992976	1,007387	0,992976	0,841185	0,574823	0,962993	1,070555	1,000626	1,062276	0,992976	1,412184	0,992976	1,046585	0,943649	0,927254
0,913241	1,224047	1,023523	0,831612	0,662971	1,088861	1,026606	0,949289	1,050629	1,034087	1,415768	1,046861	1,082944	0,889433	0,842514

PEA-15	PEA-15_pS	PI3K-p110-	PI3K-p110-	PI3K-p85	PKA-a	PKC-b-II_pS	PKC-delta_	PKCa	PKM2	PLC-gamma:	PLK1	PMS2	Porin	PRAS40
0,976802	1,046995	1,054171	0,880419	1,428987	0,902652	0,607773	1,031526	1,324588	0,903764	0,93152	1,259658	1,152988	1,001692	1,142735
1,093581	0,84125	1,097873	0,922782	1,515364	0,952908	0,546593	1,082015	1,335694	0,905369	0,775467	1,423938	1,153188	1,204022	1,196842
1,14046	0,918047	0,975627	0,941413	1,007006	0,801776	0,986292	0,970673	1,002463	0,833253	1,081073	0,986292	1,042513	1,007718	0,977942
1,118576	0,91692	0,966788	0,912976	0,979056	0,861551	1,0589	0,944551	1,04481	1,064896	1,062875	0,879378	1,082366	1,009418	1,025759
1,110059	1,113443	0,942971	0,785663	1,019701	0,730758	0,860507	0,95065	0,722393	1,114624	1,051733	0,727944	1,122476	0,962666	0,953268
1,274792	1,077846	0,9203	0,852661	0,615112	0,908381	0,653587	0,930886	1,314891	1,370196	1,03794	2,462769	1,984845	1,03798	1,30746
1,273922	0,853542	0,891007	0,865341	0,65354	0,896583	0,728707	1,021641	1,32434	1,297676	1,0294	2,399087	1,93352	1,010901	1,157014
0,987162	0,989523	1,049691	1,106701	0,939246	1,436631	1,034382	1,066736	1,232597	1,038408	1,01445	1,049691	0,950864	1,041064	1,035254
0,967184	1	1,003802	1,048916	1	1,377012	1,06541	1,029349	1,221836	1,008262	1	1	1,116078	1,023568	1,023313
0,932827	0,893957	0,973993	0,848465	0,941515	0,981068	0,909642	0,956721	0,639098	0,733996	1,058238	0,83733	1,302833	0,943646	1,062461
1,002702	0,891957	0,988706	0,882149	0,949127	1,008176	0,929906	0,926407	0,655327	0,817686	0,969465	0,780588	1,199742	0,968531	0,956968
0,982227	1,193647	0,977315	0,888005	0,902108	0,818894	0,783816	0,914259	0,741639	0,703929	0,928072	0,784114	1,27348	0,983572	0,973293
1,310397	0,906001	0,953254	0,937614	0,855493	0,915916	1,027191	0,966757	0,915925	1,1292	0,996704	0,915916	0,960355	0,98049	0,968615
1,395458	0,899868	0,959016	0,958459	0,916988	0,890778	1,064473	0,948354	0,914129	1,15473	0,97896	1	0,990358	1	1,005535
1,140258	1,464637	0,992413	0,871614	0,964311	1,048716	0,784235	0,938908	0,687841	0,993798	1,049061	1,194263	0,962505	1,116794	1,053413
1,031055	0,696158	1,02767	0,960553	1,04227	1,773768	0,909855	0,97001	0,822355	1,076318	1,084376	1,080881	1,042686	0,979486	1,024282
0,992976	0,925313	1,044659	0,992976	1,118699	1,844069	0,984381	0,992976	0,828453	1,053712	1,130979	0,992976	0,992976	0,942149	0,992976
0,715045	0,842654	1,063596	0,939521	1,164416	1,74345	0,904724	0,981662	0,774656	0,968784	1,09432	0,9679	1,185635	0,875676	0,990293

PRAS40_pT	PREX1	Progesterone	PTEN	Rab11	Rab25	Rad50	Rad51	Raptor	Rb	RBM15	Rb_pS807_Rheb	Rictor	Rictor_pT1	
0,783757	1,073379	1,174212	1,336228	1,020127	1,003993	1,012127	1,121063	1,070231	1,027466	1,231582	1,162312	0,778012	0,912333	0,906903
0,764754	1,129822	1,188086	1,423938	0,954738	0,940699	0,900009	1,191678	1,128669	0,939827	1,144504	1,158007	0,734241	0,957358	0,967295
0,60011	1,069112	0,981959	0,965334	0,98977	0,989371	1,162593	1,096145	1,112089	1,001873	0,986292	1,393446	1,07106	1,098694	0,916777
1,292289	1,140074	0,972801	0,937297	1,00058	0,952765	1,280059	1,111387	1,18112	1,029062	1,029465	1,475538	1,189663	1,093224	0,909495
1,09101	1,137543	0,948076	0,749324	0,909056	0,832323	1,425593	1,124988	1,067114	1,00624	3,78744	1,003546	1,135085	1,015395	0,899912
0,774025	1,25608	1,241883	0,930775	0,88355	1,102194	0,538179	1,379008	0,914127	0,953005	1,069425	0,336628	0,827067	0,863217	1,264299
0,75428	1,354762	1,292414	0,928534	0,953	1,174134	0,524263	1,14427	0,850631	0,94241	1,041461	0,348682	0,859554	0,895435	1,296224
0,945084	0,976633	1,014381	1,317207	0,918381	1,061478	0,593171	0,952739	0,999043	1,023819	0,455679	0,841791	1,002801	0,937996	0,953124
0,903163	0,958168	1	1,253493	1,062546	1,024762	0,627811	0,916004	1	1,019329	0,696113	0,810632	0,752078	1	0,953164
0,559187	1,256472	1,055534	0,679171	1,122393	0,804382	1,871582	1,338084	0,952034	1,005181	1,307094	1,622494	1,095746	0,890037	0,875883
1,130864	1,23638	1,048138	0,714014	1,121154	0,936372	1,808515	1,430562	0,921165	1,010791	1,337885	1,743532	1,140396	0,926827	0,886213
1,094882	1,188966	1,016674	0,658882	1,01341	0,961149	1,828486	1,293817	1,016772	1,007513	3,939999	1,130987	1,112371	0,921975	0,769547
1,004489	1,140382	0,964185	0,877598	0,915916	0,915916	1,561186	1,044909	0,979831	1,006165	1,062864	0,848774	0,9852	1,129026	0,952193
1,058061	1	0,968968	0,948905	0,951064	0,933334	1,516273	1	0,977127	1	0,984865	0,875929	1,019216	1,129124	0,960566
1,210965	1,07844	0,955618	1,048221	0,784721	0,913909	1,136368	1,030089	0,990088	1,072304	1,358911	0,732814	0,864039	1,123118	1,366657
1,080881	0,862464	1,176043	1,253849	0,732141	0,94207	0,644533	1,062883	1,011068	1,019936	1,019114	1,495186	1,003743	0,856162	1,080881
1,024481	0,94472	1,219129	1,288876	0,923808	0,988196	0,621569	1,039385	1,075762	0,98768	1,015032	1,584516	0,992976	0,90795	1,094828
1,092973	1,058045	1,17501	1,263834	0,891319	0,929279	0,774656	1,03984	1,054841	0,997396	0,954631	1,592242	0,920337	0,850301	1,06254

RIP	RPA32	RPA32_pS4	RSK	S6	S6_pS235_	S6_pS240_	SCD	SDHA	SF2	Shc_pY317	SHP-2_pY5	SLC1A5	Slfn11	Smac
1,181462	0,902496	0,834532	0,465701	0,746581	1,281591	1,259658	1,146944	1,041615	0,941627	0,805473	1,032299	1,042276	0,973074	0,938562
0,977379	0,848516	0,884014	0,468922	0,816224	1,341056	1,313391	1,228249	1,144441	0,964809	0,637371	1,057344	0,856969	1,016487	0,990142
0,986292	1,106276	0,988174	0,986292	1,03895	1,717998	1,354109	0,98964	0,904659	1,032003	0,99054	0,9417	0,815319	0,789243	0,985701
0,856519	1,050118	0,961886	0,95735	1,031898	1,701257	1,363355	0,974749	0,914631	1,014511	0,946344	0,916077	0,966327	0,998141	1,023628
0,946453	1,011263	1,012369	0,939953	1,305651	0,853301	1,16766	0,925124	0,766047	1,028592	0,864704	0,915577	0,961345	0,924048	1,075798
1,195042	0,767256	0,700419	0,215158	0,629747	2,27565	1,260633	1,149747	1,001869	0,89197	0,700647	1,289157	1,395135	0,961575	1,073861
0,660471	0,71784	0,674217	0,209594	0,652722	2,373635	1,327655	1,067152	0,963634	0,89968	0,705503	1,343456	1,282507	0,941553	1,043602
1,226192	1,064484	0,701889	0,558934	0,978109	0,635405	0,696846	0,887881	1,049691	0,93067	1,048791	1,221494	1,535829	0,810122	0,960266
1,147143	0,831412	0,681842	0,557407	0,900187	0,639939	0,629177	0,851971	1,015112	0,972333	0,971891	1,264247	0,985279	0,832196	1,01648
1,204609	1,255403	0,938543	0,802354	0,905193	0,678607	0,709937	1,009378	0,789176	0,981654	0,986828	1,00644	1,348535	0,949338	1,154516
1,132935	1,209103	0,948976	0,796276	1,000704	0,773581	0,813484	1,013187	0,841349	0,962714	0,934543	1,022754	1,253565	0,969546	1,140416
1,161952	1,167104	1,146793	0,751148	1,237398	0,428371	0,580502	0,995239	0,836571	1,011899	0,735213	0,7595	1,711417	0,946611	1,189539
0,783258	1,293438	1,040753	1,008705	1,07154	0,344742	0,417637	0,961793	0,877276	1,02072	0,915916	0,915916	0,892876	0,964031	0,999671
0,904736	1,165429	1,065931	1,044497	1	0,331246	0,409092	1,008705	0,938382	1,020975	0,939939	0,904562	1,026959	1,047598	1
0,717186	0,965577	1,194263	0,918296	1,322706	1,165454	1,080735	1,038724	0,86035	1,124701	0,87002	0,872038	1,139195	0,867117	0,891845
1,03134	0,954596	0,711159	1,376112	0,957385	1,469344	1,447141	1,000954	1,089926	0,9761	1,120447	0,971196	1,517346	0,82489	1,011563
1,366179	0,992976	0,662134	1,378299	0,959057	1,579205	1,579105	0,992976	1,155491	0,992976	1,100488	1,010714	1,441858	0,992976	1,009156
1,301459	1,126663	0,815662	1,338494	0,934666	1,080032	1,225084	1,006028	1,255046	0,902937	0,996162	0,917054	1,530496	0,981443	1,169876

Smad1	Smad3	Smad4	Snail	SOD1	SOD2	Sox2	Src	Src-(phospho)	Src_pY527	Stat3	Stat3_pY70	Stat5a	Stathmin-1	STING
1,082396	0,963851	1,107341	0,904425	0,838599	1,221219	1,38889	0,601047	0,512646	0,510417	1,259658	1,090569	1,576881	0,863542	0,813923
1,049896	1,065299	1,183335	0,963041	0,885144	1,271683	1,423938	0,684988	0,523765	0,401414	1,202713	1,12751	1,609319	0,939941	0,846419
1,037288	1,122139	0,986292	0,950724	1,002961	0,946824	1,095054	1,136968	1,080051	1,175358	0,669456	0,914568	0,885516	1,012527	0,806323
1,041788	1,217699	0,984753	0,939587	1,10311	0,896522	1,061933	1,00123	1,119247	1,262509	0,714927	0,879378	0,879378	0,947004	0,83733
0,962545	1,172112	0,893888	1,159437	1,001231	0,863877	1,172984	1,031802	0,975759	1,490128	1,119321	1,040828	0,89371	0,839185	4,009113
1,06995	0,780971	1,085551	0,950322	1,2161	1,316446	0,932964	0,911917	0,508993	0,760177	1,507206	1,45068	1,051604	0,82839	1,219278
1,014657	0,956947	1,334128	0,934397	1,054741	1,28038	0,912672	0,993729	0,509645	0,790757	1,478969	1,452552	1,115838	0,793561	1,18775
1,028638	1,049691	1,052074	0,922043	1,122959	1,036134	0,75066	0,850825	1,103428	0,969073	1,288514	1,070253	1,141989	1,031499	1,060777
1	0,987907	0,957665	0,927141	1	0,976759	0,78346	0,81054	1	1,011001	1,316595	1,132736	1,12437	0,961004	1
0,8977	1,107282	1,112234	0,882002	1,034168	0,95237	1,364227	0,777335	1,16542	0,729647	0,716158	0,805673	0,634698	0,916496	0,780969
0,896368	1,166307	1,097544	0,876115	1,055071	0,912918	1,47808	0,865483	1,209812	0,779335	0,758824	0,78038	0,648879	0,911128	0,659505
0,959011	1,247945	1,030162	0,900939	1,04714	1,010153	1,763691	0,985463	0,622069	1,185747	0,456359	0,808032	0,770242	0,852639	1,531909
1,209829	1,231951	1,021224	0,989996	0,916334	0,965742	0,971682	1,40293	1,04105	1,177925	0,546442	0,848521	0,871091	1,021188	0,775639
1,183958	1,133744	0,999862	1	0,94548	1,002203	0,954323	1,321462	1,069283	1,139062	0,562763	0,850637	0,941419	1,088611	0,668304
0,98145	1,144056	0,979113	1,032098	0,989807	1,016056	0,858994	1,286863	0,856594	1,110187	0,591812	0,927176	0,929465	0,91177	3,138413
0,880075	0,837783	0,989218	1,681781	0,989958	1,080881	0,868808	0,935915	1,054052	0,774316	1,350186	1,241614	1,736671	1,006443	1,291906
0,951255	0,933189	0,999298	1,705629	0,9059	1,04897	1,024981	0,992976	1,073301	0,813692	1,423168	1,239971	1,80706	0,992976	1,468064
0,94258	1,056667	0,970758	1,858618	1,128111	1,012296	0,936067	0,912849	0,993566	0,774656	1,390717	1,215533	1,847587	0,930463	1,634673

Syk	Tau	TAZ	TFAM	TFRC	TIGAR	Transglut	TRIM25	TSC1	TTF1	Tuberin	Tuberin_p1	TUFM	TWIST	Tyro3
1,074244	0,959291	0,990624	1,20484	1,379739	0,939645	1,033771	1,259658	0,747865	1,169061	0,927574	1,052066	1,010892	1,046581	0,981486
1,102293	1,023852	1,100224	1,142537	1,421291	0,976072	1,059209	1,423938	0,759268	1,273517	0,977036	1,059944	0,831692	1,095127	1,0183
0,986292	0,986292	1,224967	0,881934	0,984458	1,075635	0,939404	0,986292	0,893141	1,039432	1,000745	0,986292	0,986292	1,009453	0,986292
1,056112	0,981408	1,258005	0,962908	0,967946	1,072875	1,057714	0,879378	0,893214	0,97635	1,102116	0,973655	1,1635	1,045235	1,019718
1,063328	0,964459	1,224135	1,169587	0,97674	1,258528	0,922339	0,634258	0,810645	0,93856	1,20703	0,948248	1,115084	1,013226	1,009674
1,190794	1,327599	0,973302	1,678335	2,458191	1,038322	1,396761	2,462769	1,610557	1,131865	1,053345	1,302918	0,982739	1,174665	0,925463
1,177116	1,196987	1,112522	1,634937	2,394627	1,000822	1,239524	2,399087	1,608897	1,125417	0,917884	1,24131	0,969138	1,138804	0,875287
0,839293	1,032911	0,867753	1,482198	1,158962	0,821894	1,120102	1,049691	0,998306	1,041181	0,880775	0,965632	0,944583	0,98312	0,957661
0,84849	1,053653	0,893387	1,147018	1	0,891323	1,226213	1	1,071241	1,026241	0,971407	0,983699	1,089152	0,986286	0,971463
1,05805	1,014498	1,020113	1,323555	1,45203	0,911122	0,821903	0,749394	0,73616	1,071473	1,181354	0,959244	1,117791	1,010339	1,025931
0,999853	0,976049	1,055618	1,242711	1,490942	0,911167	0,874578	0,749057	0,763629	1,039137	1,073047	0,915718	1,107489	1,000147	1,007447
1,017571	1,001246	1,116552	1,243276	1,489813	1,234703	0,885556	0,703929	0,729089	1,030157	1,121181	0,918775	1,299448	1,011748	1,019717
1,021438	0,948098	1,177182	0,877693	0,914214	1,001338	1,05069	0,915916	1,048317	1,019502	0,915916	0,996666	1,182885	1,037334	1,059461
1,090665	0,960511	1,20603	0,899211	0,998141	1	1	1	1,01268	0,980498	0,964328	1,0037	1,110885	1	1,049124
1,045612	0,983868	1,174754	1,11783	1,192043	1,02003	1,060762	1,194263	1,027419	0,97134	0,915512	1,161093	1,103812	1,01903	0,930678
0,992542	1,029271	0,984202	1,080881	1,078872	0,919597	0,908978	1,080881	0,747589	0,972761	1,173056	1,011499	0,896285	1,058337	1,035127
1,007876	1,05616	0,992976	1,101499	1,218849	0,979227	0,887558	0,992976	0,796463	0,992976	1,342246	1,006145	0,899027	1,054572	1,043953
0,993236	1,04099	0,886637	1,286304	1,683917	0,958202	0,883189	0,774656	0,781883	0,975501	1,413788	0,978797	1,033829	1,110529	1,059052

U-Histone-	UBAC1	UGT1A	ULK1_pS75	VASP	VEGFR-2	VHL-EPPK1	Vimentin	Wee1	Wee1_pS6	WIPI1	WIPI2	XBP-1	XPA	XPF
0,932433	0,898303	1,060004	1,245882	0,598098	0,879417	1,210167	1,036088	1,259658	1,123111	1,02301	1,139143	1,114943	1,050436	0,998308
1,037185	0,835064	1,105376	1,284125	0,631731	0,900164	1,182996	1,118407	1,176998	1,127334	0,97011	0,795944	1,215033	1,11419	1,028056
1,036492	1,050215	0,795553	0,935606	1,190166	1,178648	1,015777	1,014584	0,953329	1,222099	1,217283	0,844962	0,985623	0,932375	0,986292
0,839695	1,054645	0,76337	0,808469	1,159558	1,247721	0,879378	0,959078	0,944934	1,183285	1,301786	0,933654	0,981335	1,008925	0,939108
0,984641	0,895345	1,004169	0,977794	1,155481	1,236111	0,855087	0,925779	0,995263	1,046773	1,899271	1,068879	0,968069	0,985571	0,870396
0,916765	0,911688	2,462769	1,429545	0,79692	1,325867	1,524105	1,215629	0,936991	0,976631	0,933282	2,074235	1,131528	1,196846	0,859216
1,122818	0,877129	2,468861	1,447459	0,816582	1,351333	1,25214	1,24864	0,849265	0,790907	1,07879	1,308433	1,115546	1,092217	0,877089
0,081435	1,049691	1,788952	1,33562	1,049691	1,364159	0,822632	1,000441	1,032001	0,927317	0,948974	0,975437	0,92972	1,049691	0,957794
0,99782	0,968053	1,650543	1,393383	1,054479	1,340881	0,755416	0,960072	0,68125	0,98528	1	1,055161	0,998378	1,208721	0,922925
0,946214	1,072158	0,639407	0,898969	0,883596	0,866494	1,361868	0,878781	1,326334	1,222926	1,371579	1,23088	0,985686	1,310597	0,935231
0,935863	1,096475	0,660479	0,878981	0,896601	0,920926	1,194448	0,962162	1,346947	1,163324	1,442467	1,204506	0,986511	1,060791	0,914426
1,025952	1,015073	0,719598	1,061122	0,807071	1,054887	1,234776	0,941561	1,362145	1,236206	1,155141	1,189526	0,925046	1,059591	0,865821
1,004319	0,954146	0,737858	1,006484	1,230342	0,878723	1,100234	0,98415	1,025474	1,190371	0,905985	0,817811	0,980568	0,871255	0,924479
1,046263	0,939226	0,711903	1	1,24579	0,861742	0,820683	1	0,953305	1,13304	0,927986	0,888417	1	1,225553	0,925501
1,125591	0,845798	0,875309	0,962292	0,773446	0,826634	0,850939	0,99149	0,7043	1,066693	1,114688	0,959914	1,010789	0,914011	0,955512
1,080881	1,027974	1,210541	1,059406	0,526837	0,79279	1,384301	1,016531	1,25686	0,971692	1,172463	1,080881	1,026143	0,984104	1,019593
1,052176	1,023191	1,138754	1,149461	0,517509	0,839287	1,315587	1,035149	1,239583	0,992976	1,20629	1,210376	1,057007	1,037756	0,999736
0,992426	1,013035	1,384123	1,007291	0,617872	0,774656	1,1213	0,999569	1,306187	0,988184	1,31791	1,147144	1,012588	1,100193	0,986878

XRCC1	YAP	YAP_pS127	YB1_pS102	ZAP-70
1,071328	0,994923	0,777948	0,841969	1,096174
0,98798	0,985166	0,822088	0,915462	1,105441
0,967433	1,003541	0,945719	1,083507	0,986292
1,027219	0,955034	0,879378	1,094627	0,948043
1,07879	0,932544	1,2831	0,919685	0,918945
0,795401	0,925105	1,748823	0,880809	1,238507
0,855545	0,910758	1,795218	0,87392	1,262238
0,811682	1,027301	1,485821	0,93884	1,011524
0,718895	0,992591	1,514294	0,896192	1,091368
1,164403	1,015211	0,725	0,849462	1,198034
1,035781	0,91377	0,734288	0,911244	1,142111
1,188473	1,058353	0,785413	0,859468	1,068986
1,074997	1,018775	0,796259	1,025891	1,040723
0,948487	1	0,79319	1	0,953993
0,9029	0,858556	0,75535	0,934128	0,959888
1,080881	0,96763	1,188918	1,067591	0,97983
1,219603	1,028987	1,190246	1,088315	1,111305
1,27131	1,002983	1,135393	0,974743	1,091465

ANOVA - Subtype A (MGT4, 9, 11) vs. MGT2

#	Protein	p-value	Ratio (MGT4, 9, 11 vs. 2)	Fold change (MGT4, 9, 11 vs. 2)	F(cell lines)	SS(cell lines)	SS(Error)	F(Error)
173	PDGFR-b	1,08E-13	0,146377	-6,83167	2680,48	45,9792	0,0314478	1
220	Stat5a	2,64E-10	0,519908	-1,92342	212,947	2,68086	0,0230804	1
106	Heregulin	2,92E-06	0,531313	-1,88213	15,8753	1,22152	0,141065	1
149	Notch1	0,0748195	1,14099	1,14099	261,231	8,7418	0,0613504	1
218	Stat3	0,000198521	0,553762	-1,80583	22,5764	2,24621	0,182405	1
114	IGFRb	0,610093	1,03396	1,03396	224,45	5,12321	0,041847	1
16	AMPKa_pT172	0,00315167	0,57961	-1,7253	20,1532	5,16458	0,469821	1
192	PTEN	6,24E-07	0,610168	-1,63889	36,5922	1,00525	0,0503651	1
184	PKCa	2,95E-05	0,611766	-1,63461	18,1378	1,02674	0,103781	1
99	Granzyme-B	4,49E-06	0,627723	-1,59306	41,2121	1,35911	0,0604605	1
180	PI3K-p85	1,16E-08	0,644194	-1,55233	65,5844	0,787884	0,0220243	1
227	TRIM25	0,00053431	0,646933	-1,54576	45,9436	4,35433	0,173755	1
187	PLK1	0,000101582	0,671224	-1,48982	74,7899	4,09094	0,100282	1
20	Atg7	0,60119	0,979264	-1,02117	90,159	1,23961	0,0252068	1
129	MCT4	0,867443	1,03122	1,03122	84,0128	9,79881	0,21383	1
19	Atg3	6,48E-05	0,674586	-1,48239	11,0157	0,46522	0,0774264	1
206	S6_pS240_S24	0,0212966	0,681984	-1,46631	8,71822	1,99056	0,41859	1
143	Myosin-IIa_pS:	0,000470945	0,684166	-1,46163	56,6744	4,16063	0,13459	1
62	Cox-IV	0,00012595	0,701733	-1,42504	81,2113	3,84541	0,0868097	1
181	PKA-a	0,55918	0,964983	-1,03629	75,668	2,16153	0,0523711	1
25	Axl	1,52E-06	0,71399	-1,40058	41,9318	0,580668	0,0253878	1
128	Mcl-1	0,00361495	0,715149	-1,39831	11,3896	1,13117	0,18208	1
126	LRP6_pS1490	0,88489	0,994255	-1,00578	66,1155	0,789773	0,0218998	1
101	Gys	4,96E-07	0,725166	-1,379	324,947	2,62375	0,014803	1
145	N-Cadherin	0,0559853	0,960772	-1,04083	64,9493	0,208575	0,00588748	1
125	LDHA	0,00230132	0,735287	-1,36001	19,2759	1,35548	0,12892	1
65	Cyclin-B1	0,00024449	0,735434	-1,35974	82,2768	3,5958	0,0801235	1
188	PMS2	0,344717	0,957489	-1,0444	60,6591	1,46813	0,0443722	1
123	LC3A-B	0,215517	1,08316	1,08316	58,4615	1,87329	0,0587456	1
142	Myosin-Heavy	0,0813902	0,880941	-1,13515	58,0716	2,47971	0,078285	1
236	ULK1_pS757	8,34E-05	0,749204	-1,33475	23,8444	0,644312	0,0495395	1
29	B-Raf	8,33E-08	0,762985	-1,31064	111,25	0,617595	0,0101776	1
214	SOD2	7,50E-07	0,763649	-1,3095	35,5291	0,303646	0,0156684	1
21	ATM	0,000815902	0,770212	-1,29834	18,4361	0,970152	0,0964744	1
163	p70-S6K_pT38:	0,0367157	0,77218	-1,29503	19,7553	2,1438	0,198949	1
166	PAK1	0,559137	1,03392	1,03392	49,2351	1,5473	0,0576156	1
110	HSP27_pS82	0,0200727	0,775754	-1,28907	10,1753	1,07461	0,193617	1
17	AR	0,000157581	0,779128	-1,28349	7,24728	0,173602	0,0439159	1
98	Glutaminase	0,000155622	0,780194	-1,28173	80,6271	1,4637	0,0332823	1
207	SDHA	0,000392208	0,785629	-1,27286	12,7619	0,273363	0,0392706	1
219	Stat3_pY705	3,10E-05	0,786986	-1,27067	62,5686	0,749615	0,0219646	1
172	Pdcd4	0,000937141	0,789402	-1,26678	71,9431	1,77986	0,0453565	1
59	COG3	0,0971174	0,920635	-1,08621	38,9353	0,588651	0,0277176	1
247	YAP_pS127	0,476629	1,0691	1,0691	37,918	2,09533	0,101309	1
30	B-Raf_pS445	0,000232716	0,796073	-1,25617	10,5878	0,221288	0,0383174	1
139	MSI2	4,27E-06	0,79778	-1,25348	18,0605	0,144807	0,0146995	1
102	Gys_pS641	3,33E-05	0,817827	-1,22275	189,262	1,40427	0,0136028	1
60	Collagen-VI	0,0210347	0,821627	-1,2171	13,1673	0,713145	0,0992937	1
229	TTF1	7,57E-06	0,824851	-1,21234	15,007	0,108667	0,0132754	1
191	Progesterone-l	8,65E-08	0,83835	-1,19282	94,235	0,221118	0,00430183	1
174	PDHK1	0,000351092	0,841501	-1,18835	28,3303	0,29458	0,019063	1
243	XBP-1	1,63E-05	0,841555	-1,18828	13,4597	0,085545	0,011652	1
215	Sox2	0,0197289	0,846989	-1,18065	19,6576	1,20302	0,112197	1
90	FoxO3a	0,000710501	0,850018	-1,17645	7,09168	0,0949975	0,0245586	1
131	MEK1	0,0862033	0,888455	-1,12555	23,975	1,28431	0,098209	1
36	Beclin	0,000579213	0,851373	-1,17457	10,1533	0,129077	0,0233067	1
225	TFRC	0,0726572	0,830355	-1,2043	23,0032	3,23592	0,2579	1
171	PD-L1	0,00109392	0,858836	-1,16437	10,7281	0,133421	0,0228005	1
108	Hexokinase-II	0,342714	0,967622	-1,03346	22,6331	0,23349	0,0189132	1
81	ER	0,000131643	0,861309	-1,16102	12,1807	0,0968804	0,0145816	1
118	IRS1	0,152006	1,14885	1,14885	21,6986	2,81443	0,237794	1
135	MIF	0,0016136	0,862612	-1,15927	12,857	0,162293	0,023142	1
140	mTOR	0,218133	1,03657	1,03657	21,6487	0,141672	0,0119976	1
69	DM-Histone-H:	0,00112926	0,862785	-1,15904	16,9499	0,224844	0,0243195	1
8	A-Raf	0,0484134	0,865165	-1,15585	2,42788	0,121051	0,0914079	1
52	CD4	0,0237995	0,866791	-1,15368	7,06838	0,237332	0,0615571	1

50	CD134	0,00160553	0,86804	-1,15202	6,86224	0,0886066	0,0236724	1
88	Fibronectin	0,612654	0,870297	-1,14903	20,1859	16,8349	1,52898	1
115	INPP4b	0,000924067	0,876443	-1,14098	7,69294	0,0688118	0,0163988	1
209	SHP-2_pY542	0,0370133	0,877828	-1,13918	13,4274	0,381753	0,0521231	1
160	p44-42-MAPK	0,00353761	0,884115	-1,13108	48,2315	0,455429	0,0173114	1
71	DUSP4	0,00934556	0,885848	-1,12886	17,8602	0,340866	0,0349897	1
31	B7-H4	0,000169984	0,887563	-1,12668	55,7304	0,254248	0,00836387	1
3	14-3-3-beta	0,000312794	0,888024	-1,1261	7,01879	0,0383397	0,0100145	1
183	PKC-delta_pS6	0,000290416	0,895524	-1,11666	7,28739	0,0321434	0,00808651	1
45	C-Raf	0,00690107	0,900781	-1,11015	12,349	0,127875	0,0189843	1
179	PI3K-p110-a	3,95E-05	0,901476	-1,10929	17,5983	0,0447948	0,00466657	1
39	BRD4	0,0244602	0,904827	-1,10518	15,2571	0,215063	0,0258425	1
244	XPF	0,00502473	0,912061	-1,09642	5,6978	0,036381	0,011706	1
78	eIF4E_pS209	0,0133372	0,916362	-1,09127	5,70269	0,0556886	0,0179031	1
151	04-oct	0,00265902	0,918227	-1,08906	8,60402	0,0456702	0,00973133	1
40	c-Abl	0,0120691	0,926762	-1,07903	5,76258	0,0348276	0,0110802	1
197	Raptor	0,029677	0,929489	-1,07586	10,2826	0,0973311	0,0173536	1
22	ATM_pS1981	0,00410807	0,929732	-1,07558	26,8204	0,106612	0,00728759	1
156	p27-Kip-1	0,00932017	1,06517	1,06517	12,5046	0,0442074	0,00648135	1
91	FoxO3a-(p_S3)	0,011967	1,06793	1,06793	5,07456	0,0205944	0,00744033	1
97	Glutamate-D1-	0,028718	1,09586	1,09586	15,1267	0,181095	0,0219485	1
200	Rictor	0,00154301	1,10861	1,10861	27,7896	0,161173	0,0106329	1
61	Connexin-43	0,15408	1,1711	1,1711	15,6721	3,01638	0,352858	1
112	IGF1R_pY1135	0,019286	1,10887	1,10887	21,4428	0,272795	0,0233237	1
223	TAZ	0,0145134	1,11144	1,11144	14,9438	0,237227	0,0291034	1
132	MEK1_pS217_	0,00307844	1,11846	1,11846	6,74308	0,0568754	0,0154635	1
150	Notch3	0,0063406	1,12403	1,12403	4,82015	0,0564768	0,0214808	1
238	VEGFR-2	0,00990612	1,13284	1,13284	57,4204	0,813718	0,0259806	1
76	EGFR_pY1173	0,000443573	1,13345	1,13345	9,80828	0,056272	0,0105182	1
24	Aurora-B	0,0207669	1,13493	1,13493	3,69143	0,0699945	0,0347624	1
235	UBAC1	0,0139717	1,14396	1,14396	4,508	0,0808853	0,0328948	1
146	NAPSIN-A	0,0403182	1,14475	1,14475	2,99184	0,0810062	0,0496389	1
199	Rb_pS807_S81	0,766182	1,03693	1,03693	14,168	2,7481	0,355602	1
231	Tuberin_pT146	0,0661435	0,93259	-1,07228	14,1568	0,169301	0,0219248	1
196	Rad51	0,888414	1,00602	1,00602	13,7869	0,317955	0,0422807	1
167	PAK4	0,0631488	1,13252	1,13252	13,7548	0,466078	0,0621221	1
11	Akt	0,13488	1,07993	1,07993	13,6563	0,261477	0,0351029	1
127	MAPK_pT202_	0,0255476	1,14687	1,14687	18,2811	0,389619	0,0390732	1
144	Myt1	0,00031202	1,14701	1,14701	27,5113	0,17194	0,0114579	1
100	GSK-3a-b_pS2:	0,00328648	1,14954	1,14954	49,6985	0,584682	0,0215684	1
105	HER3_pY1289	0,00153558	1,15315	1,15315	12,0771	0,118349	0,0179656	1
213	Smad3	0,0259735	1,15464	1,15464	6,38273	0,233252	0,0669977	1
141	mTOR_pS2448	0,302264	0,953442	-1,04883	12,5741	0,210657	0,0307143	1
80	Elk1_pS383	0,000999443	1,16458	1,16458	8,30934	0,0843929	0,01862	1
228	TSC1	0,000222615	1,16694	1,16694	227,87	1,22223	0,00983348	1
32	Bad_pS112	0,0334893	1,17703	1,17703	3,55901	0,115742	0,0596216	1
15	AMPKa	0,0357664	1,17858	1,17858	5,72029	0,200858	0,0643744	1
79	eIF4G	0,00179545	1,18217	1,18217	6,89226	0,109649	0,0291666	1
161	p53	0,0389507	1,1829	1,1829	2,40202	0,106289	0,0811244	1
37	Bid	0,0141726	1,18932	1,18932	10,6969	0,434923	0,074541	1
138	MSH6	0,00825374	1,19423	1,19423	10,5037	0,348983	0,0609123	1
186	PLC-gamma2_l	0,00103584	1,19459	1,19459	6,24204	0,0866953	0,025463	1
185	PKM2	0,504394	1,04975	1,04975	10,8879	0,454477	0,0765257	1
26	b-Actin	0,0401365	1,19808	1,19808	7,4584	0,493307	0,121259	1
203	RPA32_pS4_S8	0,0100323	1,20227	1,20227	14,4553	0,444965	0,0564341	1
68	DJ1	0,00103	1,20467	1,20467	11,0921	0,209944	0,0347	1
111	HSP70	0,000450799	1,20842	1,20842	26,2536	0,374713	0,0261668	1
43	c-Kit	0,00152899	1,21456	1,21456	9,67881	0,248033	0,0469817	1
190	PREX1	0,457057	1,03358	1,03358	10,3415	0,233884	0,041463	1
51	CD20	0,191735	0,947099	-1,05586	10,3099	0,151296	0,0269041	1
82	ER-a_pS118	0,000421124	1,22119	1,22119	14,7376	0,266244	0,0331203	1
232	TUFM	0,0100379	1,22861	1,22861	3,36369	0,152081	0,0828898	1
27	b-Catenin	0,00685493	1,23092	1,23092	19,371	1,03206	0,0976768	1
208	Shc_pY317	0,0126903	1,26048	1,26048	6,59602	0,258832	0,0719412	1
44	c-Myc	0,00316716	1,28552	1,28552	18,0174	1,00698	0,102464	1
49	Caveolin-1	0,0971409	1,33265	1,33265	10,0118	1,9585	0,358633	1
35	Bcl-xL	0,0149623	1,29682	1,29682	4,17741	0,376623	0,165288	1
148	NF-kB-p65_pS38	0,399194	0,952911	-1,04942	9,70749	0,315754	0,0596325	1
164	p90RSK_pT573	0,00639564	1,30474	1,30474	11,5145	0,621942	0,0990253	1
119	Jagged1	0,000739508	1,30593	1,30593	20,9169	0,677713	0,0594006	1

245 XRCC1	0,825676	1,01312	1,01312	9,47025	0,333549	0,0645713	1
239 Wee1	0,104662	0,876613	-1,14075	9,40644	0,667283	0,130055	1
249 ZAP-70	0,0820368	0,930328	-1,07489	9,2011	0,145113	0,0289141	1
109 Histone-H3	0,0187727	1,32418	1,32418	5,92002	0,561613	0,173922	1
85 FAK	0,000694245	1,32953	1,32953	5,73598	0,170349	0,054447	1
170 Paxillin	5,24E-06	1,33213	1,33213	19,796	0,194305	0,0179948	1
205 S6_pS235_S23	0,122847	0,677394	-1,47625	8,58233	5,39909	1,15334	1
137 Mnk1	0,397508	1,04691	1,04691	8,53919	0,256266	0,0550193	1
4 14-3-3-zeta	1,19E-06	1,34827	1,34827	33,826	0,267897	0,0145197	1
240 Wee1_pS642	0,477296	1,03335	1,03335	8,22266	0,209994	0,0468206	1
224 TFAM	0,352684	0,920053	-1,08689	8,10877	0,744333	0,168288	1
230 Tuberin	0,142468	1,10623	1,10623	8,06143	0,324571	0,0738141	1
53 cdc25C	0,258835	0,913464	-1,09473	7,90478	0,588719	0,13654	1
152 P-Cadherin	0,767333	0,985474	-1,01474	7,73996	0,194149	0,0459873	1
74 eEF2K	0,441313	1,09181	1,09181	7,71876	1,10977	0,263588	1
47 Caspase-3	0,000118548	1,35782	1,35782	10,1404	0,28436	0,0514109	1
175 PDK1	2,39E-05	1,363	1,363	9,15835	0,134561	0,0269365	1
48 Caspase-7-clea	0,0880836	1,1119	1,1119	7,46312	0,198301	0,048713	1
77 eIF4E	8,20E-09	1,37103	1,37103	105,413	0,35314	0,0061418	1
169 PARP	0,00558074	1,38083	1,38083	9,62553	1,05198	0,200366	1
96 GCN5L2	0,000667096	1,39302	1,39302	22,6414	1,42422	0,115323	1
155 p21	0,707418	1,02342	1,02342	7,13402	0,169398	0,0435327	1
159 p38_pT180_Y1	1,73E-06	1,3992	1,3992	24,6677	0,308891	0,0229572	1
87 FASN	0,00198794	1,42008	1,42008	14,6017	0,886435	0,111297	1
162 p70-S6K1	0,809641	0,988121	-1,01202	7,05292	0,193159	0,0502098	1
46 C-Raf_pS338	0,000330295	1,4264	1,4264	17,2098	0,742969	0,0791471	1
103 HER2_pY1248	0,0149297	1,44063	1,44063	2,57293	0,36422	0,259524	1
10 ACC_pS79	0,233658	1,26526	1,26526	6,88379	2,70112	0,719379	1
94 GATA6	0,265404	0,941572	-1,06205	6,86886	0,135719	0,036224	1
9 ACC1	0,00184344	1,44582	1,44582	15,9361	1,4716	0,169296	1
86 FAK_pY397	0,835995	1,03868	1,03868	6,81998	3,40543	0,915442	1
165 PAICS	0,0196074	1,45279	1,45279	4,40808	1,03963	0,432387	1
6 4E-BP1_pS65	0,000634097	1,45378	1,45378	17,6814	1,46513	0,151915	1
42 c-Jun_pS73	8,11E-08	1,50932	1,50932	116,358	1,45267	0,0228882	1
41 c-IAP2	0,600646	1,01761	1,01761	6,4537	0,0613278	0,0174217	1
176 PDK1_pS241	1,68E-07	1,54022	1,54022	35,1936	0,390214	0,0203273	1
12 Akt_pS473	0,00436292	1,55379	1,55379	18,3478	1,69049	0,168916	1
177 PEA-15	0,256578	1,08761	1,08761	6,15327	0,346978	0,10338	1
57 Chk2_pT68	0,0629573	1,10963	1,10963	5,93181	0,140716	0,0434908	1
195 Rad50	0,000125957	1,57946	1,57946	40,8683	3,70815	0,166346	1
120 Jak2	0,135485	0,940837	-1,06288	5,87721	0,0853043	0,0266098	1
182 PKC-b-II_pS66	0,000345515	1,618	1,618	7,55104	0,363053	0,0881463	1
63 Cox2	0,571433	1,18839	1,18839	5,80238	23,967	7,57267	1
104 HER3	0,000111356	1,63288	1,63288	21,6693	2,19332	0,185566	1
116 IR-b	0,000218778	1,64733	1,64733	14,4859	0,963358	0,121922	1
237 VASP	0,000844433	1,68805	1,68805	10,586	0,902805	0,156352	1
93 Gab2	0,00149893	1,69641	1,69641	20,7642	2,40937	0,21273	1
13 Akt_pT308	0,000132405	1,81449	1,81449	19,8553	1,27872	0,11807	1
121 JNK2	0,537938	0,977972	-1,02252	5,46307	0,0676374	0,0226982	1
136 MMP2	0,378155	0,981625	-1,01872	5,4171	0,0235161	0,00795865	1
83 ERCC5	0,127808	1,16538	1,16538	5,40905	0,348821	0,118229	1
134 Merlin	0,166822	1,16384	1,16384	5,0951	0,56156	0,202062	1
210 SLC1A5	0,231834	1,18357	1,18357	5,08099	0,946591	0,341551	1
154 p16INK4a	2,05E-05	1,83106	1,83106	61,1803	4,11802	0,123401	1
70 DM-K9-Histone	0,217551	1,05094	1,05094	5,04787	0,0706856	0,0256723	1
54 Cdc2_pY15	0,283329	0,927179	-1,07854	5,02374	0,279873	0,102135	1
194 Rab25	0,224555	0,941539	-1,06209	4,99539	0,0956965	0,0351211	1
73 eEF2	0,443447	0,938933	-1,06504	4,95311	0,381503	0,141209	1
55 CDK1	6,94E-08	1,88604	1,88604	184,164	4,38771	0,0436792	1
67 D-a-Tubulin	0,0756837	0,930459	-1,07474	4,74738	0,0633336	0,024458	1
201 Rictor_pT1135	0,892292	1,01225	1,01225	4,62353	0,3117	0,123596	1
242 WIPI2	0,754261	1,04946	1,04946	4,54417	0,991671	0,400087	1
248 YB1_pS102	0,0852765	1,09731	1,09731	4,53269	0,0910193	0,0368145	1
5 4E-BP1	3,26E-08	1,94132	1,94132	83,065	1,3759	0,0303675	1
84 Ets-1	0,134148	0,96709	-1,03403	4,43743	0,020748	0,00857209	1
204 RSK	2,84E-09	1,95084	1,95084	326,695	2,16415	0,0121447	1
124 Lck	0,0587615	1,1629	1,1629	4,23264	0,228688	0,0990542	1
216 Src-(phospho-)	0,00166818	1,9596	1,9596	5,81883	0,827672	0,260774	1
233 Tyro3	0,66492	1,01211	1,01211	4,15696	0,0302252	0,0133301	1
212 Smad1	0,355836	0,955667	-1,04639	4,05	0,0956214	0,0432855	1

168 PAR	0,119847	0,632429	-1,5812	3,96584	20,7026	9,57041	1
217 Src_pY527	4,72E-05	2,44926	2,44926	11,0253	1,13465	0,188674	1
64 Creb	0,172066	0,963746	-1,03762	3,71864	0,0251136	0,0123813	1
130 MDM2_pS166	0,61547	1,02953	1,02953	3,7033	0,0906338	0,0448687	1
38 Bim	0,00855248	2,45677	2,45677	6,77479	5,19634	1,40619	1
7 53BP1	0,0210697	2,75068	2,75068	3,72702	8,23053	4,04863	1
18 ARID1A	0,0605014	1,97199	1,97199	3,43223	6,68877	3,57282	1
95 GCLM	0,499991	0,981277	-1,01908	3,36925	0,0253068	0,0137703	1
107 HES1	2,11E-05	2,90854	2,90854	43,8796	7,33319	0,306388	1
241 WIPI1	0,0946799	1,26392	1,26392	3,21009	0,652047	0,372394	1
158 p38-MAPK	0,543201	1,04838	1,04838	3,14191	0,178812	0,104338	1
75 EGFR	0,0847649	1,16266	1,16266	3,12587	0,163053	0,0956314	1
202 RIP	0,36507	0,894917	-1,11742	3,09244	0,437652	0,25946	1
193 Rab11	0,886034	0,991129	-1,00895	3,07432	0,107638	0,0641887	1
34 Bax	0,159603	1,41421	1,41421	3,06105	1,45184	0,869541	1
147 NDRG1_pT346	0,000376259	3,19268	3,19268	15,1644	5,64423	0,682373	1
221 Stathmin-1	0,400626	1,04742	1,04742	2,83115	0,0664936	0,0430585	1
23 ATR_pS428	0,0685999	1,1284	1,1284	2,5898	0,0881786	0,0624221	1
58 Claudin-7	8,26E-05	3,71646	3,71646	20,2027	31,189	2,83031	1
113 IGFBP2	0,111664	0,856469	-1,16758	2,56926	0,224706	0,160342	1
72 E-Cadherin	1,34E-06	6,81231	6,81231	50,6271	154,73	5,60315	1
153 P-Met_pY1234	0,00111418	13,5079	13,5079	10,2702	6,56734	1,17234	1
56 Chk1_pS296	0,494521	0,970922	-1,02995	2,38404	0,0404177	0,0310814	1
66 Cyclin-D1	0,0920015	1,09624	1,09624	2,24121	0,0517592	0,0423395	1
92 G6PD	0,149912	0,866254	-1,1544	2,1683	0,167204	0,141374	1
157 p27_pT198	0,253347	1,073	1,073	2,1435	0,0802349	0,0686247	1
14 AMPK-a2_pS34	0,256513	1,08803	1,08803	2,12234	0,0877857	0,0758317	1
89 FoxM1	0,113757	0,89613	-1,11591	2,09024	0,0810734	0,0711088	1
226 TIGAR	0,220047	1,10031	1,10031	2,02815	0,108713	0,0982706	1
122 JNK_pT183_Y1	0,297994	1,07002	1,07002	2,02018	0,0760564	0,0690219	1
117 IRF-1	0,0981009	0,934488	-1,0701	1,94612	0,0303863	0,0286253	1
33 Bak	0,0710451	1,13801	1,13801	1,87467	0,0702506	0,0687017	1
234 U-Histone-H2B	0,95682	1,00922	1,00922	1,55594	0,410705	0,483925	1
28 b-Catenin_pT4	0,152139	1,10792	1,10792	1,32746	0,0577034	0,0796934	1
211 Sfn11	0,351537	0,944448	-1,05882	1,24644	0,0394885	0,0580819	1
133 MERIT40_pS29	0,330414	0,912678	-1,09568	1,0799	0,0862763	0,14647	1
198 RBM15	0,4592	1,4772	1,4772	0,951534	5,1036	9,83319	1
189 PRAS40_pT246	0,188228	1,29757	1,29757	0,904605	0,239531	0,48545	1
246 YAP	0,689856	0,982647	-1,01766	0,788196	0,0136047	0,0316444	1
178 PEA-15_pS116	0,597375	1,08254	1,08254	0,56699	0,114289	0,369549	1
222 STING	0,435835	1,76771	1,76771	0,35209	2,14706	11,1798	1

ANOVA - Subtype B (MGT13) vs. MGT2

#	Protein	p-value	Ratio (MGT13 vs. 2)	Fold change (MGT13 vs. 2)	F(cell lines)	SS(cell lines)	SS(Error)	F(Error)
168	PAR	0,00796666	0,176996	-5,64983	3,96584	20,7026	9,57041	1
173	PDGFR-b	1,09E-10	0,471819	-2,11946	2680,48	45,9792	0,0314478	1
106	Heregulin	5,94E-06	0,491576	-2,03427	15,8753	1,22152	0,141065	1
154	p16INK4a	0,0051752	0,52318	-1,91139	61,1803	4,11802	0,123401	1
228	TSC1	0,442482	1,02886	1,02886	227,87	1,22223	0,00983348	1
184	PKCa	0,000105671	0,607821	-1,64522	18,1378	1,02674	0,103781	1
215	Sox2	0,000387963	0,670703	-1,49097	19,6576	1,20302	0,112197	1
102	Gys_pS641	0,649504	1,01481	1,01481	189,262	1,40427	0,0136028	1
118	IRS1	0,014978	0,674798	-1,48193	21,6986	2,81443	0,237794	1
42	c-Jun_pS73	0,197381	0,934333	-1,07028	116,358	1,45267	0,0228882	1
61	Connexin-43	0,0342814	0,684716	-1,46046	15,6721	3,01638	0,352858	1
148	NF-kB-p65_pS	0,00054733	0,698641	-1,43135	9,70749	0,315754	0,0596325	1
191	Progesterone-f	0,631253	1,00755	1,00755	94,235	0,221118	0,00430183	1
20	Atg7	0,681356	0,981025	-1,01934	90,159	1,23961	0,0252068	1
143	Myosin-IIa_pS1	0,00254135	0,707636	-1,41316	56,6744	4,16063	0,13459	1
227	TRIM25	0,00573092	0,707636	-1,41316	45,9436	4,35433	0,173755	1
134	Merlin	0,0469397	0,710885	-1,4067	5,0951	0,56156	0,202062	1
195	Rad50	0,0318499	0,711511	-1,40546	40,8683	3,70815	0,166346	1
110	HSP27_pS82	0,0152316	0,72326	-1,38263	10,1753	1,07461	0,193617	1
71	DUSP4	4,66E-05	0,725994	-1,37742	17,8602	0,340866	0,0349897	1
44	c-Myc	0,016986	0,750724	-1,33205	18,0174	1,00698	0,102464	1
180	PI3K-p85	2,33E-06	0,752941	-1,32813	65,5844	0,787884	0,0220243	1
187	PLK1	0,0031451	0,755642	-1,32338	74,7899	4,09094	0,100282	1
29	B-Raf	3,82E-07	0,761564	-1,31309	111,25	0,617595	0,0101776	1
145	N-Cadherin	0,129919	0,964898	-1,03638	64,9493	0,208575	0,00588748	1
62	Cox-IV	0,00307026	0,771809	-1,29566	81,2113	3,84541	0,0868097	1
73	eEF2	0,027315	0,771852	-1,29559	4,95311	0,381503	0,141209	1
188	PMS2	0,19857	0,931209	-1,07387	60,6591	1,46813	0,0443722	1
123	LC3A-B	0,439528	1,05926	1,05926	58,4615	1,87329	0,0587456	1
142	Myosin-Heavy-	0,140632	0,884918	-1,13005	58,0716	2,47971	0,078285	1
238	VEGFR-2	0,0741087	0,90161	-1,10913	57,4204	0,813718	0,0259806	1
229	TTF1	1,07E-05	0,802768	-1,24569	15,007	0,108667	0,0132754	1
31	B7-H4	0,279971	0,97317	-1,02757	55,7304	0,254248	0,00836387	1
72	E-Cadherin	0,39156	0,357502	-2,79719	50,6271	154,73	5,60315	1
21	ATM	0,00722314	0,806507	-1,23991	18,4361	0,970152	0,0964744	1
166	PAK1	0,854121	0,987623	-1,01253	49,2351	1,5473	0,0576156	1
160	p44-42-MAPK	0,248371	1,04465	1,04465	48,2315	0,455429	0,0173114	1
65	Cyclin-B1	0,00673208	0,806749	-1,23954	82,2768	3,5958	0,0801235	1
8	A-Raf	0,0246201	0,815429	-1,22635	2,42788	0,121051	0,0914079	1
111	HSP70	0,00345903	0,816935	-1,22409	26,2536	0,374713	0,0261668	1
99	Granzyme-B	0,104485	0,907549	-1,10187	41,2121	1,35911	0,0604605	1
30	B-Raf_pS445	0,00207868	0,821963	-1,2166	10,5878	0,221288	0,0383174	1
81	ER	8,49E-05	0,829505	-1,20554	12,1807	0,0968804	0,0145816	1
214	SOD2	0,000123197	0,840291	-1,19006	35,5291	0,303646	0,0156684	1
192	PTEN	0,099198	0,919403	-1,08766	36,5922	1,00525	0,0503651	1
162	p70-S6K1	0,0168898	0,841885	-1,18781	7,05292	0,193159	0,0502098	1
236	ULK1_pS757	0,00924834	0,84747	-1,17998	23,8444	0,644312	0,0495395	1
78	eIF4E_pS209	0,000794488	0,848195	-1,17897	5,70269	0,0556886	0,0179031	1
174	PDHK1	0,899871	0,995315	-1,00471	28,3303	0,29458	0,019063	1
135	MIF	0,00274436	0,851569	-1,1743	12,857	0,162293	0,023142	1
17	AR	0,0135122	0,864991	-1,15608	7,24728	0,173602	0,0439159	1
22	ATM_pS1981	0,19837	0,968875	-1,03213	26,8204	0,106612	0,00728759	1
36	Beclin	0,00353933	0,865642	-1,15521	10,1533	0,129077	0,0233067	1
190	PREX1	0,0240693	0,86699	-1,15342	10,3415	0,233884	0,041463	1
131	MEK1	0,491393	1,04921	1,04921	23,975	1,28431	0,098209	1
212	Smad1	0,0310573	0,86727	-1,15304	4,05	0,0956214	0,0432855	1
225	TFRC	0,610392	0,947661	-1,05523	23,0032	3,23592	0,2579	1
96	GCN5L2	0,446808	0,922699	-1,08378	22,6414	1,42422	0,115323	1
108	Hexokinase-II	0,101829	1,06806	1,06806	22,6331	0,23349	0,0189132	1
218	Stat3	0,209103	1,12739	1,12739	22,5764	2,24621	0,182405	1
240	Wee1_pS642	0,0373854	0,874746	-1,14319	8,22266	0,209994	0,0468206	1

104	HER3	0,653377	0,941659	-1,06196	21,6693	2,19332	0,185566	1
152	P-Cadherin	0,0475988	0,875323	-1,14244	7,73996	0,194149	0,0459873	1
25	Axl	0,00590256	0,877791	-1,13922	41,9318	0,580668	0,0253878	1
119	Jagged1	0,482063	0,943746	-1,05961	20,9169	0,677713	0,0594006	1
93	Gab2	0,106578	0,659258	-1,51686	20,7642	2,40937	0,21273	1
58	Claudin-7	0,807363	0,869129	-1,15058	20,2027	31,189	2,83031	1
90	FoxO3a	0,00805024	0,878312	-1,13855	7,09168	0,0949975	0,0245586	1
115	INPP4b	0,0038102	0,882522	-1,13312	7,69294	0,0688118	0,0163988	1
243	XBP-1	0,000932885	0,885771	-1,12896	13,4597	0,085545	0,011652	1
117	IRF-1	0,0214383	0,886596	-1,12791	1,94612	0,0303863	0,0286253	1
163	p70-S6K_pT38	0,560881	0,932876	-1,07195	19,7553	2,1438	0,198949	1
3	14-3-3-beta	0,00101994	0,887888	-1,12627	7,01879	0,0383397	0,0100145	1
27	b-Catenin	0,586225	0,95443	-1,04775	19,371	1,03206	0,0976768	1
125	LDHA	0,757713	0,975203	-1,02543	19,2759	1,35548	0,12892	1
98	Glutaminase	0,0350438	0,890247	-1,12328	80,6271	1,4637	0,0332823	1
171	PD-L1	0,0229596	0,900676	-1,11028	10,7281	0,133421	0,0228005	1
45	C-Raf	0,0168169	0,90159	-1,10915	12,349	0,127875	0,0189843	1
136	MMP2	0,00377979	0,91457	-1,09341	5,4171	0,0235161	0,00795865	1
139	MSI2	0,0677338	0,942797	-1,06067	18,0605	0,144807	0,0146995	1
84	Ets-1	0,00674098	0,920921	-1,08587	4,43743	0,020748	0,00857209	1
183	PKC-delta_pS6	0,0112644	0,92882	-1,07664	7,28739	0,0321434	0,00808651	1
6	4E-BP1_pS65	0,869373	0,981083	-1,01928	17,6814	1,46513	0,151915	1
179	PI3K-p110-a	0,130633	0,971456	-1,02938	17,5983	0,0447948	0,00466657	1
46	C-Raf_pS338	0,821624	0,977571	-1,02294	17,2098	0,742969	0,0791471	1
69	DM-Histone-H:	0,183532	0,947886	-1,05498	16,9499	0,224844	0,0243195	1
200	Rictor	0,0472823	0,932208	-1,07272	27,7896	0,161173	0,0106329	1
156	p27-Kip-1	0,0369904	0,942593	-1,0609	12,5046	0,0442074	0,00648135	1
151	04-oct	0,0424524	0,943223	-1,06019	8,60402	0,0456702	0,00973133	1
39	BRD4	0,135088	0,931202	-1,07388	15,2571	0,215063	0,0258425	1
76	EGFR_pY1173	0,00543045	1,10886	1,10886	9,80828	0,056272	0,0105182	1
97	Glutamate-D1-	0,391946	0,960342	-1,0413	15,1267	0,181095	0,0219485	1
219	Stat3_pY705	0,0115838	1,11121	1,11121	62,5686	0,749615	0,0219646	1
223	TAZ	0,079226	0,913127	-1,09514	14,9438	0,237227	0,0291034	1
82	ER-a_pS118	0,735367	1,01801	1,01801	14,7376	0,266244	0,0331203	1
91	FoxO3a-(p_S31	0,00145173	1,11121	1,11121	5,07456	0,0205944	0,00744033	1
80	Elk1_pS383	0,0144634	1,12557	1,12557	8,30934	0,0843929	0,01862	1
203	RPA32_pS4_S8	0,0729682	0,84915	-1,17765	14,4553	0,444965	0,0564341	1
220	Stat5a	0,000487859	1,12806	1,12806	212,947	2,68086	0,0230804	1
231	Tuberin_pT146	0,188121	0,945842	-1,05726	14,1568	0,169301	0,0219248	1
196	Rad51	0,0803365	0,905739	-1,10407	13,7869	0,317955	0,0422807	1
167	PAK4	0,263038	0,911669	-1,09689	13,7548	0,466078	0,0621221	1
11	Akt	0,130426	1,09454	1,09454	13,6563	0,261477	0,0351029	1
101	Gys	0,000984417	1,13713	1,13713	324,947	2,62375	0,014803	1
209	SHP-2_pY542	0,237513	0,924868	-1,08124	13,4274	0,381753	0,0521231	1
60	Collagen-VI	0,660698	1,03493	1,03493	13,1673	0,713145	0,0992937	1
105	HER3_pY1289	0,00653797	1,14309	1,14309	12,0771	0,118349	0,0179656	1
207	SDHA	0,203236	1,06751	1,06751	12,7619	0,273363	0,0392706	1
141	mTOR_pS2448	0,121926	1,08418	1,08418	12,5741	0,210657	0,0307143	1
57	Chk2_pT68	0,0324054	1,15147	1,15147	5,93181	0,140716	0,0434908	1
140	mTOR	0,000668745	1,15309	1,15309	21,6487	0,141672	0,0119976	1
144	Myt1	0,00065574	1,15611	1,15611	27,5113	0,17194	0,0114579	1
245	XRCC1	0,0419477	1,15631	1,15631	9,47025	0,333549	0,0645713	1
159	p38_pT180_Y1	0,00783357	1,16469	1,16469	24,6677	0,308891	0,0229572	1
128	Mcl-1	0,193048	1,12527	1,12527	11,3896	1,13117	0,18208	1
68	DJ1	0,717612	1,02007	1,02007	11,0921	0,209944	0,0347	1
235	UBAC1	0,0101172	1,17852	1,17852	4,508	0,0808853	0,0328948	1
19	Atg3	0,0578352	0,87075	-1,14843	11,0157	0,46522	0,0774264	1
185	PKM2	0,119922	1,14191	1,14191	10,8879	0,454477	0,0765257	1
248	YB1_pS102	0,00972866	1,18759	1,18759	4,53269	0,0910193	0,0368145	1
37	Bid	0,0663586	1,15478	1,15478	10,6969	0,434923	0,074541	1
94	GATA6	0,00764717	1,18935	1,18935	6,86886	0,135719	0,036224	1
237	VASP	0,587338	0,901056	-1,10981	10,586	0,902805	0,156352	1
138	MSH6	0,571692	0,958856	-1,04291	10,5037	0,348983	0,0609123	1
47	Caspase-3	0,0232792	1,18955	1,18955	10,1404	0,28436	0,0514109	1
51	CD20	0,0869841	1,08345	1,08345	10,3099	0,151296	0,0269041	1

197 Raptor	0,177609	0,952498	-1,04987	10,2826	0,0973311	0,0173536	1
77 eIF4E	2,96E-05	1,19032	1,19032	105,413	0,35314	0,0061418	1
175 PDK1	0,00701433	1,20126	1,20126	9,15835	0,134561	0,0269365	1
48 Caspase-7-clea	0,0100828	1,21651	1,21651	7,46312	0,198301	0,048713	1
85 FAK	0,0181695	1,22891	1,22891	5,73598	0,170349	0,054447	1
176 PDK1_pS241	0,000784845	1,24973	1,24973	35,1936	0,390214	0,0203273	1
164 p90RSK_pT573	0,0346426	1,25541	1,25541	11,5145	0,621942	0,0990253	1
4 14-3-3-zeta	6,25E-05	1,2667	1,2667	33,826	0,267897	0,0145197	1
43 c-Kit	0,813488	1,01448	1,01448	9,67881	0,248033	0,0469817	1
169 PARP	0,909064	1,01513	1,01513	9,62553	1,05198	0,200366	1
59 COG3	0,000234566	1,27332	1,27332	38,9353	0,588651	0,0277176	1
239 Wee1	0,629776	1,0404	1,0404	9,40644	0,667283	0,130055	1
249 ZAP-70	0,411638	0,963717	-1,03765	9,2011	0,145113	0,0289141	1
155 p21	0,00238152	1,27851	1,27851	7,13402	0,169398	0,0435327	1
206 S6_pS240_S24	0,478707	1,1015	1,1015	8,71822	1,99056	0,41859	1
172 Pcd4	0,000320693	1,28267	1,28267	71,9431	1,77986	0,0453565	1
205 S6_pS235_S23	0,830312	1,04947	1,04947	8,58233	5,39909	1,15334	1
137 Mnk1	0,903037	0,992242	-1,00782	8,53919	0,256266	0,0550193	1
15 AMPKa	0,00648871	1,29203	1,29203	5,72029	0,200858	0,0643744	1
186 PLC-gamma2_1	0,000141087	1,2926	1,2926	6,24204	0,0866953	0,025463	1
224 TFAM	0,879908	0,985123	-1,0151	8,10877	0,744333	0,168288	1
100 GSK-3a-b_pS21	6,08E-05	1,2931	1,2931	49,6985	0,584682	0,0215684	1
53 cdc25C	0,71148	0,967785	-1,03329	7,90478	0,588719	0,13654	1
32 Bad_pS112	0,0042153	1,3059	1,3059	3,55901	0,115742	0,0596216	1
74 eEF2K	0,391829	0,880374	-1,13588	7,71876	1,10977	0,263588	1
5 4E-BP1	0,00193054	1,32775	1,32775	83,065	1,3759	0,0303675	1
170 Paxillin	1,94E-05	1,33734	1,33734	19,796	0,194305	0,0179948	1
199 Rb_pS807_S81	0,0340238	1,34233	1,34233	14,168	2,7481	0,355602	1
26 b-Actin	0,0609298	0,792451	-1,26191	7,4584	0,493307	0,121259	1
127 MAPK_pT202_0	0,000246362	1,35323	1,35323	18,2811	0,389619	0,0390732	1
87 FASN	0,0118659	1,36655	1,36655	14,6017	0,886435	0,111297	1
230 Tuberin	0,000572089	1,37529	1,37529	8,06143	0,324571	0,0738141	1
112 IGF1R_pY1135	2,61E-06	1,40848	1,40848	21,4428	0,272795	0,0233237	1
52 CD4	0,196579	0,918402	-1,08885	7,06838	0,237332	0,0615571	1
9 ACC1	0,00846659	1,40896	1,40896	15,9361	1,4716	0,169296	1
83 ERCC5	0,00381892	1,42802	1,42802	5,40905	0,348821	0,118229	1
79 eIF4G	0,993821	1,00041	1,00041	6,89226	0,109649	0,0291666	1
247 YAP_pS127	0,00138756	1,46437	1,46437	37,918	2,09533	0,101309	1
208 Shc_pY317	0,000596084	1,48646	1,48646	6,59602	0,258832	0,0719412	1
50 CD134	0,220672	0,95183	-1,05061	6,86224	0,0886066	0,0236724	1
86 FAK_pY397	0,170627	0,687624	-1,45428	6,81998	3,40543	0,915442	1
38 Bim	0,172047	1,77812	1,77812	6,77479	5,19634	1,40619	1
132 MEK1_pS217_!	0,495467	1,02584	1,02584	6,74308	0,0568754	0,0154635	1
103 HER2_pY1248	0,0194902	1,48794	1,48794	2,57293	0,36422	0,259524	1
41 c-IAP2	0,496687	1,02682	1,02682	6,4537	0,0613278	0,0174217	1
213 Smad3	0,333724	0,929006	-1,07642	6,38273	0,233252	0,0669977	1
49 Caveolin-1	0,027565	1,54377	1,54377	10,0118	1,9585	0,358633	1
177 PEA-15	0,194855	0,881987	-1,1338	6,15327	0,346978	0,10338	1
210 SLC1A5	0,00592718	1,57596	1,57596	5,08099	0,946591	0,341551	1
109 Histone-H3	0,276939	1,15727	1,15727	5,92002	0,561613	0,173922	1
120 Jak2	0,118718	0,927432	-1,07825	5,87721	0,0853043	0,0266098	1
16 AMPKa_pT172	0,000884095	1,58896	1,58896	20,1532	5,16458	0,469821	1
63 Cox2	0,0603857	0,210873	-4,7422	5,80238	23,967	7,57267	1
40 c-Abl	0,34578	1,02808	1,02808	5,76258	0,0348276	0,0110802	1
10 ACC_pS79	0,0296819	1,61365	1,61365	6,88379	2,70112	0,719379	1
182 PKC-b-II_pS66C	0,00114756	1,61645	1,61645	7,55104	0,363053	0,0881463	1
126 LRP6_pS1490	2,60E-08	1,62767	1,62767	66,1155	0,789773	0,0218998	1
244 XPF	0,716109	0,989032	-1,01109	5,6978	0,036381	0,011706	1
121 JNK2	0,306082	0,956571	-1,0454	5,46307	0,0676374	0,0226982	1
55 CDK1	3,87E-06	1,69297	1,69297	184,164	4,38771	0,0436792	1
217 Src_pY527	0,018099	1,72741	1,72741	11,0253	1,13465	0,188674	1
116 IR-b	8,31E-05	1,8479	1,8479	14,4859	0,963358	0,121922	1
181 PKA-a	3,08E-08	1,92621	1,92621	75,668	2,16153	0,0523711	1
216 Src-(phospho-Y	0,00341385	2,00752	2,00752	5,81883	0,827672	0,260774	1
70 DM-K9-Histone	0,896171	0,993927	-1,00611	5,04787	0,0706856	0,0256723	1

54 Cdc2_pY15	0,29313	0,916766	-1,09079	5,02374	0,279873	0,102135	1
194 Rab25	0,717302	0,980291	-1,02011	4,99539	0,0956965	0,0351211	1
147 NDRG1_pT346	0,0433171	2,15912	2,15912	15,1644	5,64423	0,682373	1
150 Notch3	0,645938	0,979653	-1,02077	4,82015	0,0564768	0,0214808	1
67 D-a-Tubulin	0,0706427	0,917123	-1,09037	4,74738	0,0633336	0,024458	1
201 Rictor_pT1135	0,169374	1,15187	1,15187	4,62353	0,3117	0,123596	1
242 WIPI2	0,32701	1,18458	1,18458	4,54417	0,991671	0,400087	1
12 Akt_pS473	2,65E-05	2,2451	2,2451	18,3478	1,69049	0,168916	1
13 Akt_pT308	8,16E-06	2,29725	2,29725	19,8553	1,27872	0,11807	1
204 RSK	7,79E-12	2,91947	2,91947	326,695	2,16415	0,0121447	1
165 PAICS	0,480766	1,14139	1,14139	4,40808	1,03963	0,432387	1
124 Lck	0,494363	1,06378	1,06378	4,23264	0,228688	0,0990542	1
35 Bcl-xL	0,982799	0,997346	-1,00266	4,17741	0,376623	0,165288	1
233 Tyro3	0,17434	1,04616	1,04616	4,15696	0,0302252	0,0133301	1
129 MCT4	1,68E-06	2,96479	2,96479	84,0128	9,79881	0,21383	1
114 IGFRb	3,07E-11	2,96917	2,96917	224,45	5,12321	0,041847	1
7 53BP1	0,919947	0,921818	-1,08481	3,72702	8,23053	4,04863	1
64 Creb	0,0806068	0,944237	-1,05906	3,71864	0,0251136	0,0123813	1
130 MDM2_pS166	0,989642	1,00089	1,00089	3,7033	0,0906338	0,0448687	1
24 Aurora-B	0,15978	1,08809	1,08809	3,69143	0,0699945	0,0347624	1
88 Fibronectin	2,12E-05	3,05017	3,05017	20,1859	16,8349	1,52898	1
18 ARID1A	0,648131	0,745381	-1,3416	3,43223	6,68877	3,57282	1
95 GCLM	0,100177	0,943737	-1,05962	3,36925	0,0253068	0,0137703	1
232 TUFM	0,788764	1,02361	1,02361	3,36369	0,152081	0,0828898	1
241 WIPI1	0,188192	1,23647	1,23647	3,21009	0,652047	0,372394	1
158 p38-MAPK	0,912259	0,989848	-1,01026	3,14191	0,178812	0,104338	1
75 EGFR	0,262043	0,881459	-1,13448	3,12587	0,163053	0,0956314	1
202 RIP	0,296755	1,14227	1,14227	3,09244	0,437652	0,25946	1
193 Rab11	0,0727852	0,859896	-1,16293	3,07432	0,107638	0,0641887	1
34 Bax	0,495722	1,22592	1,22592	3,06105	1,45184	0,869541	1
146 NAPSIN-A	0,597461	1,03956	1,03956	2,99184	0,0810062	0,0496389	1
221 Stathmin-1	0,216511	1,08305	1,08305	2,83115	0,0664936	0,0430585	1
23 ATR_pS428	0,221339	1,09631	1,09631	2,5898	0,0881786	0,0624221	1
149 Notch1	1,95E-11	3,27429	3,27429	261,231	8,7418	0,0613504	1
113 IGFBP2	0,540373	0,938759	-1,06524	2,56926	0,224706	0,160342	1
107 HES1	9,00E-07	4,09618	4,09618	43,8796	7,33319	0,306388	1
161 p53	0,336443	1,09161	1,09161	2,40202	0,106289	0,0811244	1
56 Chk1_pS296	0,40415	0,958307	-1,04351	2,38404	0,0404177	0,0310814	1
66 Cyclin-D1	0,531901	0,960701	-1,04091	2,24121	0,0517592	0,0423395	1
92 G6PD	0,845788	0,979908	-1,0205	2,1683	0,167204	0,141374	1
157 p27_pT198	0,82104	0,983616	-1,01666	2,1435	0,0802349	0,0686247	1
14 AMPK-a2_pS34	0,391724	0,92343	-1,08292	2,12234	0,0877857	0,0758317	1
89 FoxM1	0,795726	0,981274	-1,01908	2,09024	0,0810734	0,0711088	1
226 TIGAR	0,950174	0,994241	-1,00579	2,02815	0,108713	0,0982706	1
122 JNK_pT183_Y1	0,85555	0,98605	-1,01415	2,02018	0,0760564	0,0690219	1
153 P-Met_pY1234	7,25E-05	21,532	21,532	10,2702	6,56734	1,17234	1
33 Bak	0,144181	1,12682	1,12682	1,87467	0,0702506	0,0687017	1
234 U-Histone-H2B	0,771409	1,0579	1,0579	1,55594	0,410705	0,483925	1
28 b-Catenin_pT4	0,881122	1,01254	1,01254	1,32746	0,0577034	0,0796934	1
211 Slfn11	0,372425	0,937999	-1,0661	1,24644	0,0394885	0,0580819	1
133 MERIT40_pS29	0,816288	1,02383	1,02383	1,0799	0,0862763	0,14647	1
198 RBM15	0,828227	0,838571	-1,1925	0,951534	5,1036	9,83319	1
189 PRAS40_pT246	0,15625	1,37695	1,37695	0,904605	0,239531	0,48545	1
246 YAP	0,844661	1,00992	1,00992	0,788196	0,0136047	0,0316444	1
178 PEA-15_pS116	0,478533	0,869988	-1,14944	0,56699	0,114289	0,369549	1
222 STING	0,504687	1,76455	1,76455	0,35209	2,14706	11,1798	1

ANOVA - Subtype B (MGT13) vs. subtype A (MGT4, 9, 11)

#	Protein	p-value	Ratio (Subtype B vs. A)	Fold change (Subtype B vs. A)	F(cell lines)	SS(cell lines)	SS(Error)	F(Error)
72	E-Cadherin	9,26E-08	0,0524788	-19,0553	50,6271	154,73	5,60315	1
63	Cox2	0,00455839	0,177443	-5,6356	5,80238	23,967	7,57267	1
58	Claudin-7	1,29E-05	0,23386	-4,27607	20,2027	31,189	2,83031	1
168	PAR	0,0322396	0,279868	-3,57312	3,96584	20,7026	9,57041	1
154	p16INK4a	4,85E-08	0,285726	-3,49986	61,1803	4,11802	0,123401	1
7	53BP1	0,00715569	0,335124	-2,98397	3,72702	8,23053	4,04863	1
18	ARID1A	0,0102002	0,377984	-2,64561	3,43223	6,68877	3,57282	1
93	Gab2	1,49E-05	0,388619	-2,57321	20,7642	2,40937	0,21273	1
195	Rad50	6,55E-07	0,450477	-2,21987	40,8683	3,70815	0,166346	1
237	VASP	7,86E-05	0,533786	-1,87341	10,586	0,902805	0,156352	1
29	B-Raf	0,932125	0,998138	-1,00187	111,25	0,617595	0,0101776	1
104	HER3	1,22E-05	0,576685	-1,73405	21,6693	2,19332	0,185566	1
44	c-Myc	4,85E-06	0,583984	-1,71238	18,0174	1,00698	0,102464	1
20	Atg7	0,958228	1,0018	1,0018	90,159	1,23961	0,0252068	1
61	Connexin-43	0,00034275	0,584679	-1,71034	15,6721	3,01638	0,352858	1
118	IRS1	0,000128719	0,587368	-1,70251	21,6986	2,81443	0,237794	1
65	Cyclin-B1	0,120747	1,09697	1,09697	82,2768	3,5958	0,0801235	1
62	Cox-IV	0,140669	1,09986	1,09986	81,2113	3,84541	0,0868097	1
134	Merlin	0,000554037	0,610809	-1,63717	5,0951	0,56156	0,202062	1
42	c-Jun_pS73	4,30E-09	0,619042	-1,6154	116,358	1,45267	0,0228882	1
187	PLK1	0,102764	1,12577	1,12577	74,7899	4,09094	0,100282	1
26	b-Actin	0,000163746	0,661434	-1,51187	7,4584	0,493307	0,121259	1
86	FAK_pY397	0,045405	0,662017	-1,51054	6,81998	3,40543	0,915442	1
96	GCN5L2	4,01E-05	0,662375	-1,50972	22,6414	1,42422	0,115323	1
145	N-Cadherin	0,797114	1,00429	1,00429	64,9493	0,208575	0,00588748	1
6	4E-BP1_pS65	0,000126524	0,674848	-1,48182	17,6814	1,46513	0,151915	1
111	HSP70	3,24E-07	0,676037	-1,47921	26,2536	0,374713	0,0261668	1
188	PMS2	0,489107	0,972554	-1,02822	60,6591	1,46813	0,0443722	1
123	LC3A-B	0,666452	0,977938	-1,02256	58,4615	1,87329	0,0587456	1
142	Myosin-Heavy-Chain-11	0,941442	1,00452	1,00452	58,0716	2,47971	0,078285	1
147	NDRG1_pT346	0,0176701	0,676271	-1,4787	15,1644	5,64423	0,682373	1
143	Myosin-IIa_pS1943	0,677581	1,0343	1,0343	56,6744	4,16063	0,13459	1
5	4E-BP1	5,14E-07	0,683945	-1,46211	83,065	1,3759	0,0303675	1
46	C-Raf_pS338	5,62E-05	0,685341	-1,45913	17,2098	0,742969	0,0791471	1
217	Src_pY527	0,00310425	0,705281	-1,41787	11,0253	1,13465	0,188674	1
166	PAK1	0,355714	0,955222	-1,04688	49,2351	1,5473	0,0576156	1
203	RPA32_pS4_S8	5,41E-05	0,706291	-1,41585	14,4553	0,444965	0,0564341	1
227	TRIM25	0,351887	1,09383	1,09383	45,9436	4,35433	0,173755	1
119	Jagged1	4,98E-05	0,72266	-1,38378	20,9169	0,677713	0,0594006	1
148	NF-kB-p65_pS536	0,000171846	0,733165	-1,36395	9,70749	0,315754	0,0596325	1
169	PARP	0,00262143	0,735164	-1,36024	9,62553	1,05198	0,200366	1
75	EGFR	0,00274615	0,758143	-1,31901	3,12587	0,163053	0,0956314	1
35	Bcl-xL	0,00584901	0,769068	-1,30028	4,17741	0,376623	0,165288	1
27	b-Catenin	0,000695335	0,775379	-1,28969	19,371	1,03206	0,0976768	1
215	Sox2	0,00361076	0,791867	-1,26284	19,6576	1,20302	0,112197	1
238	VEGFR-2	5,44E-05	0,795888	-1,25646	57,4204	0,813718	0,0259806	1
138	MSH6	0,000808125	0,802907	-1,24547	10,5037	0,348983	0,0609123	1
213	Smad3	0,00106329	0,804585	-1,24288	6,38273	0,233252	0,0669977	1
167	PAK4	0,00195353	0,804994	-1,24224	13,7548	0,466078	0,0621221	1
177	PEA-15	0,0071599	0,810941	-1,23314	6,15327	0,346978	0,10338	1
144	Myt1	0,715015	1,00793	1,00793	27,5113	0,17194	0,0114579	1
176	PDK1_pS241	1,54E-05	0,811401	-1,23244	35,1936	0,390214	0,0203273	1
71	DUSP4	0,000312223	0,819547	-1,22019	17,8602	0,340866	0,0349897	1
223	TAZ	8,36E-05	0,821571	-1,21718	14,9438	0,237227	0,0291034	1
73	eEF2	0,0269716	0,822052	-1,21647	4,95311	0,381503	0,141209	1
159	p38_pT180_Y182	5,65E-05	0,832394	-1,20135	24,6677	0,308891	0,0229572	1
225	TFRC	0,135824	1,14127	1,14127	23,0032	3,23592	0,2579	1
232	TUFM	0,0075522	0,833148	-1,20027	3,36369	0,152081	0,0828898	1
82	ER-a_pS118	0,000232118	0,833625	-1,19958	14,7376	0,266244	0,0331203	1
43	c-Kit	0,00079813	0,835262	-1,19723	9,67881	0,248033	0,0469817	1
190	PREX1	0,000925702	0,83882	-1,19215	10,3415	0,233884	0,041463	1
200	Rictor	6,88E-06	0,840881	-1,18923	27,7896	0,161173	0,0106329	1
79	eIF4G	0,000568829	0,846252	-1,18168	6,89226	0,109649	0,0291666	1
240	Wee1_pS642	0,00175013	0,846517	-1,18131	8,22266	0,209994	0,0468206	1
68	DJ1	0,000678414	0,846762	-1,18097	11,0921	0,209944	0,0347	1
14	AMPK-a2_pS345	0,0236485	0,848719	-1,17825	2,12234	0,0877857	0,0758317	1
162	p70-S6K1	0,00445748	0,852006	-1,1737	7,05292	0,193159	0,0502098	1
193	Rab11	0,0272591	0,867593	-1,15261	3,07432	0,107638	0,0641887	1
77	eIF4E	2,50E-06	0,868193	-1,15182	105,413	0,35314	0,0061418	1

150	Notch3	0,000778652	0,87155	-1,14738	4,82015	0,0564768	0,0214808	1
170	Paxillin	0,883219	1,0039	1,0039	19,796	0,194305	0,0179948	1
163	p70-S6K_pT389	0,0750696	1,20811	1,20811	19,7553	2,1438	0,198949	1
47	Caspase-3	0,00844546	0,876076	-1,14145	10,1404	0,28436	0,0514109	1
97	Glutamate-D1-2	0,00156385	0,876338	-1,14111	15,1267	0,181095	0,0219485	1
66	Cyclin-D1	0,0110868	0,876358	-1,14109	2,24121	0,0517592	0,0423395	1
21	ATM	0,416287	1,04712	1,04712	18,4361	0,970152	0,0964744	1
175	PKD1	0,00390704	0,881331	-1,13465	9,15835	0,134561	0,0269365	1
228	TSC1	0,000285401	0,881672	-1,13421	227,87	1,22223	0,00983348	1
184	PKCa	0,93687	0,993551	-1,00649	18,1378	1,02674	0,103781	1
156	p27-Kip-1	2,47E-05	0,884919	-1,13005	12,5046	0,0442074	0,00648135	1
152	P-Cadherin	0,0207777	0,888225	-1,12584	7,73996	0,194149	0,0459873	1
55	CDK1	0,00810602	0,89763	-1,11404	184,164	4,38771	0,0436792	1
196	Rad51	0,0171023	0,90032	-1,11072	13,7869	0,317955	0,0422807	1
212	Smad1	0,0456033	0,907502	-1,10193	4,05	0,0956214	0,0432855	1
132	MEK1_pS217_S221	0,00533167	0,917191	-1,09029	6,74308	0,0568754	0,0154635	1
78	eIF4E_pS209	0,0168423	0,925611	-1,08037	5,70269	0,0556886	0,0179031	1
9	ACC1	0,700552	0,974509	-1,02616	15,9361	1,4716	0,169296	1
106	Heregulin	0,405603	0,92521	-1,08084	15,8753	1,22152	0,141065	1
136	MMP2	0,00235366	0,93169	-1,07332	5,4171	0,0235161	0,00795865	1
39	BRD4	0,41524	1,02915	1,02915	15,2571	0,215063	0,0258425	1
4	14-3-3-zeta	0,0239199	0,9395	-1,0644	33,826	0,267897	0,0145197	1
84	Ets-1	0,0221805	0,95226	-1,05013	4,43743	0,020748	0,00857209	1
229	TTF1	0,268852	0,973228	-1,02751	15,007	0,108667	0,0132754	1
91	FoxO3a-(p_S318-S321)	0,0462245	1,04054	1,04054	5,07456	0,0205944	0,00744033	1
22	ATM_pS1981	0,0380081	1,0421	1,0421	26,8204	0,106612	0,00728759	1
87	FASN	0,559426	0,962304	-1,03917	14,6017	0,886435	0,111297	1
116	IR-b	0,0758736	1,12175	1,12175	14,4859	0,963358	0,121922	1
243	XBP-1	0,0368888	1,05254	1,05254	13,4597	0,085545	0,011652	1
179	PI3K-p110-a	0,00019083	1,07763	1,07763	17,5983	0,0447948	0,00466657	1
231	Tuberin_pT1462	0,647424	1,01421	1,01421	14,1568	0,169301	0,0219248	1
186	PLC-gamma2_pY759	0,0243459	1,08204	1,08204	6,24204	0,0866953	0,025463	1
244	XPF	0,00427448	1,08439	1,08439	5,6978	0,036381	0,011706	1
11	Akt	0,735998	1,01353	1,01353	13,6563	0,261477	0,0351029	1
31	B7-H4	0,000425646	1,09645	1,09645	55,7304	0,254248	0,00836387	1
209	SHP-2_pY542	0,307113	1,05359	1,05359	13,4274	0,381753	0,0521231	1
50	CD134	0,0102322	1,09653	1,09653	6,86224	0,0886066	0,0236724	1
135	MIF	0,703097	0,987199	-1,01297	12,857	0,162293	0,023142	1
69	DM-Histone-H3	0,00886289	1,09863	1,09863	16,9499	0,224844	0,0243195	1
214	SOD2	0,00295949	1,10036	1,10036	35,5291	0,303646	0,0156684	1
108	Hexokinase-II	0,00411948	1,1038	1,1038	22,6331	0,23349	0,0189132	1
45	C-Raf	0,975277	1,0009	1,0009	12,349	0,127875	0,0189843	1
81	ER	0,151447	0,963075	-1,03834	12,1807	0,0968804	0,0145816	1
105	HER3_pY1289	0,753547	0,991278	-1,0088	12,0771	0,118349	0,0179656	1
164	p90RSK_pT573	0,536997	0,962192	-1,03929	11,5145	0,621942	0,0990253	1
40	c-Abl	0,00049692	1,10932	1,10932	5,76258	0,0348276	0,0110802	1
17	AR	0,0266135	1,1102	1,1102	7,24728	0,173602	0,0439159	1
140	mTOR	0,000486706	1,11241	1,11241	21,6487	0,141672	0,0119976	1
100	GSK-3a-b_pS21_S9	0,00147089	1,12488	1,12488	49,6985	0,584682	0,0215684	1
185	PKM2	0,161928	1,0878	1,0878	10,8879	0,454477	0,0765257	1
171	PD-L1	0,155913	1,04872	1,04872	10,7281	0,133421	0,0228005	1
37	Bid	0,546167	0,970957	-1,02991	10,6969	0,434923	0,074541	1
30	B-Raf_pS445	0,442357	1,03252	1,03252	10,5878	0,221288	0,0383174	1
236	ULK1_pS757	0,0179527	1,13116	1,13116	23,8444	0,644312	0,0495395	1
141	mTOR_pS2448	0,00444242	1,13712	1,13712	12,5741	0,210657	0,0307143	1
98	Glutaminase	0,00708487	1,14106	1,14106	80,6271	1,4637	0,0332823	1
245	XRCC1	0,014799	1,14133	1,14133	9,47025	0,333549	0,0645713	1
197	Raptor	0,35991	1,02476	1,02476	10,2826	0,0973311	0,0173536	1
51	CD20	0,00147571	1,14397	1,14397	10,3099	0,151296	0,0269041	1
110	HSP27_pS82	0,471567	0,932331	-1,07258	10,1753	1,07461	0,193617	1
36	Beclin	0,601858	1,01676	1,01676	10,1533	0,129077	0,0233067	1
180	PI3K-p85	0,000227896	1,16881	1,16881	65,5844	0,787884	0,0220243	1
49	Caveolin-1	0,204318	1,15842	1,15842	10,0118	1,9585	0,358633	1
76	EGFR_pY1173	0,308719	0,978301	-1,02218	9,80828	0,056272	0,0105182	1
208	Shc_pY317	0,0115756	1,17928	1,17928	6,59602	0,258832	0,0719412	1
127	MAPK_pT202_Y204	0,00135986	1,17994	1,17994	18,2811	0,389619	0,0390732	1
131	MEK1	0,00869448	1,18093	1,18093	23,975	1,28431	0,098209	1
160	p44-42-MAPK	8,92E-05	1,18158	1,18158	48,2315	0,455429	0,0173114	1
139	MSI2	2,18E-05	1,18178	1,18178	18,0605	0,144807	0,0146995	1
249	ZAP-70	0,30524	1,03589	1,03589	9,2011	0,145113	0,0289141	1
174	PDHK1	0,000121269	1,18278	1,18278	28,3303	0,29458	0,019063	1
239	Wee1	0,0188	1,18684	1,18684	9,40644	0,667283	0,130055	1
151	04-oct	0,194053	1,02722	1,02722	8,60402	0,0456702	0,00973133	1

191 Progesterone-Receptor	1,02E-08	1,20182	1,20182	94,235	0,221118	0,00430183	1
137 Mnk1	0,254237	0,947779	-1,0551	8,53919	0,256266	0,0550193	1
80 Elk1_pS383	0,243206	0,966507	-1,03465	8,30934	0,0843929	0,01862	1
83 ERCC5	0,010715	1,22537	1,22537	5,40905	0,348821	0,118229	1
224 TFAM	0,374221	1,07073	1,07073	8,10877	0,744333	0,168288	1
25 Axl	6,31E-05	1,22942	1,22942	41,9318	0,580668	0,0253878	1
53 cdc25C	0,399524	1,05947	1,05947	7,90478	0,588719	0,13654	1
102 Gys_pS641	3,62E-06	1,24086	1,24086	189,262	1,40427	0,0136028	1
74 eEF2K	0,0539679	0,806347	-1,24016	7,71876	1,10977	0,263588	1
115 INPP4b	0,800602	1,00694	1,00694	7,69294	0,0688118	0,0163988	1
182 PKC-b-II_pS660	0,988281	0,99904	-1,00096	7,55104	0,363053	0,0881463	1
48 Caspase-7-cleaved	0,064765	1,09409	1,09409	7,46312	0,198301	0,048713	1
230 Tuberin	0,000658781	1,24322	1,24322	8,06143	0,324571	0,0738141	1
183 PKC-delta_pS664	0,0775669	1,03718	1,03718	7,28739	0,0321434	0,00808651	1
155 p21	0,000457045	1,24925	1,24925	7,13402	0,169398	0,0435327	1
60 Collagen-VI	0,00309077	1,25961	1,25961	13,1673	0,713145	0,0992937	1
90 FoxO3a	0,326212	1,03329	1,03329	7,09168	0,0949975	0,0245586	1
52 CD4	0,258857	1,05954	1,05954	7,06838	0,237332	0,0615571	1
94 GATA6	0,000113335	1,26315	1,26315	6,86886	0,135719	0,036224	1
3 14-3-3-beta	0,994291	0,999848	-1,00015	7,01879	0,0383397	0,0100145	1
13 Akt_pT308	0,00215215	1,26606	1,26606	19,8553	1,27872	0,11807	1
10 ACC_pS79	0,0783184	1,27535	1,27535	6,88379	2,70112	0,719379	1
112 IGF1R_pY1135_Y1136	2,51E-06	1,2702	1,2702	21,4428	0,272795	0,0233237	1
202 RIP	0,0243554	1,2764	1,2764	3,09244	0,437652	0,25946	1
19 Atg3	0,00106264	1,29079	1,29079	11,0157	0,46522	0,0774264	1
38 Bim	0,108906	0,723765	-1,38166	6,77479	5,19634	1,40619	1
199 Rb_pS807_S811	0,0130711	1,29452	1,29452	14,168	2,7481	0,355602	1
125 LDHA	0,00151046	1,32629	1,32629	19,2759	1,35548	0,12892	1
41 c-IAP2	0,747176	1,00905	1,00905	6,4537	0,0613278	0,0174217	1
210 SLC1A5	0,00888782	1,33153	1,33153	5,08099	0,946591	0,341551	1
207 SDHA	8,99E-06	1,3588	1,3588	12,7619	0,273363	0,0392706	1
247 YAP_pS127	0,00044078	1,36972	1,36972	37,918	2,09533	0,101309	1
57 Chk2_pT68	0,374469	1,03771	1,03771	5,93181	0,140716	0,0434908	1
109 Histone-H3	0,124636	0,873953	-1,14423	5,92002	0,561613	0,173922	1
120 Jak2	0,676892	0,985752	-1,01445	5,87721	0,0853043	0,0266098	1
216 Src-(phospho-Y416)	0,813303	1,02445	1,02445	5,81883	0,827672	0,260774	1
59 COG3	1,30E-06	1,38309	1,38309	38,9353	0,588651	0,0277176	1
107 HES1	0,000318396	1,40833	1,40833	43,8796	7,33319	0,306388	1
85 FAK	0,123423	0,924317	-1,08188	5,73598	0,170349	0,054447	1
15 AMPKa	0,102413	1,09626	1,09626	5,72029	0,200858	0,0643744	1
219 Stat3_pY705	1,10E-07	1,41198	1,41198	62,5686	0,749615	0,0219646	1
12 Akt_pS473	0,000280348	1,44492	1,44492	18,3478	1,69049	0,168916	1
121 JNK2	0,484001	0,978116	-1,02237	5,46307	0,0676374	0,0226982	1
99 Granzyme-B	1,48E-05	1,44578	1,44578	41,2121	1,35911	0,0604605	1
204 RSK	4,24E-10	1,49652	1,49652	326,695	2,16415	0,0121447	1
192 PTEN	1,28E-06	1,5068	1,5068	36,5922	1,00525	0,0503651	1
205 S6_pS235_S236	0,0450751	1,54927	1,54927	8,58233	5,39909	1,15334	1
101 Gys	1,39E-09	1,56809	1,56809	324,947	2,62375	0,014803	1
70 DM-K9-Histone-H3	0,114037	0,945754	-1,05736	5,04787	0,0706856	0,0256723	1
54 Cdc2_pY15	0,853437	0,98877	-1,01136	5,02374	0,279873	0,102135	1
194 Rab25	0,338673	1,04116	1,04116	4,99539	0,0956965	0,0351211	1
128 Mcl-1	6,57E-05	1,57347	1,57347	11,3896	1,13117	0,18208	1
153 P-Met_pY1234_Y1235	0,00722186	1,59402	1,59402	10,2702	6,56734	1,17234	1
67 D-a-Tubulin	0,667794	0,985668	-1,01454	4,74738	0,0633336	0,024458	1
201 Rictor_pT1135	0,0911178	1,13793	1,13793	4,62353	0,3117	0,123596	1
242 WIPI2	0,32589	1,12876	1,12876	4,54417	0,991671	0,400087	1
248 YB1_pS102	0,0642147	1,08227	1,08227	4,53269	0,0910193	0,0368145	1
235 UBAC1	0,428827	1,03021	1,03021	4,508	0,0808853	0,0328948	1
206 S6_pS240_S244	0,00161609	1,61514	1,61514	8,71822	1,99056	0,41859	1
165 PAICS	0,0500058	0,785655	-1,27282	4,40808	1,03963	0,432387	1
124 Lck	0,160695	0,914763	-1,09318	4,23264	0,228688	0,0990542	1
172 Pcdcd4	9,07E-08	1,62486	1,62486	71,9431	1,77986	0,0453565	1
233 Tyro3	0,170435	1,03364	1,03364	4,15696	0,0302252	0,0133301	1
126 LRP6_pS1490	8,48E-10	1,63707	1,63707	66,1155	0,789773	0,0218998	1
181 PKA-a	7,46E-10	1,9961	1,9961	75,668	2,16153	0,0523711	1
218 Stat3	5,00E-06	2,03587	2,03587	22,5764	2,24621	0,182405	1
64 Creb	0,376458	0,979757	-1,02066	3,71864	0,0251136	0,0123813	1
130 MDM2_pS166	0,568461	0,972175	-1,02862	3,7033	0,0906338	0,0448687	1
24 Aurora-B	0,295692	0,958726	-1,04305	3,69143	0,0699945	0,0347624	1
32 Bad_pS112	0,0624282	1,10949	1,10949	3,55901	0,115742	0,0596216	1
220 Stat5a	3,63E-12	2,16972	2,16972	212,947	2,68086	0,0230804	1
95 GCLM	0,129298	0,961744	-1,03978	3,36925	0,0253068	0,0137703	1
16 AMPKa_pT172	4,17E-07	2,74143	2,74143	20,1532	5,16458	0,469821	1

241	WIPI1	0,827622	0,978283	-1,0222	3,21009	0,652047	0,372394	1
158	p38-MAPK	0,392472	0,944171	-1,05913	3,14191	0,178812	0,104338	1
149	Notch1	1,28E-12	2,86969	2,86969	261,231	8,7418	0,0613504	1
114	IGFRb	1,21E-12	2,87166	2,87166	224,45	5,12321	0,041847	1
129	MCT4	8,25E-08	2,87503	2,87503	84,0128	9,79881	0,21383	1
34	Bax	0,438382	0,866859	-1,15359	3,06105	1,45184	0,869541	1
146	NAPSIN-A	0,0732502	0,908105	-1,10119	2,99184	0,0810062	0,0496389	1
221	Stathmin-1	0,457431	1,03401	1,03401	2,83115	0,0664936	0,0430585	1
23	ATR_pS428	0,566134	0,971562	-1,02927	2,5898	0,0881786	0,0624221	1
103	HER2_pY1248	0,723671	1,03284	1,03284	2,57293	0,36422	0,259524	1
113	IGFBP2	0,269581	1,09608	1,09608	2,56926	0,224706	0,160342	1
8	A-Raf	0,357691	0,942513	-1,06099	2,42788	0,121051	0,0914079	1
161	p53	0,197587	0,922828	-1,08363	2,40202	0,106289	0,0811244	1
56	Chk1_pS296	0,726063	0,987007	-1,01316	2,38404	0,0404177	0,0310814	1
173	PDGFR-b	6,75E-10	3,22331	3,22331	2680,48	45,9792	0,0314478	1
92	G6PD	0,151232	1,1312	1,1312	2,1683	0,167204	0,141374	1
157	p27_pT198	0,111426	0,916702	-1,09087	2,1435	0,0802349	0,0686247	1
88	Fibronectin	5,67E-07	3,50475	3,50475	20,1859	16,8349	1,52898	1
89	FoxM1	0,126873	1,09501	1,09501	2,09024	0,0810734	0,0711088	1
226	TIGAR	0,135172	0,9036	-1,10668	2,02815	0,108713	0,0982706	1
122	JNK_pT183_Y185	0,152745	0,921521	-1,08516	2,02018	0,0760564	0,0690219	1
117	IRF-1	0,149577	0,948751	-1,05402	1,94612	0,0303863	0,0286253	1
33	Bak	0,852836	0,990169	-1,00993	1,87467	0,0702506	0,0687017	1
234	U-Histone-H2B	0,738196	1,04823	1,04823	1,55594	0,410705	0,483925	1
28	b-Catenin_pT41_S45	0,139094	0,913904	-1,09421	1,32746	0,0577034	0,0796934	1
211	Sifn11	0,897035	0,993172	-1,00688	1,24644	0,0394885	0,0580819	1
133	MERIT40_pS29	0,156747	1,12178	1,12178	1,0799	0,0862763	0,14647	1
198	RBM15	0,253967	0,567676	-1,76157	0,951534	5,1036	9,83319	1
189	PRAS40_pT246	0,66926	1,06118	1,06118	0,904605	0,239531	0,48545	1
246	YAP	0,466005	1,02776	1,02776	0,788196	0,0136047	0,0316444	1
178	PEA-15_pS116	0,128782	0,803653	-1,24432	0,56699	0,114289	0,369549	1
222	STING	0,996961	0,998216	-1,00179	0,35209	2,14706	11,1798	1

Table S5. Comparison of RPPA outcomes of *MMTV-R26^{Met}* cells and tumors belonging to “subtype A” versus “subtype B”.

Cluster 3 (cluster with subtype A) vs. cluster 4 (cluster with subtype B)

Protein	logFC	AveExpr	t	P.Value	adj.P.Val
PAR	1,131472	0,3170698	3,330956	0,0029563	0,04152945
ARID1A	0,625451	0,0859351	4,062781	4,96E-04	0,02858153
Histone-H3	0,616463	0,3605703	3,054654	0,0056961	0,05733171
XRCC1	0,550487	0,1489197	6,796958	6,87E-07	1,70E-04
ATM	0,481253	0,1386044	3,422094	0,0023745	0,04152945
E-Cadherin	0,443419	0,1698936	2,34252	0,0283516	0,1024357
VASP	0,430123	0,1169322	2,906673	0,008042	0,06207435
Rictor	0,402752	0,3815294	3,060335	0,0056207	0,05733171
P-Cadherin	0,400019	0,0334093	1,909318	0,0690093	0,17902479
eIF4G	0,398827	0,0164296	3,67933	0,0012718	0,03925799
RBM15	0,374286	0,0558702	3,587849	0,0015894	0,03925799
CDK1	0,367319	0,2349106	2,646612	0,0145488	0,07645874
53BP1	0,348198	0,1029189	2,691726	0,0131446	0,07189393
TAZ	0,340197	-0,0059708	3,046745	0,0058028	0,05733171
4E-BP1	0,333041	0,1455759	3,325777	0,0029933	0,04152945
Stat3	0,328124	0,0928596	3,007286	0,0063644	0,05822247
beta-Catenin	0,324496	0,0162367	2,143181	0,043113	0,12986481
Claudin-7	0,316824	0,1779344	2,562707	0,0175428	0,08405637
ACC1	0,31187	-0,2919491	1,689445	0,104897	0,23990341
WIPI1	0,287525	0,1169281	2,937817	0,0074821	0,06063795
Notch1	0,256416	0,0348844	2,150548	0,0424624	0,12948413
Rad50	0,252598	0,0485918	2,930486	0,0076104	0,06063795
MERIT40_pS29	0,236574	0,0348573	2,887791	0,0084007	0,06287832
GCN5L2	0,228901	0,1400084	2,546477	0,0181848	0,08405637
FASN	0,223324	-0,2280732	1,474832	0,1540659	0,31192027
DM-K9-Histone-H3	0,221614	0,0792837	3,479287	0,0020682	0,04152945
PARP	0,21735	0,1754915	2,170756	0,040723	0,12573225
DM-Histone-H3	0,21678	0,0015729	2,793482	0,0104327	0,06750283
TUFM	0,215179	-0,1295122	3,427262	0,0023451	0,04152945
Bim	0,208428	0,120133	2,008825	0,0566601	0,15550059
4E-BP1_pS65	0,207393	0,1963715	2,611425	0,0157408	0,07934629
Bax	0,205523	0,0459626	2,362578	0,0271577	0,10011854
Caspase-3	0,203513	0,053363	3,115907	0,0049315	0,05733171
Rab25	0,19528	0,053111	2,942803	0,007396	0,06063795
DUSP4	0,192819	-0,034058	1,63052	0,1168633	0,25608136
ER-alpha_pS118	0,191709	-0,0097066	4,014505	5,59E-04	0,02858153
Gab2	0,187292	0,2209397	2,027495	0,0545749	0,15146063
c-Jun_pS73	0,187168	0,1662713	1,583037	0,1273203	0,2750364
p70-S6K1	0,185401	0,1487478	1,941728	0,0647494	0,17383816
Bcl-xL	0,18301	-0,0045359	2,377068	0,0263241	0,09851602
B-Raf	0,182396	0,119589	2,176267	0,0402599	0,12573225
AR	0,179985	-0,1801834	1,721602	0,0988159	0,23025968
IR-b	0,178742	0,1179838	1,763467	0,0913511	0,22057594
PAK1	0,177609	0,0452871	1,969404	0,0612968	0,16637706

RIP	0,172828	-0,1031336	1,449313	0,1609979	0,31813179
VEGFR-2	0,170852	0,112644	1,91996	0,0675841	0,17902479
Smad3	0,163193	-0,0207871	2,986563	0,0066799	0,05892596
Myt1	0,147849	-0,0118133	2,625587	0,0152504	0,07847609
Hexokinase-II	0,146195	-0,0752403	3,065559	0,0055521	0,05733171
AMPK_pT172	0,145741	0,0074493	1,501703	0,1470302	0,30013613
DJ-1	0,141801	0,0489347	1,203647	0,2411937	0,42553468
Merlin	0,13962	-0,0647313	1,65167	0,1124426	0,25248474
Connexin-43	0,133795	0,0121025	0,85322	0,4024979	0,59110886
SOD2	0,132995	-0,0158534	2,529887	0,0188637	0,08471496
ATR_pS428	0,131701	-0,0822292	2,189481	0,0391689	0,124035
MIF	0,126377	0,1137327	2,483055	0,0209097	0,08904635
Smad1	0,126119	0,0125196	1,803546	0,0846632	0,20704768
p27_pT198	0,12259	-0,0775066	2,440183	0,0229618	0,09452611
Chk2_pT68	0,121915	0,0296161	1,224318	0,2334535	0,41784797
GATA6	0,11837	-0,0708088	1,849068	0,0775839	0,19554318
mTOR	0,112892	0,0728351	1,263187	0,2194103	0,40443542
b-Catenin_pT41_S45	0,112507	0,0870738	1,433354	0,1654593	0,32435275
A-Raf	0,111316	0,0495721	1,906472	0,0693948	0,17902479
Notch3	0,11089	0,0179976	2,520372	0,0192636	0,08496624
c-Kit	0,109967	-0,0346328	2,541729	0,0183767	0,08405637
CD4	0,109381	-0,1543716	1,723178	0,0985256	0,23025968
Raptor	0,106089	0,0743287	1,270748	0,2167555	0,40254593
cdc25C	0,105267	-0,0550074	1,087078	0,288471	0,47820368
c-Myc	0,104214	0,1120016	1,154996	0,2601691	0,4462622
IRS1	0,101347	0,0292407	0,925277	0,3646062	0,55497351
WIPI2	0,1013	-0,1982764	1,070823	0,2955621	0,48028836
EGFR	0,099325	0,1196557	1,526609	0,1407455	0,29213552
C-Raf	0,097531	-0,0158396	1,731508	0,0970041	0,23025968
RPA32_pS4_S8	0,097246	0,0030646	1,077405	0,2926762	0,48028836
Bid	0,092652	-0,0289827	1,315894	0,2014139	0,37976522
Tyro3	0,090933	-0,0275295	1,825937	0,0811143	0,20125619
IGFRb	0,085766	0,0774075	0,529761	0,6014485	0,77315301
SDHA	0,083141	-0,0625461	1,325743	0,1981819	0,37654562
Glutaminase	0,082261	-0,0878491	1,096358	0,2844782	0,47477109
MEK1_pS217_S221	0,079621	-0,0247615	1,759823	0,0919811	0,22057594
eIF4E	0,076387	-0,0104446	0,6724	0,5081521	0,69729755
PI3K-p110-a	0,076263	0,0773417	1,630262	0,1169183	0,25608136
YAP	0,072962	-0,0114551	1,115955	0,2761775	0,46723176
HER3_pY1289	0,071337	-0,0242126	1,110572	0,2784398	0,46785463
LRP6_pS1490	0,070404	0,0860639	0,949516	0,3524114	0,54673438
STAT5-alpha	0,070151	0,0335454	0,374359	0,7116303	0,84501285
AMPK-a2_pS345	0,067148	-0,0243644	1,224603	0,2333481	0,41784797
STING	0,066374	0,1183359	0,310674	0,7588984	0,87185075
JNK2	0,066189	0,0509504	0,825831	0,4175405	0,60311405
c-Abl	0,06544	-0,0534208	0,9741	0,340328	0,53542056
PR	0,064823	3,60E-04	1,171619	0,2535651	0,43810296
PTEN	0,064072	0,0033979	0,632158	0,5336332	0,72025901
G6PD	0,056212	-0,0405422	0,41671	0,6808257	0,83048272
ciAP	0,054272	-0,0154717	0,94158	0,3563734	0,54673438

p27-Kip-1	0,053339	0,0575981	1,127133	0,2715221	0,46252386
AMPK_alpha	0,047113	0,106793	0,689381	0,4976073	0,69440119
Atg3	0,046415	-0,159205	0,553954	0,5850549	0,76306001
UBAC1	0,046399	-0,0899037	0,658319	0,5169899	0,70550553
Rad51	0,046157	-0,0949432	0,605841	0,5506624	0,73920439
PKC-alpha	0,045954	0,1939478	0,274739	0,7860152	0,8806955
eIF4E_pS209	0,045378	-0,0631162	0,945002	0,3546613	0,54673438
NAPSIN-A	0,044088	-0,0234169	0,791903	0,436658	0,62343651
Axl	0,042812	-0,0614344	0,507958	0,6164094	0,77680158
FoxM1	0,039265	-0,0026116	0,451163	0,656175	0,81037612
Creb	0,036445	-0,0330347	0,922075	0,3662376	0,55497351
eEF2	0,035399	-0,0115659	0,298964	0,767702	0,87383596
D-a-Tubulin	0,033737	-0,0371452	0,511837	0,6137346	0,77680158
JNK_pT183_pY185	0,031993	0,0011722	0,588901	0,5617736	0,74601111
BRD4	0,030861	0,0060905	0,651368	0,5213838	0,70759235
PDHK1	0,025525	-0,0481166	0,536905	0,5965844	0,77149923
Granzyme-B	0,025318	-0,1310343	0,258625	0,7982674	0,88349877
COG3	0,022993	0,0297644	0,344984	0,7332995	0,86249986
XPF	0,02051	-0,0346966	0,4101	0,685598	0,83048272
Bak	0,01909	-0,0570662	0,23899	0,8132694	0,88349877
FAK	0,019023	-0,1338132	0,196817	0,8457312	0,90820757
NF-kB-p65_pS536	0,018266	0,0282627	0,192106	0,8493763	0,90820757
FoxO3a	0,017794	-0,0865903	0,384539	0,7041769	0,84432861
PKC-delta_pS664	0,017134	0,0161086	0,389313	0,7006921	0,84424857
N-Cadherin	0,015604	-0,0350948	0,253208	0,8023984	0,88349877
Jak2	0,011693	-0,0562983	0,156208	0,877257	0,91592889
PAICS	0,009199	0,068113	0,078792	0,9378923	0,95993902
IGFBP2	0,002766	0,0294213	0,02627	0,9792726	0,98726669
EGFR_pY1173	0,001998	0,0068537	0,04823	0,9619566	0,97571776
HSP70	-9,36E-04	0,127176	-0,01018	0,9919661	0,99196612
MDM2_pS166	-0,00152	0,2541291	-0,02032	0,9839646	0,98796441
14-3-3_zeta	-0,00262	0,1376385	-0,04581	0,9638669	0,97571776
Shc_pY317	-0,00873	0,0301483	-0,07547	0,9405071	0,95993902
Stat3_pY705	-0,00942	0,0686024	-0,16531	0,8701717	0,91592889
PI3K-p85	-0,00967	0,0713216	-0,09531	0,924907	0,95188347
Aurora-B	-0,0097	0,01747	-0,1729	0,8642672	0,91592889
CD134	-0,00978	-0,1496793	-0,1745	0,8630245	0,91592889
INPP4b	-0,01017	-0,0663281	-0,23944	0,8129208	0,88349877
PKD1_pS241	-0,01383	0,111296	-0,15417	0,8788467	0,91592889
Stathmin	-0,01555	0,0087648	-0,25689	0,7995869	0,88349877
TIGAR	-0,01592	0,0086581	-0,22454	0,8243579	0,88915461
PRAS40_pT246	-0,01648	0,1035279	-0,1188	0,9064814	0,94076011
04-oct	-0,01819	-0,0377163	-0,28753	0,7763327	0,87558987
p53	-0,01975	-0,041495	-0,4161	0,6812657	0,83048272
PAK4	-0,02093	-0,0564756	-0,32651	0,7470436	0,87181917
Cdc2_pY15	-0,02183	-0,0437417	-0,3196	0,7522109	0,87185075
Cyclin_D1	-0,02217	0,0211284	-0,29165	0,7732166	0,87558987
14-3-3_beta	-0,02295	-0,0765912	-0,36975	0,7150109	0,84501285
HER3	-0,02299	-0,0146603	-0,24109	0,8116594	0,88349877
PREX1	-0,02378	0,0037087	-0,32485	0,748282	0,87181917

HES1	-0,02381	0,040922	-0,15602	0,8774025	0,91592889
Wee1_pS642	-0,02829	-0,0582548	-0,47399	0,6400616	0,79444828
Rab11	-0,0347	6,85E-04	-0,57397	0,5716632	0,75508456
TSC1	-0,03475	0,084765	-0,40968	0,6859048	0,83048272
PDGFR-b	-0,03484	0,2735999	-0,09909	0,9219449	0,95188347
ATM_pS1981	-0,03672	-0,0181914	-0,71053	0,4846512	0,68405048
GCLM	-0,03747	-0,0844496	-0,89226	0,3816656	0,56958898
RSK	-0,03772	0,0447656	-0,37143	0,7137828	0,84501285
PEA15	-0,03997	0,100227	-0,48655	0,6312653	0,78748748
Glutamate-D1-2	-0,04005	0,006518	-0,27214	0,7879907	0,8806955
Cox2	-0,04352	-0,0368758	-0,51248	0,6132918	0,77680158
IGF1R_pY1135_Y1136	-0,0443	-0,0292372	-0,8901	0,3828007	0,56958898
Src_pY416	-0,04576	0,1671187	-0,23603	0,8155373	0,88349877
Wee1	-0,04659	0,0202702	-0,30498	0,7631726	0,872702
LC3A-B	-0,04699	-0,0407871	-0,55111	0,5869692	0,76306001
FOXO3a_pS318_S321	-0,04802	0,1285134	-0,86926	0,3938533	0,58252548
MMP2	-0,04894	-0,0069953	-1,00785	0,3242056	0,52219947
Tuberin_pT1462	-0,04902	-0,0744172	-0,60081	0,5539491	0,73959697
FAK_pY397	-0,05659	0,09564	-0,49238	0,6272014	0,78638962
Ets-1	-0,05815	-0,0496285	-0,96877	0,3429218	0,53608663
Mcl-1	-0,0605	0,1007123	-0,68002	0,5034044	0,69648258
Beclin	-0,06576	-0,0428242	-1,22691	0,2324949	0,41784797
p16_INK4a	-0,06889	0,0593482	-0,55142	0,5867618	0,76306001
B7-H4	-0,07178	-0,0254777	-1,36892	0,1844887	0,3588088
PKM2	-0,07668	0,0484725	-0,3143	0,7561821	0,87185075
p44-42-MAPK	-0,07773	2,21E-05	-1,07351	0,2943824	0,48028836
MCT4	-0,08051	6,78E-04	-0,52584	0,6041236	0,77315301
Sifn11	-0,08247	-0,0769721	-1,23643	0,2290046	0,41784797
Elk1_pS383	-0,08984	-0,0110248	-1,51092	0,1446778	0,29779513
Tuberin	-0,09163	0,0086241	-0,90071	0,3772518	0,56817809
TTF1	-0,09406	-0,0691308	-1,46065	0,1578879	0,31703801
PKA-a	-0,09458	0,0742455	-1,00492	0,3255819	0,52219947
Heregulin	-0,0977	-0,0312672	-1,69577	0,1036767	0,2393285
Gys	-0,10409	-0,0146164	-0,74778	0,4623131	0,65627208
Jagged1	-0,1053	0,0592771	-1,89412	0,0710898	0,1810225
PLC-gamma2_pY759	-0,10893	0,1434968	-1,57983	0,1280534	0,2750364
Caspase-7_cleavedD198	-0,11207	0,0887793	-0,84964	0,4044429	0,59110886
HER2_pY1248	-0,11683	-0,028885	-2,84922	0,0091814	0,06670045
Akt	-0,11736	0,0629356	-1,20863	0,2393095	0,42524774
ERCC5	-0,12431	0,0282191	-0,98398	0,3355524	0,53471894
B-Raf_pS445	-0,12751	0,1013743	-0,97938	0,3377704	0,53480307
Rb_pS807_S811	-0,12758	0,0272653	-0,79409	0,4354084	0,62343651
MAPK_pT202_Y204	-0,13335	-0,0711768	-1,52798	0,140405	0,29213552
YAP_pS127	-0,13727	0,1047023	-0,83629	0,4117556	0,59825671
p70S6K_pT389	-0,1463	-0,0543965	-2,38207	0,0260422	0,09851602
eEF2K	-0,15185	-0,0364881	-1,31039	0,203239	0,38030336
ER-alpha	-0,1525	-0,0489758	-2,12593	0,0446718	0,13293895
p21	-0,16075	-0,0093602	-2,21492	0,0371438	0,12071739
Atg7	-0,16082	-0,0104942	-2,30048	0,0310121	0,107887
P-Met_pY1234_Y1235	-0,16251	0,2264404	-0,67788	0,5047384	0,69648258

YB1_pS102	-0,16926	-0,0186932	-2,05423	0,0517075	0,14513365
Paxillin	-0,16968	0,0199992	-1,82359	0,0814802	0,20125619
Bad_pS112	-0,1814	0,0648426	-2,38673	0,0257817	0,09851602
PEA15_pS116	-0,18554	-0,0263777	-3,62304	0,0014589	0,03925799
mTOR_pS2448	-0,18887	0,1628695	-1,45599	0,1591608	0,31703801
MEK1	-0,19369	0,0244747	-2,21758	0,0369377	0,12071739
MSI2	-0,19481	-0,0673892	-1,33243	0,1960093	0,37530469
ACC_pS79	-0,19619	-0,1864269	-0,69342	0,4951176	0,69440119
U-Histone-H2B	-0,20031	-0,0548845	-1,34821	0,1909613	0,36849573
SLC1A5	-0,20084	0,1496055	-1,55452	0,1339673	0,28281975
TFAM	-0,20188	0,0319333	-3,1974	0,0040662	0,05285995
LDHA	-0,20267	0,0494123	-2,4196	0,0240121	0,09566098
HSP27_pS82	-0,20785	-0,0132763	-2,27218	0,0329295	0,11296646
Mnk1	-0,20914	0,034214	-2,11814	0,0453926	0,13347587
b-Actin	-0,21224	0,1361256	-2,08337	0,0487362	0,13997493
SHP-2_pY542	-0,21356	-0,0152545	-2,33117	0,0290485	0,10249987
CD20	-0,23204	-0,0273627	-2,72529	0,012184	0,06839641
p38_MAPK	-0,23446	0,0700919	-2,25274	0,0343083	0,11485535
Cox-IV	-0,24076	-0,043776	-2,5984	0,0162049	0,08005199
PMS2	-0,24249	-0,0387305	-2,75431	0,0114071	0,06750283
Cyclin_B1	-0,25359	-0,0490261	-2,75183	0,0114717	0,06750283
Myosin-IIa_pS1943	-0,25359	-0,0490261	-2,75183	0,0114717	0,06750283
PLK1	-0,25359	-0,0490261	-2,75183	0,0114717	0,06750283
TRIM25	-0,25359	-0,0490261	-2,75183	0,0114717	0,06750283
C-Raf_pS338	-0,25626	0,0632267	-2,25134	0,0344101	0,11485535
TFRC	-0,26456	-0,0425438	-3,0103	0,0063198	0,05822247
Collagen_VI	-0,26524	0,0298493	-2,68355	0,0133892	0,07189393
Gys_pS641	-0,28804	-0,1177172	-2,45877	0,0220503	0,09231214
Rictor_pT1135	-0,30625	0,0756234	-3,70501	0,0011945	0,03925799
ULK1_pS757	-0,30751	0,0702128	-1,62915	0,1171546	0,25608136
Pdcd4	-0,31026	0,1711035	-1,17143	0,2536386	0,43810296
MSH6	-0,32168	0,0879335	-1,18801	0,2471765	0,43299717
Sox2	-0,32872	0,2627177	-1,56069	0,1325045	0,28214312
p90RSK_pT573	-0,36455	0,1115986	-2,19125	0,0390248	0,124035
Chk1_pS296	-0,38385	0,1682085	-2,75111	0,0114903	0,06750283
PDK1	-0,38557	-0,0217785	-2,0993	0,0471778	0,13709323
PKC-b-II_pS660	-0,42941	0,2542991	-2,81445	0,009944	0,06750283
ZAP-70	-0,43507	0,188693	-2,39244	0,0254655	0,09851602
XBP1	-0,44064	0,0239927	-2,5454	0,0182283	0,08405637
Lck	-0,46571	0,0837977	-2,74122	0,0117515	0,06750283
IRF-1	-0,4735	-0,109279	-2,49305	0,0204565	0,08864496
Akt_pT308	-0,48868	0,0607433	-3,89334	7,53E-04	0,03098879
p38_pT180_Y182	-0,49449	0,0719863	-3,32118	0,0030264	0,04152945
Fibronectin	-0,58387	0,376004	-1,68088	0,1065695	0,24149247
S6_pS240_S244	-0,63893	0,1788402	-3,11939	0,0048911	0,05733171
GSK-3a-b_pS21_S9	-0,72138	0,1130619	-4,17276	3,78E-04	0,02858153
PD-L1	-0,78775	0,2728692	-2,33819	0,0286156	0,1024357
Caveolin-1	-0,79932	-0,2343902	-1,90511	0,0695805	0,17902479
NDRG1_pT346	-0,88585	0,3263951	-2,42061	0,0239595	0,09566098
S6_pS235_S236	-0,89273	0,2497408	-4,00027	5,79E-04	0,02858153

Akt_pS473	-1,03289	0,0325736	-3,35669	0,0027793	0,04152945
Src_pY527	-1,07674	0,1555428	-3,45293	0,0022043	0,04152945
MYH11	-1,75648	0,5057535	-2,06601	0,0504883	0,14334031

Subtype A vs. MGT2

Protein	logFC	AveExpr	t	P.Value	adj.P.Val
P-Met_pY1	3,637657	-0,512787	7,504304	1,24E-05	4,37E-04
E-Cadherin	2,858419	2,07281	9,734716	1,02E-06	1,22E-04
Claudin-7	1,849309	1,334111	7,172082	1,88E-05	4,90E-04
NDRG1_pT	1,59218	0,143565	4,439983	0,001011	0,0078003
53BP1	1,390249	0,675538	4,255926	0,001372	0,0089284
HES1	1,388026	0,084085	3,031517	0,011495	0,0359412
Src_pY527	1,271446	-0,103271	5,51767	1,86E-04	0,0025465
Bim	1,1928	0,264333	3,052958	0,011065	0,0350382
RSK	0,955445	-0,315825	7,968723	7,06E-06	3,26E-04
Src_pY416	0,946306	-0,174236	4,702663	6,59E-04	0,0060253
4E-BP1	0,931205	0,004343	4,626002	7,46E-04	0,0063553
ARID1A	0,902423	0,6773	2,706231	0,020532	0,0533842
CDK1	0,841402	0,176039	2,594209	0,025065	0,0612974
Akt_pT308	0,828394	-0,134122	3,761853	0,003179	0,0153978
p16_INK4a	0,821494	0,167892	3,066624	0,010799	0,0350382
VASP	0,732469	-0,102788	3,829014	0,002831	0,0145695
Gab2	0,711829	-0,028675	2,434552	0,033271	0,0760914
IR-b	0,692957	0,020946	3,352691	0,006502	0,024048
PKC- β -II α	0,687287	-0,232603	5,540261	1,79E-04	0,0025465
HER3	0,684612	0,467884	3,693476	0,003579	0,0164203
Rad50	0,638681	0,455258	3,340458	0,006644	0,0241119
PDK1_pS24	0,62223	0,034216	8,196864	5,40E-06	3,26E-04
Akt_pS473	0,603119	-0,184994	2,678357	0,021578	0,0549461
c-Jun_pS73	0,585643	0,276401	4,455335	9,85E-04	0,0078003
4E-BP1_pS1	0,535982	0,364639	3,84237	0,002767	0,0145413
ACC1	0,510477	0,238597	2,540506	0,027575	0,0648665
HER2_pY11	0,504194	0,063467	2,666076	0,022055	0,0555883
FASN	0,501761	-7,63E-04	4,079585	0,001845	0,0109818
C-Raf_pS33	0,500747	0,080728	3,308351	0,007032	0,0248118
PAICS	0,500277	0,310122	2,043257	0,065897	0,136744
p38_pT180	0,481667	0,109864	6,322686	5,82E-05	0,0010269
GCN5L2	0,47722	0,315373	3,78688	0,003045	0,0153479
STING	0,468437	0,114471	0,704499	0,495859	0,612386
PARP	0,461149	0,302319	3,968254	0,00223	0,0122401
eIF4E	0,451018	-0,007555	4,968384	4,31E-04	0,004632
PDK1	0,445608	-0,066556	7,13043	1,98E-05	4,90E-04
Caspase-3	0,438372	0,152172	5,332925	2,45E-04	0,0031884
14-3-3_zeta	0,423332	-0,017049	3,691773	0,00359	0,0164203
Paxillin	0,41394	-0,022313	6,874556	2,76E-05	6,21E-04
FAK	0,407971	-0,029242	5,123623	3,38E-04	0,004157
Histone-H3	0,385838	0,054322	2,196682	0,050528	0,1114322
p90RSK_pT	0,378022	0,017034	3,531836	0,004745	0,01947
Bax	0,368331	-0,020412	0,826717	0,426078	0,5396982
Bcl-xL	0,364332	0,192799	2,719429	0,020055	0,0526977
Jagged1	0,35794	0,087936	1,749995	0,1081	0,1964232
c-Myc	0,357068	0,281863	3,662234	0,003779	0,016971
Shc_pY317	0,338664	-0,203854	3,023125	0,011668	0,0360265
Caveolin-1	0,334515	-0,106836	0,950612	0,362349	0,4775705
RBM15	0,334174	0,521032	0,624377	0,545193	0,6474162
PRAS40_pT	0,323953	-0,104174	1,103932	0,293333	0,4188231
WIPI1	0,304193	0,243406	1,358826	0,201582	0,317138
TUFM	0,300465	0,120711	3,217371	0,008261	0,0283398
beta-Catenin	0,289844	0,309686	1,608168	0,136277	0,2404317
ER-alpha_p	0,286177	0,181252	4,07261	0,001867	0,0109818
c-Kit	0,279571	0,222288	4,388641	0,0011	0,0079908
HSP70	0,27151	0,071262	3,377812	0,00622	0,0240053
DJ-1	0,265733	0,139229	2,994441	0,01228	0,0369909
RPA32_pS4	0,261734	-0,005264	2,862701	0,015532	0,044098
PLC-gamma2	0,260835	-0,021192	3,350843	0,006523	0,024048
ACC_pS79	0,251971	0,126956	0,670382	0,516529	0,6254047
MSH6	0,246726	0,140975	1,52971	0,154501	0,2651031
b-Actin	0,245096	0,147224	1,529492	0,154554	0,2651031
AMPK_alpha1	0,241763	-0,133322	2,038531	0,066434	0,136744
Bid	0,241507	0,180387	1,811547	0,097594	0,1824368
eIF4G	0,239594	0,049167	3,538797	0,004687	0,01947
Bad_pS112	0,238065	-0,152378	2,575245	0,025924	0,0627778

Subtype B vs. MGT2

Protein	logFC	AveExpr	t	P.Value	adj.P.Val
P-Met_pY1	4,429137	-0,83157	57,94388	2,68E-10	6,62E-08
HES1	2,033252	0,168379	33,24106	1,09E-08	9,01E-07
Notch1	1,710942	0,731063	31,59293	1,54E-08	9,49E-07
Fibronectin	1,599821	1,178052	9,284537	4,58E-05	4,52E-04
IGF1Rb	1,571705	0,517034	24,26581	8,87E-08	3,13E-06
MCT4	1,567953	0,191969	17,06514	9,06E-07	1,97E-05
RSK	1,545585	-0,170202	29,36662	2,50E-08	1,23E-06
Akt_pT308	1,195723	-0,094465	13,88509	3,49E-06	5,74E-05
Akt_pS473	1,162458	0,01902	12,2847	7,70E-06	1,06E-04
NDRG1_pT	1,109908	-0,493183	19,43433	3,85E-07	1,06E-05
Src_pY416	1,004716	-0,345657	16,91783	9,59E-07	1,97E-05
PKA-a	0,945893	0,458861	16,1482	1,30E-06	2,47E-05
IR-b	0,875025	-0,021004	6,686059	3,40E-04	0,0020021
Bim	0,834885	-0,210663	10,30311	2,37E-05	2,93E-04
STING	0,812935	0,218965	8,125268	1,05E-04	9,25E-04
Src_pY527	0,798604	-0,664382	7,787181	1,36E-04	0,0010837
CDK1	0,759937	-0,056419	12,81882	5,85E-06	9,03E-05
LRP6_pS14	0,702505	0,268665	11,88844	9,51E-06	1,24E-04
PKC- β -II α	0,693778	-0,378662	9,59041	3,73E-05	4,39E-04
ACC_pS79	0,693151	0,336689	7,578502	1,60E-04	0,0012387
AMPK_pT1	0,684977	0,918582	4,163988	0,004651	0,0149183
SLC1A5	0,662634	0,316106	7,351803	1,93E-04	0,0013138
Caveolin-1	0,625031	-0,005511	6,850821	2,95E-04	0,0018659
Shc_pY317	0,579833	-0,133043	5,338815	0,001242	0,0061373
HER2_pY11	0,571485	-0,006164	8,016517	1,14E-04	9,50E-04
YAP_pS127	0,550479	0,007843	9,450377	4,10E-05	4,52E-04
ERCC5	0,506844	-0,006689	4,430638	0,003387	0,0124122
ACC1	0,498117	0,119805	6,114026	5,75E-04	0,0032184
IGF1R_pY1	0,494727	0,152044	7,286968	2,04E-04	0,0013228
PRAS40_pT	0,461013	-0,092619	7,99944	1,15E-04	9,50E-04
Tuberin	0,455819	0,202501	5,167735	0,001488	0,0068051
FASN	0,452651	-0,139704	5,22551	0,001399	0,0065509
MAPK_pT2	0,433972	-0,028119	5,953306	6,71E-04	0,0035067
Rb_pS807	0,424155	0,468813	7,429753	1,81E-04	0,0013065
Paxillin	0,420426	-0,108736	6,765916	0,000317	0,0019426
4E-BP1	0,409332	-0,511953	6,093394	5,86E-04	0,0032184
Bad_pS112	0,388397	-0,114121	3,819178	0,007119	0,0204478
AMPK_alpha1	0,379505	-0,103425	3,568891	0,009808	0,0259636
PLC-gamma2	0,376092	-0,008946	4,423101	0,003417	0,0124122
GSK-3a-b_alpha	0,371556	0,012234	5,765962	8,05E-04	0,0040593
Pdcd4	0,358724	0,30753	4,945374	0,001892	0,0080555
p21	0,354248	-0,093737	6,182004	5,39E-04	0,0030976
COG3	0,347162	0,050711	5,221219	0,001406	0,0065509
14-3-3_zeta	0,340484	-0,159122	5,936645	6,81E-04	0,0035067
p90RSK_pT	0,324632	-0,097478	3,609566	0,009304	0,0255765
PDK1_pS24	0,321764	-0,281823	4,349438	0,003726	0,0129631
WIPI1	0,304937	0,177482	4,349768	0,003725	0,0129631
FAK	0,297001	-0,184835	5,008786	0,001765	0,007649
Bax	0,294233	-0,145235	5,048647	0,001691	0,0074564
Caspase-7	0,293288	-0,035883	2,760869	0,029328	0,0619152
WIPI2	0,265893	0,088879	1,838137	0,110552	0,1870289
PDK1	0,263278	-0,273178	3,876257	0,006627	0,0197203
GATA6	0,252854	-0,001738	3,563194	0,009881	0,0259636
eIF4E	0,251234	-0,225829	4,329857	0,003814	0,0130825
Caspase-3	0,249663	-0,056699	3,822671	0,007088	0,0204478
UB1_pS102	0,247645	-0,039208	3,393642	0,012343	0,030293
UBAC1	0,237905	-0,064641	4,115195	0,004934	0,0154269
p38_pT180	0,217278	-0,15386	2,938324	0,022889	0,0504783
Myt1	0,209453	-0,049406	3,66189	0,008698	0,024413
XRCC1	0,207335	0,165378	2,451464	0,045538	0,086523
Bid	0,205877	0,106317	2,356773	0,052183	0,0969118
mTOR	0,205357	0,006248	3,857133	0,006787	0,0199584
Rictor_pT1	0,204619	0,028295	3,573809	0,009746	0,0259636
Histone-H3	0,203684	-0,139153	1,838476	0,110497	0,1870289
Chk2_pT68	0,203435	0,012562	3,233	0,015298	0,0363328
HER3_pY11	0,191942	-0,098544	3,108271	0,018117	0,0414349

p53	0,234861	-0,028158	1,717783	0,113997	0,2055273
Elk1_pS38:	0,223288	-0,027692	3,153167	0,009258	0,0304905
EGFR	0,218885	-0,060514	3,053962	0,011045	0,0350382
ERCC5	0,21579	-0,13424	2,001351	0,070806	0,1432118
SLC1A5	0,214218	0,093795	0,925357	0,37476	0,4872195
TSC1	0,209308	-0,236983	1,440225	0,177827	0,2889694
Smad3	0,208068	0,189307	3,351871	0,006511	0,024048
Lck	0,206677	0,110104	1,586843	0,141034	0,2470589
Merlin	0,203843	0,100168	1,149809	0,27476	0,4057239
HER3_pY1:	0,203492	-0,047216	2,946901	0,013366	0,0393039
Bak	0,193494	-0,012915	1,976923	0,073823	0,1461908
Myt1	0,193394	-0,016846	2,059608	0,06407	0,1341125
NAPSIN-A	0,193247	-0,08934	2,482779	0,030548	0,0705178
UBAC1	0,189955	-0,051966	1,969361	0,074781	0,1465416
Connexin-4	0,18699	0,477773	0,749889	0,469156	0,5852598
EGFR_pY11	0,182097	-0,013826	3,197102	0,008563	0,028975
Aurora-B	0,17813	-0,041328	1,975649	0,073983	0,1461908
PAK4	0,174688	0,016478	1,855111	0,09073	0,1723861
GSK-3a-b_f	0,174242	-0,068138	1,138371	0,430172	0,5421047
MAPK_pT2	0,173967	-0,146165	0,912501	0,381192	0,4929548
ATR_pS42E	0,173213	0,029853	2,740563	0,019313	0,0515209
Notch3	0,172453	0,041833	2,738095	0,019399	0,0515209
VEGFR-2	0,161657	-0,036295	0,967953	0,353999	0,4751501
MEK1_pS2	0,160906	0,032162	2,643838	0,022946	0,0572498
b-Catenin_	0,158045	0,041754	1,869614	0,088544	0,1695382
Notch1	0,156847	-0,167172	0,700098	0,498497	0,6125812
Caspase-7_	0,155075	-0,084976	1,138371	0,279303	0,4057239
TAZ	0,151172	0,185789	1,807623	0,098235	0,1824368
IGF1R_pY1	0,148883	-0,022979	2,229583	0,047709	0,106625
Chk2_pT68	0,14549	0,009538	1,474399	0,168586	0,2794674
Rictor	0,143098	0,019462	1,386335	0,193273	0,3079892
Tuberin	0,139159	0,042867	1,276209	0,228333	0,3481377
Cyclin_D1	0,129665	0,001313	1,650296	0,127294	0,2261986
TIGAR	0,129574	0,043638	1,09703	0,296209	0,4188231
YB1_pS102	0,12957	-0,081783	1,285143	0,225307	0,3461398
Glutamate_	0,127577	-0,021805	1,417977	0,184073	0,2971628
IRS1	0,116085	0,34378	0,316469	0,757609	0,8075234
AMPK-a2_f	0,11558	-0,085886	1,095769	0,296737	0,4188231
PEA15	0,11237	0,139538	0,833019	0,422664	0,5396982
LC3A-B	0,109187	-0,058193	1,065715	0,309528	0,4319408
PEA15_pS1	0,101697	-0,008363	0,556717	0,588938	0,686168
p27_pT198	0,101498	0,106837	1,053753	0,314734	0,4355815
eEF2K	0,100409	0,15178	0,451722	0,660302	0,7379841
FOXO3a_p:	0,094894	-0,075844	1,823714	0,095631	0,1803112
JNK_pT183	0,093291	0,025704	0,959186	0,358203	0,4756777
p27-Kip-1	0,090625	-0,052819	1,913175	0,082268	0,158752
Akt	0,089004	-0,093046	0,474568	0,644435	0,7235247
WIP1	0,076508	-0,008059	0,424551	0,6794	0,7491602
YAP_pS127	0,074437	-0,261542	0,418235	0,683875	0,7507427
DM-K9-His:	0,070306	0,013084	1,135106	0,28061	0,4057239
Stathmin	0,063385	-0,09865	0,67448	0,514019	0,6254047
Mnk1	0,061391	0,099689	0,508216	0,621402	0,7124215
p38_MAPK	0,056059	0,026224	0,387848	0,705576	0,7685687
PKM2	0,046362	-0,106769	0,241959	0,813292	0,8548214
mTOR	0,045241	-0,079951	0,426884	0,677751	0,7491602
Wee1_pS6	0,045056	0,207071	0,643198	0,533358	0,6395114
PREX1	0,044776	0,175763	0,55076	0,592877	0,6875148
IGFRb	0,044164	-0,389855	0,427417	0,677375	0,7491602
MDM2_ps:	0,03625	-0,166058	0,330196	0,747494	0,8062492
p21	0,029076	-0,282497	0,317732	0,756676	0,8075234
clAP	0,025597	-0,050772	0,50585	0,623008	0,7124215
Tyro3	0,016713	0,013275	0,306917	0,764675	0,8075234
XRCC1	0,014632	0,052949	0,148387	0,884739	0,9143541
U-Histone-	0,010909	-0,015202	0,117134	0,908879	0,9315062
MCT4	0,004452	-0,74516	0,017185	0,986599	0,992555
Rictor_pT1	0,001608	-0,09316	0,01033	0,991944	0,992555
Rad51	-0,00124	0,207918	-0,00955	0,992555	0,992555
Rb_pS807_	-0,00913	0,206846	-0,03008	0,976542	0,9885487
LRP6_pS14	-0,01096	-0,161801	-0,1418	0,889819	0,915772

PKM2	0,189979	-0,030715	2,921563	0,023427	0,0512087
RIP	0,187817	0,216472	1,363352	0,216825	0,3113704
Gys	0,185007	0,229644	3,15264	0,017055	0,0393704
PAICS	0,18402	0,011217	1,71356	0,132265	0,21214
Bak	0,18062	-0,062856	1,652588	0,144328	0,2270633
Elk1_pS38:	0,175146	-0,105295	2,191381	0,066274	0,1186205
STAT5-alpha	0,173442	0,775827	3,072549	0,019024	0,0431092
Stat3	0,173035	0,403483	3,030139	0,020164	0,0452767
Mcl-1	0,169579	0,479658	2,567735	0,038559	0,0767051
FOXO3a_p:	0,15269	-0,06187	2,656238	0,033999	0,0694039
Stat3_pY7C	0,15226	0,240467	2,857044	0,025629	0,0550477
EGFR_pY11	0,150863	-0,072296	2,273822	0,058821	0,1068297
S6_pS240_	0,1319	0,442304	1,231873	0,259488	0,3580641
ATR_pS42E	0,130777	-0,033401	1,752501	0,125071	0,2059507
Akt	0,130338	-0,087664	2,386733	0,049979	0,0935216
p53	0,127715	-0,143689	1,597836	0,156039	0,2423994
Aurora-B	0,120157	-0,114976	1,811734	0,114845	0,1916666
CD20	0,11635	0,092588	1,985751	0,089289	0,1553125
Stathmin	0,115549	-0,081181	1,278994	0,129368	0,2102227
mTOR_pS2	0,114578	0,01004	1,580779	0,159865	0,2467916
Hexokinase	0,094923	0,04622	1,717849	0,131454	0,21214
SDHA	0,093427	0,182789	1,170325	0,281823	0,3762714
Lck	0,08686	-0,00688	1,189175	0,274816	0,370927
U-Histone-	0,082333	0,025272	1,155404	0,287475	0,3817538
LC3A-B	0,082153	-0,098236	1,329239	0,227257	0,3226006
MEK1	0,069103	0,359646	0,978753	0,361722	0,4600599
Tyro3	0,065279	0,038768	1,218976	0,264039	0,3603457
p44-42-MA	0,06256	0,020878	1,091774	0,312642	0,4085853
Wee1	0,057608	0,318637	0,960062	0,370391	0,4667683
S6_pS235_	0,051162	0,42135	0,330397	0,751193	0,8246435
NAPSIN-A	0,049716	-0,217621	0,466318	0,655773	0,7430087
MERIT40_f	0,048588	0,087179	0,412583	0,692798	0,7813746
TSC1	0,040575	-0,38389	0,717029	0,497592	0,5995378
c-Abl	0,040335	0,046742	0,63463	0,546726	0,6523741
Collagen_v	0,040136	0,187521	0,356881	0,732159	0,8120777
clAP	0,037947	-0,048946	0,566057	0,589807	0,6904381
TUFM	0,037279	-0,102757	0,355465	0,733171	0,8120777
MEK1_pS2	0,036383	-0,077658	0,55098	0,599535	0,6985145
b-Catenin_	0,02861	-0,070389	0,263338	0,800207	0,8519445
DJ-1	0,028009	-0,061384	0,382096	0,714224	0,8018785
ER-alpha_f	0,022935	-0,039132	0,296226	0,776031	0,8336778
Gys_pS641	0,021184	0,030585	0,369732	0,722994	0,8080525
c-Kit	0,020027	0,005564	0,295583	0,776501	0,8336778
PARP	0,017185	-0,064674	0,149695	0,885413	0,904904
YAP	0,013803	-0,006171	0,246721	0,812515	0,8576546
PR	0,010656	0,24656	0,198898	0,848245	0,8766638
elF4G	-2,47E-04	-0,147012	-0,00395	0,99696	0,99696
Bcl-xL	-0,00368	-0,107499	-0,06513	0,949972	0,9577273
MDM2_pS:	-0,00591	-0,199264	-0,05304	0,959248	0,9631474
PDHK1	-0,00776	0,058109	-0,12715	0,902555	0,9174122
TIGAR	-0,00856	-0,067512	-0,14815	0,886586	0,904904
DM-K9-His:	-0,0101	-0,050499	-0,15294	0,882953	0,904904
Mnk1	-0,01085	0,042951	-0,11676	0,910477	0,9216714
p38_MAPK	-0,01454	-0,028369	-0,20919	0,840521	0,8723052
XPF	-0,01589	0,009206	-0,2963	0,775978	0,8336778
PAK1	-0,01791	-0,004488	-0,30113	0,77245	0,8336778
JNK_pT183	-0,01948	-0,062312	-0,34436	0,74113	0,8172287
p27_pT198	-0,02014	0,01171	-0,25504	0,806344	0,8547941
FoxM1	-0,02167	0,036726	-0,24184	0,816141	0,8578158
4E-BP1_pS:	-0,02178	-0,086957	-0,2319	0,823542	0,8619269
LDHA	-0,02473	0,306928	-0,22367	0,829685	0,8646926
TFAM	-0,02557	0,215198	-0,29125	0,779674	0,8336778
Notch3	-0,02558	-0,114612	-0,32481	0,755233	0,8254095
Atg7	-0,02732	-0,058942	-0,499	0,633749	0,734911
G6PD	-0,02819	0,018532	-0,47475	0,650055	0,7430087
Rab25	-0,02846	-0,058297	-0,46709	0,655251	0,7430087
C-raf_pS3:	-0,0308	-0,347453	-0,4849	0,643199	0,7423844
B7-H4	-0,03884	0,068568	-0,70454	0,504849	0,6053288
PI3K-p110-	-0,04162	0,080436	-0,76123	0,472466	0,5748723

PAK1	-0,0136	-0,004866	-0,04448	0,965322	0,9812126
Rab11	-0,01981	-0,035245	-0,1721	0,866507	0,9030688
P-Cadherin	-0,02388	0,057863	-0,30645	0,765022	0,8075234
GCLM	-0,02593	0,020193	-0,50009	0,626924	0,713596
p70-S6K1	-0,02627	0,111673	-0,21259	0,835559	0,8745042
MMP2	-0,02702	0,049248	-0,55704	0,588724	0,686168
YAP	-0,02796	-0,037328	-0,37465	0,715085	0,7746759
JNK2	-0,03743	0,004678	-0,38679	0,706336	0,7685687
Atg7	-0,04046	-0,075657	-0,30686	0,764719	0,8075234
Chk1_pS29	-0,04384	-0,021965	-0,73728	0,476481	0,5914106
Hexokinase	-0,0487	-0,050583	-0,80062	0,440407	0,521855
Ets-1	-0,04892	0,060662	-0,97684	0,349774	0,4746931
Creb	-0,05367	0,035296	-1,02208	0,328831	0,4487363
Cox2	-0,05874	0,957895	-0,08284	0,935477	0,9548053
PKA-a	-0,05969	-0,157512	-0,4941	0,631013	0,7149549
FAK_pY397	-0,06338	0,253015	-0,15167	0,882213	0,9143541
PMS2	-0,07143	0,147057	-0,59999	0,560745	0,6626989
N-Cadherin	-0,07154	-0,080749	-0,47941	0,641096	0,7230625
Smad1	-0,07287	0,032616	-0,65233	0,527671	0,6357796
CD20	-0,08026	-0,042893	-1,05163	0,315664	0,4355815
NF-kB-p65	-0,08295	0,032383	-0,56537	0,583242	0,6860037
mTOR_pS2	-0,08552	-0,128678	-0,52021	0,61329	0,7078633
Sfhn11	-0,08637	-0,078558	-0,96595	0,354957	0,4751501
GATA6	-0,08797	-0,225422	-0,96402	0,355882	0,4751501
Rab25	-0,08902	-0,114058	-1,14255	0,277638	0,4057239
Jak2	-0,09052	-0,008305	-1,16934	0,267136	0,3974848
IRF-1	-0,09924	0,056109	-1,47526	0,168358	0,2794674
D-a-Tubulin	-0,10018	-0,031204	-1,40656	0,187348	0,3004864
eEF2	-0,10324	0,116836	-0,63082	0,541127	0,6456925
Tuberin_p1	-0,10398	-0,006469	-1,31947	0,213982	0,3324126
ATM_pS19	-0,10456	-0,039159	-2,17966	0,052048	0,1137689
Raptor	-0,10909	0,047014	-1,25124	0,236964	0,3590808
c-Abl	-0,10954	-0,067083	-1,96493	0,075347	0,1465416
ZAP-70	-0,10962	0,048859	-1,13442	0,280886	0,4057239
Cdc2_pY15	-0,11392	0,128145	-1,08775	0,300112	0,4211795
MERIT40_r	-0,11948	-0,039726	-1,17769	0,263926	0,3950895
OCT4	-0,12349	0,032758	-2,62763	0,023618	0,0583365
eIF4E_pS2C	-0,12707	0,046931	-2,2271	0,047917	0,106625
XPF	-0,13373	-0,090681	-2,36272	0,037769	0,0855867
COG3	-0,13669	-0,269422	-0,82924	0,424707	0,5396982
TFAM	-0,13704	0,118415	-0,8328	0,422781	0,5396982
cdc25C	-0,13826	0,142199	-0,92531	0,374784	0,4872195
BRD4	-0,1446	-0,06714	-2,08815	0,060995	0,1289559
PI3K-p110	-0,14952	-0,016923	-3,41611	0,005814	0,0231627
FoxM1	-0,15471	-0,076849	-1,74971	0,108152	0,1964232
C-Raf	-0,15709	-0,011436	-1,46843	0,170171	0,2802145
PKC-delta	-0,15902	-0,050856	-3,52424	0,004808	0,01947
14-3-3_beta	-0,17231	-0,020808	-2,84679	0,01598	0,0448519
B7-H4	-0,17286	-0,049555	-2,91179	0,01423	0,0413515
RIP	-0,17423	-0,038769	-0,94825	0,363495	0,4775705
MEK1	-0,1799	0,170994	-1,37431	0,196868	0,3117081
DUSP4	-0,18444	0,128881	-1,47938	0,167273	0,2794674
INPP4b	-0,19089	-0,024663	-3,62402	0,004039	0,0178147
p44-42-MA	-0,19152	-0,17336	-1,28421	0,225621	0,3461398
SHP-2_pY5	-0,19254	-0,09438	-2,0873	0,061084	0,1289559
CD4	-0,20334	0,03085	-2,55706	0,026776	0,063593
CD134	-0,20466	0,02215	-2,95002	0,013292	0,0393039
MYH11	-0,20505	-0,080303	-1,09766	0,295948	0,4188231
DM-Histon	-0,21518	0,048536	-2,76747	0,018408	0,0505211
ER-alpha	-0,21616	0,056836	-3,38394	0,006153	0,0240053
MIF	-0,21648	-0,062072	-2,56651	0,02633	0,0631408
G6PD	-0,21778	-0,142741	-1,51267	0,158728	0,2703856
A-Raf	-0,21779	0,051285	-1,71144	0,115192	0,2061771
Wee1	-0,21884	0,105018	-1,02382	0,328047	0,4487363
PD-L1	-0,21999	-0,036177	-4,263	0,001355	0,0089284
IGFBP2	-0,2265	-0,005399	-1,78229	0,102466	0,1888741
Beclin	-0,23185	0,016681	-3,53411	0,004726	0,01947
FoxO3a	-0,23736	-6,74E-04	-2,86391	0,015499	0,044098
XBP1	-0,24793	0,016132	-4,894	4,85E-04	0,0049924

cdc25C	-0,04292	0,229565	-0,47012	0,65319	0,7430087
ATM_pS19	-0,04503	0,019368	-0,75503	0,475937	0,5762568
N-Cadherin	-0,05146	-0,053096	-0,97553	0,363205	0,4600599
ZAP-70	-0,05551	0,105245	-0,78236	0,460763	0,5634078
MSH6	-0,05754	-0,095416	-0,59024	0,574397	0,6779627
beta-Caten	-0,05824	0,037597	-0,58706	0,576405	0,6779627
Cyclin_D1	-0,0589	-0,140117	-0,90985	0,394464	0,4920839
Glutamate	-0,05912	-0,161659	-1,01008	0,347548	0,444789
Chk1_pS29	-0,06366	-0,024299	-0,88828	0,405158	0,5018846
JNK2	-0,0644	-0,003338	-1,11781	0,302133	0,3990735
Raptor	-0,07018	0,094162	-1,1847	0,276466	0,3711125
CD134	-0,07033	0,1474	-1,07888	0,317957	0,413344
DM-Histon	-0,07749	0,178097	-1,21892	0,264059	0,3603457
Tuberin_p1	-0,08047	0,030326	-1,523	0,173486	0,2628894
GCLM	-0,08184	-0,007694	-1,31115	0,232966	0,3288146
Creb	-0,08273	0,029571	-1,46449	0,188359	0,2819681
Jagged1	-0,08358	-0,255073	-1,56374	0,163774	0,2498952
OCT4	-0,08438	0,083166	-1,61517	0,152237	0,2379901
MSI2	-0,08455	0,189506	-1,42272	0,199681	0,2918411
p27-Kip-1	-0,08616	-0,17866	-1,44399	0,19384	0,2864007
HER3	-0,08715	-0,144546	-1,5632	0,163899	0,2498952
IGFBP2	-0,08762	0,127348	-0,93491	0,382307	0,4793395
Sfhn11	-0,09708	-0,066141	-1,05563	0,327722	0,4216005
c-Jun_pS73	-0,09713	-0,261039	-1,35224	0,220177	0,3143565
Rictor	-0,10149	-0,15851	-1,69216	0,136386	0,2173371
BRD4	-0,10243	-0,010294	-1,44056	0,194772	0,2864007
TFRC	-0,10351	0,423692	-0,59613	0,570677	0,6776791
PKC-delta	-0,10618	0,01554	-1,94196	0,095138	0,1631877
PMS2	-0,1069	0,14136	-1,28062	0,242886	0,3389432
Jak2	-0,10903	3,33E-04	-1,77367	0,12132	0,2011138
p70S6K_pT	-0,10932	0,066268	-0,88584	0,406384	0,5018846
Smad3	-0,11093	-0,04749	-1,06217	0,324952	0,4202255
GCN5L2	-0,11127	-0,141842	-1,10175	0,30858	0,4054211
SHP-2_pY5	-0,11372	-0,005081	-1,81284	0,114661	0,1916666
CD4	-0,11859	0,126065	-1,40431	0,204861	0,2976512
Ets-1	-0,11913	0,029213	-2,19915	0,065532	0,1181149
AMPK-a2_i	-0,11918	-0,25196	-1,38655	0,209974	0,3032958
D-a-Tubulin	-0,12001	-0,021247	-1,47906	0,18455	0,2779508
PTEN	-0,1206	0,391667	-2,1152	0,07401	0,1315135
Cdc2_pY15	-0,12447	0,146667	-2,01365	0,08575	0,1502142
53BP1	-0,12579	-0,537412	-0,87951	0,409567	0,503299
MMP2	-0,12896	-0,006025	-2,28913	0,057534	0,1052666
TAZ	-0,13101	-0,016504	-1,67688	0,139403	0,2270208
PAK4	-0,13335	-0,206457	-2,56304	0,038818	0,0767051
Rad51	-0,14224	0,123587	-2,51801	0,041397	0,0798835
Granzyme-	-0,14226	0,287889	-1,94506	0,094712	0,1631877
C-Raf	-0,1492	0,027571	-2,73584	0,03038	0,0635929
VEGFR-2	-0,15015	-0,258649	-2,51138	0,041792	0,0800201
PD-L1	-0,15136	0,053002	-2,54202	0,04	0,0777962
VASP	-0,15443	-0,79474	-1,73271	0,128679	0,2102227
Glutaminsae	-0,16944	0,03487	-2,42971	0,046984	0,0885875
14-3-3_beta	-0,17243	0,016716	-2,63356	0,035111	0,0705078
XBP1	-0,17389	0,114646	-2,80976	0,027382	0,0583048
IRF-1	-0,17441	0,032658	-2,67768	0,032982	0,0678885
MYH11	-0,17671	-0,018565	-3,17057	0,016645	0,0387865
INPP4b	-0,18093	0,022965	-3,00863	0,02077	0,046217
FoxO3a	-0,18691	0,081383	-3,20605	0,015864	0,0373192
Axl	-0,18778	0,175097	-3,47248	0,011124	0,0283261
P-Cadherin	-0,19236	-0,038015	-3,31283	0,013744	0,0332818
Wee1_pS6	-0,19312	0,054334	-3,72218	0,008052	0,0228591
eEF2K	-0,19548	-0,047663	-1,28135	0,242646	0,3389432
PEA15	-0,19758	-0,070949	-1,24298	0,255622	0,354712
EGFR	-0,19836	-0,358619	-1,20859	0,267753	0,363379
Atg3	-0,19938	0,20625	-2,87195	0,025102	0,0543879
Claudin-7	-0,20193	-0,300118	-3,44577	0,011522	0,0290396
PEA15_pS1	-0,20226	-0,212926	-1,44046	0,194799	0,2864007
Smad1	-0,20614	-0,031447	-3,39845	0,012265	0,030293
Beclin	-0,20638	0,082546	-3,28545	0,014257	0,0341886
AR	-0,20926	0,202032	-4,06792	0,005227	0,0161384

PDHK1	-0,24969	-0,141532	-4,83918	5,29E-04	0,0052289
PR	-0,25538	0,031221	-4,62549	7,46E-04	0,0063553
Sox2	-0,27523	0,266721	-1,20916	0,252109	0,3797007
TTF1	-0,27763	0,059937	-4,58585	7,96E-04	0,0065523
Collagen_V	-0,28817	-0,072339	-3,15669	0,009201	0,0304905
Gys_pS641	-0,29197	-0,221008	-4,19661	0,001515	0,0093546
TFRC	-0,29611	0,24353	-1,45362	0,174154	0,2848743
MSI2	-0,32677	-0,02712	-5,08369	3,60E-04	0,004157
B-Raf_pS44	-0,33541	-0,001932	-2,50787	0,029219	0,0680857
SDHA	-0,34936	-0,159111	-4,4032	0,001074	0,0079908
Stat3_pY7C	-0,35056	-0,137707	-3,70164	0,003529	0,0164203
Pdcd4	-0,35882	-0,201283	-2,09119	0,060675	0,1289559
HSP27_pS8	-0,36439	0,019929	-2,68632	0,021274	0,0547365
AR	-0,36478	0,029133	-3,98232	0,002177	0,0122401
Fibronectin	-0,36594	-0,081243	-0,67256	0,515194	0,6254047
Glutaminas	-0,38097	-0,175164	-1,99715	0,071316	0,1432118
ATM	-0,3847	0,220743	-2,75482	0,018829	0,0511061
SOD2	-0,39075	-0,00217	-5,75394	1,31E-04	0,0021542
p70S6K_pT	-0,39572	-0,191915	-2,10826	0,058912	0,1276423
B-Raf	-0,39896	-0,012151	-3,33268	0,006736	0,0241119
ULK1_pS75	-0,42069	-0,005227	-4,72419	6,36E-04	0,0060253
LDHA	-0,44425	-0,041709	-2,82167	0,016712	0,0463804
Cyclin_B1	-0,44665	0,056019	-4,26203	0,001358	0,0089284
Gys	-0,46584	-0,262499	-6,48289	4,67E-05	9,61E-04
Axl	-0,48951	-0,112747	-5,70622	1,40E-04	0,0021659
Cox-IV	-0,51711	-0,001632	-4,23952	0,00141	0,0089284
Mcl-1	-0,5315	-0,056949	-2,00174	0,070759	0,1432118
Myosin-IIa	-0,56759	-0,042934	-3,00941	0,011957	0,0364621
Atg3	-0,5694	-0,139995	-7,22159	1,77E-05	4,90E-04
PLK1	-0,58795	-0,05959	-3,76235	0,003177	0,0153978
PI3K-p85	-0,63576	0,037165	-9,3692	1,48E-06	1,22E-04
TRIM25	-0,65172	-0,111768	-3,25323	0,007752	0,0269689
Granzyme-	-0,67573	-0,179623	-7,87182	7,92E-06	3,26E-04
S6_pS240	-0,68602	-0,198127	-1,49949	0,162064	0,2741772
PTEN	-0,731	-0,134067	-4,24212	0,001404	0,0089284
PKC-alpha	-0,73215	-0,187465	-3,91269	0,002452	0,0131676
AMPK_pT1	-0,78377	-0,133669	-3,97227	0,002215	0,0122401
S6_pS235	-0,80664	-0,269325	-1,32602	0,211876	0,3312243
Stat3	-0,89634	-0,433704	-3,59133	0,004276	0,0185294
PAR	-0,90248	1,00175	-1,54287	0,151303	0,2631822
Heregulin	-0,93558	-0,049425	-5,06575	3,70E-04	0,004157
STAT5-alpha	-0,95745	-0,111603	-6,36315	5,50E-05	0,0010269
PDGFR-b	-2,77677	-1,172098	-30,5446	6,21E-12	1,53E-09

PREX1	-0,2105	0,01283	-2,29758	0,056836	0,1047657
Rab11	-0,22434	-0,153641	-2,10942	0,074633	0,1316734
MIF	-0,23139	-0,023785	-4,21668	0,004365	0,0141847
eIF4E_pS2C	-0,23782	0,008209	-4,27932	0,004049	0,0133362
ULK1_pS75	-0,24075	0,194529	-3,39095	0,012387	0,030293
RPA32_pS4	-0,24076	-0,363868	-2,55644	0,039186	0,0768163
p70-S6K1	-0,24881	-0,016118	-3,88946	0,006518	0,0196337
SOD2	-0,25126	0,166774	-4,31333	0,003889	0,0131586
RBM15	-0,25367	0,095418	-4,00354	0,005657	0,0172507
ER-alpha	-0,2694	0,072059	-4,38667	0,003566	0,0127663
B-Raf_pS44	-0,27987	0,104569	-3,51451	0,010528	0,0273731
A-Raf	-0,29433	0,052879	-4,72652	0,002412	0,0099295
HSP70	-0,29789	-0,329619	-2,71675	0,03121	0,0647802
Cyclin_B1	-0,30724	0,237113	-4,47017	0,003235	0,0122912
ATM	-0,31496	0,346519	-2,63756	0,034912	0,0705078
TTF1	-0,31568	0,097674	-5,23531	0,001385	0,0065509
b-Actin	-0,33762	-0,255878	-4,66094	0,002598	0,0104183
Cox-IV	-0,37275	0,197812	-4,62509	0,002706	0,0106087
eEF2	-0,37502	-0,023708	-3,48264	0,010977	0,028242
B-Raf	-0,39284	0,078568	-7,40208	1,85E-04	0,0013065
PLK1	-0,40314	0,179577	-5,07954	0,001635	0,0073431
PI3K-p85	-0,41028	0,311163	-5,98445	6,51E-04	0,0034941
c-Myc	-0,41846	-0,261359	-4,65506	0,002615	0,0104183
ARID1A	-0,42873	-0,318287	-4,87571	0,002042	0,0085497
HSP27_pS8	-0,45719	0,043754	-4,29815	0,00396	0,0132169
DUSP4	-0,46174	0,002738	-8,67448	7,00E-05	6,40E-04
Rad50	-0,49539	-0,364531	-4,59453	0,002802	0,0108141
Merlin	-0,4973	-0,364996	-4,13384	0,004824	0,0152748
Myosin-IIa	-0,51024	0,115317	-3,59979	0,009423	0,0255765
TRIM25	-0,51024	0,115317	-3,59979	0,009423	0,0255765
NF-kB-p65	-0,51796	-0,210527	-8,6935	6,90E-05	6,40E-04
FAK_pY397	-0,54151	-0,02003	-7,45072	1,78E-04	0,0013065
Connexin-4	-0,54986	-0,005134	-6,74757	3,22E-04	0,0019426
IRS1	-0,56784	-0,091901	-9,31209	4,49E-05	4,52E-04
Sox2	-0,57945	0,144242	-7,32754	1,97E-04	0,0013138
Gab2	-0,60218	-0,972387	-9,2849	4,58E-05	4,52E-04
PKC-alpha	-0,71892	-0,019783	-12,4502	7,07E-06	1,03E-04
p16_INK4a	-0,93593	-1,065797	-14,4963	2,63E-06	4,65E-05
Heregulin	-1,02453	0,101335	-18,0143	6,35E-07	1,57E-05
PDGFR-b	-1,08412	0,449338	-19,4359	3,85E-07	1,06E-05
E-Cadherin	-1,36551	-1,085202	-4,44167	0,003344	0,0124122
Cox2	-2,24692	-0,342198	-34,5506	8,46E-09	9,01E-07
PAR	-2,5017	0,239122	-25,1183	7,06E-08	2,90E-06

Subtype A vs. MGT7

Protein	logFC	AveExpr	t	P.Value	adj.P.Val
E-Cadherin	4,077979	1,851072	13,59682	3,49E-08	1,73E-06
P-Met_pY1	3,905679	-0,561518	8,062376	6,39E-06	8,49E-05
RSK	2,093323	-0,522712	17,44287	2,58E-09	2,12E-07
CDK1	2,055225	-0,044656	6,337862	5,75E-05	3,23E-04
ARID1A	1,990081	0,479544	5,962624	9,74E-05	4,63E-04
Claudin-7	1,973089	1,311605	7,625586	1,08E-05	1,03E-04
Rb_pS807_	1,75058	-0,113102	5,758942	1,31E-04	5,87E-04
Cox2	1,715259	0,635351	2,416961	0,034359	0,0606194
Bim	1,640005	0,183023	4,214912	0,001475	0,0044977
ACC_pS79	1,626265	-0,122915	4,328442	0,001221	0,0039119
Connexin-4	1,604578	0,22003	6,424789	5,10E-05	3,02E-04
Rad50	1,484122	0,301541	7,84141	8,30E-06	8,92E-05
FASN	1,27253	-0,140903	10,44204	5,14E-07	1,50E-05
ACC1	1,219935	0,109605	6,171473	7,24E-05	0,000389
PAR	1,188793	0,62152	2,029457	0,067524	0,1030536
53BP1	1,147778	0,719624	3,536219	0,004722	0,01178
GCN5L2	1,090841	0,203806	9,041021	2,13E-06	4,04E-05
4E-BP1_pS1	1,053014	0,270633	8,000785	6,87E-06	8,49E-05
Src_pY416	0,971179	-0,178759	4,825654	5,44E-04	0,0019745
IRS1	0,9708	0,188377	2,63659	0,023276	0,0438869
p90RSK_pT	0,943846	-0,085843	8,897744	2,49E-06	4,39E-05
ATM	0,881887	-0,009546	6,501237	4,59E-05	2,91E-04
PARP	0,817498	0,237528	7,295409	1,62E-05	1,29E-04
Akt_pS473	0,808969	-0,222421	3,568563	0,004462	0,0114804
Notch1	0,793386	-0,282907	3,537211	0,004713	0,01178
c-Jun_pS73	0,789696	0,239301	6,09568	8,06E-05	4,06E-04
beta-Caten	0,750219	0,225981	4,315244	0,001248	0,0039119
c-Myc	0,71508	0,21677	7,349606	1,52E-05	1,25E-04
C-Raf_pS33	0,619967	0,059052	4,13766	0,001679	0,0050585
PAK1	0,590111	-0,114631	1,930564	0,079928	0,1189295
RPA32_pS4	0,583537	-0,063773	6,43274	5,04E-05	3,02E-04
PI3K-p85	0,578939	-0,183689	8,546006	3,67E-06	5,90E-05
HES1	0,575656	0,231788	1,256218	0,23527	0,3026657
eIF4E	0,550199	-0,025588	6,108774	7,91E-05	4,06E-04
Cdc2_pY15	0,5306	0,01096	4,900449	4,83E-04	0,0018066
Bid	0,520625	0,129638	3,549615	0,004612	0,0117445
RBM15	0,504069	0,490142	0,941461	0,366848	0,4441738
Src_pY527	0,495044	0,037893	2,216448	0,048859	0,0807804
HER3	0,484719	0,504228	2,581701	0,025662	0,0473706
eEF2	0,478251	0,01111	2,996859	0,01225	0,0254274
AMPK_alph	0,444753	-0,170229	4,313517	0,001251	0,0039119
Smad3	0,437212	0,147645	5,818215	1,20E-04	5,59E-04
Akt_pT308	0,433648	-0,06235	1,968314	0,074962	0,1129002
PKC-b-II_pS	0,427428	-0,185356	3,442722	0,005562	0,0134699
Caspase-3	0,427404	0,154166	5,252264	2,79E-04	0,0011333
Bcl-xL	0,420292	0,182625	3,147138	0,009378	0,020498
c-Kit	0,411685	0,198267	5,25049	2,80E-04	0,0011333
Wee1_pS6	0,40153	0,142258	4,645249	7,26E-04	0,0023914
Paxillin	0,385944	-0,017222	6,852062	2,87E-05	2,07E-04
Histone-H3	0,366995	0,057748	2,099147	0,059892	0,0954415
Shc_pY317	0,365979	-0,208821	3,786027	0,003059	0,0084894
HSP70	0,360941	0,055002	4,667178	7,01E-04	0,0023714
14-3-3_zeta	0,354151	-0,00447	3,090472	0,010371	0,0222748
FAK	0,34764	-0,018272	3,843346	0,002771	0,0077789
PRAS40_pT	0,342914	-0,107622	1,167702	0,267813	0,3392298
VASP	0,3403	-0,031485	1,781609	0,102633	0,1491199
Lck	0,333933	0,086966	2,531525	0,028053	0,0504822
XRCC1	0,333274	-0,004986	3,395825	0,006041	0,0142101
Sox2	0,332648	0,156197	1,460706	0,172288	0,2325423
DM-K9-His1	0,311906	-0,030843	4,64969	7,21E-04	0,0023914
Caspase-7	0,31119	-0,113361	2,543016	0,027486	0,0499203
Chk2_pT68	0,310569	-0,020476	3,082131	0,010526	0,0224127
Myt1	0,30976	-0,038003	3,199444	0,008547	0,019191
Merlin	0,309137	0,081024	1,768057	0,104967	0,1516185
DJ-1	0,298587	0,133255	3,448291	0,005508	0,0134699
WIPI1	0,293815	0,245293	1,298115	0,221019	0,288845

subtype B vs. MGT 7

Protein	logFC	AveExpr	t	P.Value	adj.P.Val
P-Met_pY1	4,697158	-0,938778	74,92326	1,46E-10	3,62E-08
RSK	2,683463	-0,625353	54,86156	1,05E-09	1,29E-07
Notch1	2,347481	0,476448	45,8311	3,26E-09	2,03E-07
Rb_pS807_	2,18387	-0,235072	39,93065	7,76E-09	3,83E-07
ACC_pS79	2,067445	-0,213028	23,94125	1,93E-07	4,51E-06
CDK1	1,97376	-0,541948	38,45157	9,84E-09	4,05E-07
Fibronectin	1,530955	1,205599	9,730992	4,91E-05	2,53E-04
Akt_pS473	1,368307	-0,06332	13,46006	6,88E-06	6,30E-05
Bim	1,28209	-0,389545	24,19337	1,81E-07	4,51E-06
FASN	1,22342	-0,448012	14,95374	3,60E-06	3,58E-05
HES1	1,220882	0,493327	21,1277	4,21E-07	6,94E-06
ACC1	1,207576	-0,163979	21,16275	4,17E-07	6,94E-06
Src_pY416	1,029589	-0,355606	18,66111	9,13E-07	1,11E-05
PKA-a	0,985279	0,443107	19,2266	7,59E-07	1,04E-05
ATM	0,951623	-0,160116	8,725685	9,39E-05	4,37E-04
p90RSK_pT	0,890456	-0,323807	10,28256	3,53E-05	2,03E-04
Connexin-4	0,867729	-0,57217	10,61205	2,92E-05	1,76E-04
Pdcd4	0,811065	0,126594	11,36853	1,93E-05	1,22E-04
PI3K-p85	0,804418	-0,174715	12,15262	1,29E-05	9,34E-05
Akt_pT308	0,800977	0,063433	9,42914	5,93E-05	2,93E-04
STAT5-alpha	0,729843	0,553266	12,95944	8,68E-06	6,70E-05
IGFRb	0,673653	0,876255	13,66633	6,27E-06	5,96E-05
ARID1A	0,658924	-0,75335	7,53846	2,20E-04	8,26E-04
LRP6_pS14	0,641061	0,293243	11,98267	1,40E-05	9,88E-05
Shc_pY317	0,607148	-0,143969	9,197737	6,87E-05	3,33E-04
PAK1	0,585795	-0,245972	11,11462	2,21E-05	1,36E-04
AMPK_alph	0,582495	-0,184621	10,14781	3,82E-05	2,15E-04
XRCC1	0,525977	0,037921	6,388376	5,63E-04	0,0018298
Cdc2_pY15	0,520045	-0,11114	7,186166	2,90E-04	0,0010225
Wee1	0,506484	0,139087	8,132213	1,42E-04	6,15E-04
GCN5L2	0,502351	-0,38729	5,969369	8,19E-04	0,0023802
Mcl-1	0,499886	0,347536	7,515356	2,24E-04	8,26E-04
4E-BP1_pS1	0,495256	-0,29377	8,153183	1,40E-04	6,15E-04
AMPK_pT1	0,486715	0,997887	4,799688	0,002606	0,0060716
Bid	0,484994	-0,00533	3,802381	0,00811	0,0147343
PRAS40_pT	0,479974	-0,100203	8,915874	8,26E-05	3,93E-04
RIP	0,462285	0,106685	1,844754	0,112134	0,1465453
Caspase-7	0,449403	-0,098329	8,343125	1,22E-04	5,59E-04
PTEN	0,448663	0,163963	9,436692	5,90E-05	2,93E-04
PKC-b-II_pS	0,433918	-0,274718	6,139734	7,02E-04	0,0021397
Tuberin	0,409148	0,22117	4,123747	0,005535	0,0110677
Bad_pS112	0,405622	-0,121011	5,186137	0,001744	0,0045816
beta-Caten	0,402134	-0,146554	6,042147	7,66E-04	0,0023086
Paxillin	0,39243	-0,097537	7,902622	1,68E-04	6,86E-04
mTOR	0,387562	-0,066634	7,952201	1,62E-04	6,77E-04
PARP	0,373534	-0,207213	3,540071	0,011208	0,0197741
Chk2_pT68	0,368514	-0,05347	5,439334	0,001355	0,0035975
eIF4E	0,350416	-0,265501	6,760994	4,10E-04	0,0013834
Rad50	0,350054	-0,702708	3,519606	0,0115	0,0201447
Myt1	0,325818	-0,095952	5,030162	0,002046	0,0050525
HER2_pY12	0,319297	0,094711	4,232412	0,004881	0,0101314
WIPI1	0,294558	0,181634	3,502838	0,011745	0,0204291
IRS1	0,286879	-0,433787	3,969903	0,006632	0,0130014
STING	0,27701	0,433335	2,789512	0,029918	0,0461539
14-3-3_zeta	0,271302	-0,131449	5,086183	0,001931	0,0049116
Stathmin	0,267642	-0,142018	4,610754	0,003195	0,0072399
COG3	0,26554	0,083359	3,802082	0,008113	0,0147343
Bak	0,250272	-0,090717	3,83869	0,007761	0,0143458
YB1_pS102	0,248613	-0,039595	3,901744	0,007194	0,0135278
Raptor	0,247552	-0,032933	4,238046	0,00485	0,0101314
SDHA	0,245534	0,121946	3,433324	0,012824	0,0216948
Caspase-3	0,238695	-0,052312	3,961999	0,006695	0,0130208
FAK	0,23667	-0,160703	2,734696	0,032237	0,0485526
DM-K9-His1	0,231501	-0,147139	3,087097	0,020079	0,0324157
C-Raf	0,225082	-0,122143	4,418151	0,003954	0,0085667
IGFBP2	0,218739	0,004805	1,89843	0,103935	0,1372836

PAICS	0,290497	0,348264	1,187647	0,260186	0,3312678
Bak	0,263146	-0,025579	3,326898	0,006821	0,0157461
DUSP4	0,259141	0,04823	2,047837	0,065427	0,1010029
Bad_pS112	0,25529	-0,15551	3,110719	0,010004	0,021676
HER2_pY12	0,252006	0,109319	1,324687	0,212352	0,2813903
p38_pT180	0,244549	0,152977	3,217093	0,008283	0,0187706
p27_pT198	0,242723	0,08116	2,729391	0,019731	0,0386796
Rictor	0,231252	0,003434	2,248235	0,04622	0,077663
Wee1	0,230033	0,023405	1,07217	0,306787	0,3827096
mTOR	0,227446	-0,113079	2,147609	0,055074	0,0883326
EGFR_pY11	0,222039	-0,020761	4,315428	0,001247	0,0039119
C-Raf	0,217194	-0,079488	2,02889	0,06759	0,1030536
Stathmin	0,215478	-0,126303	2,337273	0,039539	0,0682952
Elk1_pS38	0,212288	-0,025692	3,610465	0,004147	0,0107835
ATR_pS42E	0,211757	0,022845	3,414579	0,005845	0,0138809
TUFM	0,210513	0,137065	2,61265	0,024288	0,0454489
Raptor	0,208643	-0,010756	2,375235	0,036984	0,0647868
ER-alpha_p	0,208631	0,195351	2,953036	0,013245	0,0270372
Bax	0,196227	0,010879	0,440265	0,66834	0,7219861
MEK1_pS2	0,195554	0,025863	3,328584	0,006801	0,0157461
Chk1_pS29	0,18635	-0,063817	2,978386	0,01266	0,0260589
A-Raf	0,185335	-0,02201	1,464524	0,171263	0,2324288
b-Actin	0,169691	0,160934	1,054955	0,314248	0,3900466
Tyro3	0,168276	-0,014282	3,054048	0,011065	0,0233592
TAZ	0,155878	0,184933	1,815747	0,096962	0,1425579
GCLM	0,150735	-0,011929	3,187728	0,008726	0,0194173
EGFR	0,147047	-0,047453	1,591412	0,140054	0,1943441
NAPSIN-A	0,146958	-0,080924	1,935652	0,079242	0,1186224
UBAC1	0,143835	-0,04358	1,511115	0,159169	0,2172084
NF-kB-p65	0,138268	-0,007839	0,931245	0,371876	0,4480651
eIF4G	0,133138	0,068523	1,787907	0,101565	0,1484409
PDK1	0,131864	-0,009512	2,086559	0,061208	0,0959359
YB1_pS102	0,130538	-0,081959	1,322557	0,213036	0,2813903
MSH6	0,117776	0,164421	0,748335	0,470083	0,5425722
AMPK-a2_f	0,116284	-0,086014	1,096294	0,296559	0,3737254
Notch3	0,116038	0,05209	2,258598	0,04539	0,0767905
eIF4E_pS2C	0,113283	0,00323	1,683749	0,12059	0,1708614
RIP	0,100239	-0,088672	0,438797	0,669372	0,7219861
p16_INK4a	0,100033	0,299067	0,373217	0,716137	0,7657393
PI3K-p110-	0,09905	-0,062117	2,304663	0,04187	0,0718194
Pdcd4	0,093523	-0,283527	0,544331	0,597163	0,658033
p27-Kip-1	0,092997	-0,05325	1,861886	0,089752	0,1327472
Tuberin	0,092488	0,051353	0,816781	0,431528	0,5075587
XPF	0,08906	-0,131189	1,587525	0,14093	0,1944682
Aurora-B	0,087973	-0,024936	0,885671	0,394897	0,4689401
Rab11	0,085186	-0,054335	0,738243	0,475947	0,5467861
FOXO3a_p1	0,083044	-0,073689	1,614393	0,134967	0,1883432
YAP	0,081174	-0,057171	1,089494	0,299416	0,3754096
IGFBP2	0,079857	-0,061101	0,593631	0,564863	0,6341875
PEA15_pS1	0,070285	-0,002652	0,382432	0,709486	0,7619261
Ets-1	0,06179	0,040532	1,220786	0,247895	0,3172537
p53	0,06094	0,003464	0,455481	0,657695	0,7156414
MDM2_pS:	0,05173	-0,168872	0,477976	0,642101	0,7017648
4E-BP1	0,050315	0,164505	0,250601	0,80678	0,8408209
Cyclin_D1	0,045221	0,016667	0,563676	0,584375	0,6472668
TIGAR	0,039477	0,060019	0,334432	0,744394	0,7824057
D-a-Tubulin	0,037758	-0,056284	0,627801	0,543051	0,6152922
AR	0,018574	-0,040568	0,197774	0,846858	0,8727302
JNK2	0,011897	-0,004291	0,121746	0,905314	0,9240183
clAP	0,002476	-0,046568	0,050399	0,960715	0,96587
b-Catenin_	2,89E-05	0,070485	3,62E-04	0,999718	0,9997176
Akt	-0,00926	-0,07518	-0,0488	0,96196	0,96587
mTOR_pS2	-0,01366	-0,141743	-0,08319	0,935205	0,9467033
PKA-a	-0,0203	-0,164673	-0,16907	0,868835	0,8904658
PLC-gamma:	-0,02153	0,030147	-0,33716	0,742393	0,7824057
Sf1n11	-0,02255	-0,09016	-0,25396	0,804249	0,8408209
c-Abl	-0,03094	-0,081375	-0,58467	0,570663	0,6377998
U-Histone-	-0,03409	-0,00702	-0,3345	0,744342	0,7824057
MSI2	-0,03581	-0,080021	-0,57022	0,580082	0,645407

Tyro3	0,216841	-0,021857	4,213207	0,00499	0,0102712
Lck	0,214116	-0,057782	2,749367	0,031598	0,0478822
PI3K-p110-	0,206945	-0,018991	4,176665	0,005205	0,0105379
XPF	0,206908	-0,079911	4,263259	0,004712	0,0100325
eEF2	0,20647	-0,256304	2,235929	0,064486	0,0899894
MSI2	0,206411	0,073123	3,944605	0,006835	0,0130871
IGF1R_pY1	0,203077	0,268704	3,15669	0,018323	0,0301385
p21	0,196038	-0,030453	3,725141	0,008911	0,0159489
UBAC1	0,191785	-0,046192	3,92717	0,006979	0,0132594
EGFR_pY11	0,189005	-0,087553	3,705302	0,00913	0,0162243
mTOR_pS2	0,186438	-0,018703	2,700916	0,033761	0,0502354
Histone-H3	0,184841	-0,131616	1,711879	0,135249	0,1695762
AR	0,174091	0,04869	3,060825	0,020789	0,0333433
ATR_pS42E	0,169321	-0,048818	2,39691	0,051438	0,0734402
Chk1_pS29	0,166521	-0,116373	2,190569	0,068747	0,0953957
Elk1_pS38:	0,164145	-0,100894	3,258162	0,016054	0,0267929
Wee1_pS6	0,163351	-0,088256	1,790287	0,121102	0,1557927
SLC1A5	0,161474	0,51657	2,657443	0,035836	0,0526878
MAPK_pT2	0,155805	0,083148	1,900907	0,103572	0,1372836
c-Kit	0,15214	-0,047281	1,584196	0,161743	0,1997521
GATA6	0,150994	0,039006	3,044622	0,02124	0,0338469
FOXO3a_p:	0,140839	-0,05713	2,660797	0,035671	0,0526878
S6_pS240_	0,12355	0,445644	1,144789	0,293792	0,3406887
YAP	0,122936	-0,049824	2,363145	0,053928	0,0765528
Bax	0,122129	-0,076393	2,416638	0,050038	0,0718576
p27_pT198	0,121086	-0,04478	2,287947	0,059933	0,0841099
c-Abl	0,118939	0,015301	2,172045	0,070568	0,0973764
Smad3	0,11821	-0,139148	0,958144	0,373195	0,4267554
A-Raf	0,108797	-0,10837	1,961889	0,095005	0,1275342
c-Jun_pS73	0,106923	-0,34266	1,761632	0,126097	0,1605466
GCLM	0,094828	-0,078361	1,893753	0,104626	0,1374601
PLC-gamma:	0,093728	0,104	1,902321	0,103365	0,1372836
C-Raf_pS3:	0,08842	-0,395141	1,749967	0,128188	0,1623709
RPA32_pS4	0,08104	-0,492589	0,878326	0,411911	0,4667061
MEK1_pS2	0,071031	-0,091517	1,206356	0,27089	0,3171079
DJ-1	0,060863	-0,074525	0,935965	0,383663	0,4367036
Bcl-xL	0,052279	-0,129883	1,046435	0,333722	0,3833918
U-Histone-	0,037331	0,043273	0,397148	0,704325	0,7531093
Akt	0,032079	-0,04836	0,486619	0,642945	0,6965234
IR-b	0,031783	0,316294	0,225578	0,828649	0,8457697
Aurora-B	0,030001	-0,078913	0,331881	0,750711	0,7919369
Sox2	0,028433	-0,098909	0,367761	0,725056	0,7686211
Src_pY527	0,022202	-0,353822	0,418916	0,689144	0,7400808
D-a-Tubulin	0,017926	-0,076422	0,328062	0,753462	0,7919369
clAP	0,014827	-0,039698	0,238545	0,819006	0,8393962
MDM2_pS:	0,009568	-0,205456	0,088181	0,932461	0,9400729
PKC-delta_	0,009284	-0,030647	0,158939	0,878675	0,8894786
NAPSIN-A	0,003427	-0,199106	0,033002	0,974691	0,9746906
eIF4E_pS2C	0,002538	-0,087934	0,0336	0,974232	0,9746906
Ets-1	-0,00842	-0,015073	-0,16254	0,875957	0,8894786
Rictor	-0,01333	-0,193772	-0,24154	0,816783	0,8393962
JNK2	-0,01507	-0,023068	-0,25977	0,803298	0,8336747
DUSP4	-0,01817	-0,174693	-0,30705	0,768672	0,8044994
p38_pT180	-0,01984	-0,059012	-0,276	0,791352	0,824742
PAICS	-0,02576	0,095129	-0,24407	0,814904	0,8393962
Sf1n11	-0,03327	-0,091667	-0,36891	0,72424	0,7686211
14-3-3_beta	-0,03672	-0,03757	-0,60925	0,563605	0,6159749
p53	-0,04621	-0,07412	-0,70626	0,505217	0,5595896
PDK1	-0,05047	-0,14768	-0,74929	0,480636	0,5371812
TUFM	-0,05267	-0,066776	-0,69002	0,514708	0,5675577
ER-alpha_f	-0,05461	-0,008113	-0,71014	0,502968	0,5595896
c-Myc	-0,06045	-0,404563	-0,68072	0,520194	0,5710574
MERIT40_f	-0,07311	0,13586	-0,5356	0,610552	0,6643448
FoxM1	-0,07797	0,059247	-0,85536	0,42359	0,4777478
Claudin-7	-0,07815	-0,34963	-1,25117	0,255196	0,3001594
Notch3	-0,08199	-0,092046	-1,52618	0,175339	0,2133429
CD20	-0,08368	0,172599	-1,58464	0,161643	0,1997521
RBM15	-0,08377	0,02746	-1,53398	0,173451	0,2120923
p27-Kip-1	-0,08378	-0,179609	-1,35737	0,221134	0,2625964

14-3-3_beta	-0,0366	-0,045484	-0,61735	0,549669	0,6199463
Smad1	-0,0399	0,026621	-0,35583	0,728754	0,775872
Jagged1	-0,04015	0,160316	-0,19628	0,847997	0,8727302
PKC_delta	-0,04355	-0,07185	-0,89381	0,390713	0,4684759
Heregulin	-0,04479	-0,211387	-0,24282	0,812649	0,8433794
MMP2	-0,0474	0,052953	-0,98348	0,346679	0,426019
IRF-1	-0,05491	0,04805	-0,81101	0,434694	0,5088597
STING	-0,06749	0,211912	-0,10141	0,921061	0,9362228
LRP6_pS14	-0,0724	-0,15063	-0,94618	0,36454	0,4441738
MAPK_pT2	-0,1042	-0,095589	-0,54094	0,599423	0,658033
Rad51	-0,12134	0,229754	-0,88946	0,392944	0,4688757
PDK1_pS24	-0,12291	0,169696	-1,70236	0,116972	0,1679774
p70-S6K1	-0,12351	0,129352	-1,00516	0,336594	0,4156942
p21	-0,12913	-0,253731	-1,41581	0,18474	0,246653
Creb	-0,13563	0,050198	-2,6463	0,022878	0,0434674
IGF1R_pY1	-0,14277	0,030049	-2,1569	0,054193	0,0874881
IR-b	-0,15029	0,174263	-0,7185	0,487553	0,5575264
eEF2K	-0,15551	0,19831	-0,71006	0,492563	0,5606592
PTEN	-0,16174	-0,237569	-0,94207	0,366548	0,4441738
TTF1	-0,16512	0,039481	-2,9145	0,014186	0,0284879
OCT4	-0,17705	0,042496	-3,68896	0,003618	0,00961
FoxO3a	-0,1888	-0,009503	-2,29361	0,04269	0,0727205
PEA15	-0,1898	0,194478	-1,43683	0,178817	0,2400428
GATA6	-0,18983	-0,206902	-2,21413	0,049057	0,0807804
Jak2	-0,19383	0,01048	-2,52848	0,028205	0,0504822
ER-alpha	-0,19453	0,052902	-3,15482	0,009251	0,0204008
XBP1	-0,19696	0,006864	-4,28252	0,001317	0,0040676
SDHA	-0,19726	-0,186767	-2,58089	0,025699	0,0473706
PREX1	-0,19958	0,220191	-2,42653	0,033783	0,0600322
Mcl-1	-0,20119	-0,117005	-0,75625	0,465519	0,5398267
JNK_pT183	-0,20163	0,079326	-2,08504	0,061368	0,0959359
FoxM1	-0,21101	-0,066612	-2,36236	0,037832	0,065806
B-Raf_pS44	-0,21397	-0,024011	-1,6566	0,126047	0,176895
COG3	-0,21831	-0,254581	-1,31567	0,215261	0,282817
INPP4b	-0,2184	-0,019661	-3,74148	0,003304	0,0090666
CD134	-0,23267	0,027245	-3,45868	0,005409	0,0133595
MERIT40_f	-0,24118	-0,017598	-2,18225	0,051857	0,0842679
p38_MAPK	-0,24121	0,080272	-1,68139	0,121056	0,1708614
N-Cadherin	-0,25227	-0,047889	-1,68977	0,119409	0,1704862
HER3_pY12	-0,2527	0,035728	-3,6702	0,003738	0,0098224
Glutamate	-0,26454	0,049489	-2,943	0,013484	0,0272993
CD20	-0,28029	-0,006524	-3,7106	0,003485	0,0094595
SLC1A5	-0,28694	0,184915	-1,26037	0,233826	0,3023821
PD-L1	-0,29215	-0,023057	-5,77988	1,27E-04	5,80E-04
ZAP-70	-0,29337	0,082267	-3,03637	0,011418	0,0239012
Beclin	-0,30749	0,030434	-4,99438	4,16E-04	0,0015821
P-Cadherin	-0,30802	0,109523	-3,43219	0,005666	0,0135884
Rab25	-0,31623	-0,072747	-4,07211	0,001876	0,005516
Mnk1	-0,31864	0,168786	-2,7471	0,019118	0,037778
cdc25C	-0,32948	0,176967	-2,05459	0,064672	0,1004658
ATM_pS19	-0,33532	0,002799	-7,52054	1,23E-05	1,12E-04
MIF	-0,34484	-0,038735	-4,13008	0,001701	0,0050618
G6PD	-0,35346	-0,118073	-2,2265	0,048009	0,080123
PR	-0,35651	0,049608	-6,40147	5,26E-05	3,02E-04
FAK_pY397	-0,35757	0,306504	-0,85553	0,410652	0,4853166
DM-Histon	-0,36085	0,075023	-4,6957	6,69E-04	0,0023286
Gab2	-0,36871	0,167786	-1,26068	0,233719	0,3023821
Tuberin_pT	-0,37218	0,042294	-4,68225	6,84E-04	0,0023466
STAT5-alpha	-0,40104	-0,212767	-2,65449	0,022546	0,0431703
CD4	-0,41325	0,069014	-5,17645	3,14E-04	0,0012104
ERCC5	-0,419	-0,018824	-3,96449	0,002252	0,0065448
GSK-3a-b_f	-0,42261	0,040381	-1,99485	0,071644	0,1085653
VEGFR-2	-0,42756	0,070836	-2,55996	0,026672	0,0488002
Fibronectin	-0,4348	-0,068722	-0,80195	0,439698	0,5122902
Rictor_pT1	-0,44919	-0,011196	-2,89756	0,014621	0,0291246
SOD2	-0,44982	0,008572	-6,68145	3,60E-05	2,41E-04
BRD4	-0,45613	-0,010498	-6,96157	2,49E-05	1,86E-04
PAK4	-0,46359	0,132529	-4,87975	4,99E-04	0,0018389
Hexokinase	-0,46452	0,025019	-7,4514	1,34E-05	1,18E-04

PR	-0,09048	0,287013	-1,77088	0,124464	0,1592882
Atg3	-0,09665	0,16516	-0,84611	0,428357	0,4809286
CD134	-0,09835	0,158608	-1,7218	0,133374	0,1680785
TIGAR	-0,09866	-0,031474	-1,83394	0,113861	0,1472443
Stat3	-0,10554	0,514912	-2,07753	0,080657	0,1100685
eIF4G	-0,1067	-0,10443	-1,39794	0,209231	0,2508744
AMPK-a2_j	-0,11848	-0,252242	-1,3651	0,21882	0,2611044
Rab11	-0,11934	-0,195639	-1,11099	0,307043	0,3543911
XBP1	-0,12292	0,094257	-2,48741	0,045337	0,0654866
TAZ	-0,12631	-0,018387	-1,53397	0,173452	0,2120923
ERCC5	-0,12795	0,247226	-1,15828	0,28864	0,3362926
b-Catenin	-0,12941	-0,007183	-1,28495	0,243892	0,2882362
IRF-1	-0,13009	0,014927	-2,03833	0,085258	0,1157078
Heregulin	-0,13374	-0,254981	-2,65088	0,036161	0,0528507
OCT4	-0,13794	0,10459	-2,72506	0,032665	0,0488979
FoxO3a	-0,13835	0,061959	-2,61028	0,03824	0,0555612
Cyclin_D1	-0,14334	-0,106339	-2,13945	0,073894	0,1013985
E-Cadherin	-0,14595	-1,573026	-0,44404	0,671813	0,7246191
MMP2	-0,14934	0,002127	-2,8531	0,027448	0,0426387
B-Raf_pS44	-0,15844	0,055994	-2,77263	0,030613	0,0466748
G6PD	-0,16386	0,072803	-1,40337	0,207682	0,2502312
Creb	-0,16469	0,062356	-3,28144	0,015578	0,0261749
Smad1	-0,17317	-0,044635	-2,91578	0,025225	0,0396852
MSH6	-0,18649	-0,043836	-2,31558	0,057649	0,0813681
TTF1	-0,20318	0,052673	-4,3103	0,004466	0,0095913
INPP4b	-0,20844	0,033968	-3,0191	0,021972	0,0347891
HSP70	-0,20846	-0,365392	-1,98403	0,092073	0,1242738
Jak2	-0,21235	0,04166	-3,77507	0,008384	0,015115
DM-Histon	-0,22316	0,236368	-3,83638	0,007783	0,0143458
PD-L1	-0,22352	0,081866	-4,11713	0,005577	0,0110677
GSK-3a-b_j	-0,22529	0,250974	-4,24644	0,004803	0,0101314
p44-42-MA	-0,22796	0,137085	-4,1135	0,005601	0,0110677
N-Cadherin	-0,23219	0,019196	-4,78009	0,002661	0,0061419
PEA15_pS1	-0,23367	-0,200361	-1,60621	0,156849	0,1956648
cdc25C	-0,23414	0,306053	-1,84101	0,112729	0,1465474
Stat3_pY70	-0,23629	0,395886	-5,00692	0,002095	0,0051244
ZAP-70	-0,23925	0,178742	-3,47374	0,012184	0,0208984
Rictor_pT1	-0,24618	0,208616	-5,06932	0,001965	0,0049116
ER-alpha	-0,24776	0,063404	-4,6993	0,002902	0,0066368
Rab25	-0,25567	0,032587	-4,47119	0,003726	0,0081454
Rad51	-0,26234	0,171627	-3,13177	0,018932	0,0307647
HER3_pY12	-0,26425	0,083933	-4,52409	0,003514	0,0078198
EGFR	-0,2702	-0,329884	-1,42435	0,201796	0,2443318
ATM_pS19	-0,2758	0,111675	-5,53879	0,001229	0,0033368
Beclin	-0,28202	0,112803	-5,74327	0,001011	0,0028377
HER3	-0,28705	-0,064588	-4,18439	0,005159	0,0105306
PDHK1	-0,2881	0,170248	-4,58055	0,003302	0,0074152
NF-kB-p65	-0,29675	-0,299014	-4,50104	0,003605	0,0079502
SOD2	-0,31034	0,190406	-5,81696	9,43E-04	0,0027094
p38_MAPK	-0,31181	0,090537	-5,08912	0,001925	0,0049116
JNK_pT183	-0,3144	0,055657	-6,22359	6,51E-04	0,0020354
Hexokinase	-0,32089	0,212545	-5,7514	0,001003	0,0028377
CD4	-0,3285	0,210027	-3,89766	0,007229	0,0135278
Axl	-0,34568	0,238258	-6,02639	7,77E-04	0,0023137
p70-S6K1	-0,34604	0,022775	-6,00728	7,91E-04	0,0023264
Tuberin_pT	-0,34867	0,137605	-6,78324	4,02E-04	0,0013797
B7-H4	-0,35764	0,196086	-7,28396	2,68E-04	9,60E-04
MIF	-0,35975	0,027556	-7,53573	2,21E-04	8,26E-04
53BP1	-0,36826	-0,440424	-2,78543	0,030084	0,0461539
Granzyme-	-0,36875	0,378485	-4,9506	0,002222	0,0053806
PKM2	-0,36988	0,193229	-5,66983	0,001084	0,0030082
Collagen_v	-0,38936	0,359319	-3,44023	0,012712	0,0216539
Mnk1	-0,39088	0,194965	-5,10519	0,001894	0,0049116
Merlin	-0,39201	-0,407113	-3,48727	0,011977	0,0206882
PAR	-0,41043	-0,597385	-3,94903	0,006799	0,0130871
b-Actin	-0,41302	-0,225716	-5,63988	0,001115	0,0030611
BRD4	-0,41397	0,114319	-6,88796	3,69E-04	0,001283
PDK1_pS24	-0,42338	0,016233	-6,74715	4,14E-04	0,0013834
ULK1_pS75	-0,42631	0,268754	-6,28088	6,19E-04	0,0019593

Atg3	-0,46667	-0,158672	-4,70623	6,58E-04	0,0023222
p44-42-MA	-0,48204	-0,120539	-3,22509	0,008167	0,0186778
B7-H4	-0,49165	0,008408	-8,41028	4,28E-06	6,21E-05
PKM2	-0,5135	-0,004977	-2,67252	0,021835	0,0421338
SHP-2_pY5	-0,52558	-0,033828	-5,68291	1,46E-04	6,45E-04
PDHK1	-0,53004	-0,09056	-9,83574	9,32E-07	2,09E-05
ULK1_pS75	-0,60626	0,028512	-6,83676	2,93E-05	2,07E-04
B-Raf	-0,62237	0,028469	-5,20918	2,98E-04	0,001188
TFAM	-0,63463	0,208887	-3,86464	0,002672	0,0076739
Axl	-0,64741	-0,084037	-7,38521	1,45E-05	1,24E-04
S6_pS240	-0,69437	-0,196608	-1,51629	0,157871	0,2166337
WIPI2	-0,71436	0,135735	-3,69479	0,003582	0,00961
Collagen_V	-0,71767	0,005751	-7,86435	8,08E-06	8,92E-05
PKC-alpha	-0,72069	-0,189548	-3,85003	0,00274	0,0077785
MEK1	-0,73088	0,271173	-5,64225	1,55E-04	6,73E-04
Stat3_pY7C	-0,7391	-0,067062	-7,84177	8,30E-06	8,92E-05
NDRG1_pT	-0,74879	0,569197	-2,08564	0,061304	0,0959359
Caveolin-1	-0,77492	0,094879	-2,19405	0,050804	0,0831027
HSP27_pS8	-0,81976	0,102724	-6,4187	5,14E-05	3,02E-04
PMS2	-0,83606	0,28608	-7,01512	2,32E-05	1,79E-04
IGFRb	-0,85389	-0,226573	-8,50891	3,82E-06	5,90E-05
LDHA	-0,86714	0,035181	-6,00222	9,21E-05	4,46E-04
TSC1	-0,88574	-0,037883	-6,09638	8,05E-05	4,06E-04
Atg7	-0,89547	0,079798	-6,81611	3,01E-05	2,07E-04
Granzyme-	-0,90222	-0,138443	-10,3752	5,48E-07	1,50E-05
AMPK_pT1	-0,98203	-0,097621	-5,5402	1,81E-04	7,69E-04
Glutamina:	-0,9895	-0,064521	-5,18491	3,10E-04	0,0012104
LC3A-B	-1,00888	0,145092	-9,86349	9,06E-07	2,09E-05
Gys_pS641	-1,07199	-0,079185	-15,6395	8,13E-09	5,02E-07
YAP_pS127	-1,07328	-0,052866	-6,0415	8,70E-05	4,30E-04
TFRC	-1,08901	0,387694	-5,3443	2,43E-04	0,0010155
Stat3	-1,17491	-0,383054	-4,7085	6,56E-04	0,0023222
MYH11	-1,17492	0,096037	-6,28033	6,22E-05	3,42E-04
p70S6K_pT	-1,23478	-0,039359	-6,59755	4,03E-05	2,62E-04
Cyclin_B1	-1,30657	0,212369	-12,9819	5,63E-08	2,32E-06
Gys	-1,34938	-0,101855	-18,948	1,07E-09	1,33E-07
Cox-IV	-1,37704	0,154718	-11,6248	1,74E-07	6,15E-06
Myosin-IIa	-1,42752	0,113416	-7,65622	1,04E-05	1,03E-04
PLK1	-1,44787	0,096759	-9,42633	1,42E-06	2,91E-05
TRIM25	-1,51165	0,044582	-7,62208	1,08E-05	1,03E-04
S6_pS235	-1,63268	-0,119137	-2,68167	0,021482	0,041779
MCT4	-2,06196	-0,369449	-8,01736	6,74E-06	8,49E-05
PDGFR-b	-4,12457	-0,927044	-45,2463	9,13E-14	2,25E-11

SHP-2_pY5	-0,44676	0,128133	-7,35017	2,55E-04	9,25E-04
LDHA	-0,44762	0,476085	-8,05559	1,50E-04	6,38E-04
Glutamate-	-0,45124	-0,004813	-8,2162	1,34E-04	6,00E-04
eEF2K	-0,4514	0,054703	-3,15247	0,018425	0,0301385
PREX1	-0,45485	0,110573	-4,87965	0,002394	0,0056852
4E-BP1	-0,47156	-0,159597	-7,88824	1,69E-04	6,86E-04
Cox2	-0,47292	-1,051796	-7,54332	2,19E-04	8,26E-04
P-Cadherin	-0,4765	0,075639	-5,44259	0,00135	0,0035975
Jagged1	-0,48167	-0,095837	-9,99258	4,19E-05	2,20E-04
MEK1	-0,48188	0,58004	-7,78747	1,83E-04	7,27E-04
Caveolin-1	-0,4844	0,438262	-4,86887	0,002421	0,0056956
MCT4	-0,49846	1,018534	-6,5153	5,04E-04	0,0016613
PEA15	-0,49975	0,049919	-3,19957	0,017324	0,028719
TFAM	-0,52316	0,414235	-6,14579	6,98E-04	0,0021397
WIPI2	-0,52497	0,405226	-2,88814	0,026181	0,0409279
VASP	-0,5466	-0,637872	-6,32922	5,93E-04	0,001902
YAP_pS127	-0,59724	0,466929	-11,6211	1,69E-05	1,16E-04
B-Raf	-0,61625	0,167933	-13,0013	8,51E-06	6,70E-05
Gys	-0,69854	0,583061	-13,0449	8,34E-06	6,70E-05
PKC-alpha	-0,70746	-0,024366	-13,1365	7,99E-06	6,70E-05
VEGFR-2	-0,73937	-0,022961	-13,2104	7,72E-06	6,70E-05
Gys_pS641	-0,75884	0,342594	-14,9396	3,62E-06	3,58E-05
PAK4	-0,77163	0,048855	-14,9624	3,59E-06	3,58E-05
S6_pS235	-0,77487	0,751764	-4,92621	0,002279	0,0054662
Glutamina:	-0,77798	0,278284	-11,5562	1,75E-05	1,17E-04
FAK_pY397	-0,8357	0,097646	-12,5867	1,04E-05	7,77E-05
PMS2	-0,87153	0,44721	-10,5314	3,06E-05	1,80E-04
Atg7	-0,88232	0,28306	-18,5744	9,40E-07	1,11E-05
TFRC	-0,89641	0,740853	-5,06731	0,001969	0,0049116
HSP27_pS8	-0,91256	0,225903	-11,3629	1,93E-05	1,22E-04
p70S6K_pT	-0,94837	0,401891	-7,75291	1,87E-04	7,34E-04
LC3A-B	-1,03592	0,348992	-17,8253	1,21E-06	1,36E-05
TSC1	-1,05448	0,054131	-20,1759	5,62E-07	8,67E-06
MYH11	-1,14658	0,369384	-21,5179	3,76E-07	6,94E-06
Cyclin_B1	-1,16717	0,581082	-23,7859	2,01E-07	4,51E-06
NDRG1_pT	-1,23107	0,443207	-22,2046	3,09E-07	6,36E-06
Cox-IV	-1,23267	0,541782	-18,8318	8,63E-07	1,11E-05
PLK1	-1,26306	0,523547	-19,7823	6,35E-07	9,23E-06
Myosin-IIa	-1,37016	0,459287	-10,0217	4,12E-05	2,20E-04
TRIM25	-1,37016	0,459287	-10,0217	4,12E-05	2,20E-04
p16_INK4a	-1,65739	-0,777213	-27,0609	8,95E-08	2,76E-06
Gab2	-1,68271	-0,540172	-27,826	7,52E-08	2,65E-06
PDGFR-b	-2,43191	0,988457	-45,7566	3,29E-09	2,03E-07

PAICS	-0,30731	-0,15572	-5,0976	2,75E-04	0,0021143	-0,48504
DVL3	-0,31665	0,097953	-6,21043	4,80E-05	5,31E-04	1,34919
mTOR	-0,31753	0,02475	-5,68632	1,07E-04	0,0010014	0,506244
Akt1	-0,32109	-0,036534	-1,77286	0,101971	0,2044161	-6,41284
Stat3_pY705	-0,3245	0,23668	-3,64101	0,003457	0,0163746	-3,10895
ERRalpha	-0,32454	-0,060608	-5,79938	8,97E-05	8,78E-04	0,691262
eEF2K	-0,33215	0,045657	-3,22723	0,007378	0,0308748	-3,87829
MLKL	-0,33376	-0,032043	-2,70875	0,019206	0,0587069	-4,83147
Wee1	-0,33378	-0,01496	-2,47799	0,029316	0,0801925	-5,24429
MITF	-0,33833	0,104632	-6,35878	3,86E-05	4,86E-04	1,580981
RPA32	-0,34532	-0,242082	-5,47934	1,48E-04	0,0012646	0,163012
Jak2	-0,34611	0,117213	-3,97961	0,001877	0,0102422	-2,48265
VAV1	-0,35286	-0,053778	-3,09766	0,00937	0,0363294	-4,11854
p38-MAPK	-0,35463	0,104174	-5,96883	6,91E-05	7,09E-04	0,965284
PTEN	-0,35736	0,327711	-5,061	2,92E-04	0,0021683	-0,54816
GCN5L2	-0,37165	-0,152105	-7,11823	1,31E-05	2,10E-04	2,721295
Tyro3	-0,38247	0,007668	-6,64415	2,55E-05	3,55E-04	2,018466
p70-S6K1	-0,39486	0,134162	-5,50817	1,41E-04	0,0012445	0,211165
Src_pY527	-0,39616	0,028145	-5,38593	1,72E-04	0,0014253	0,006224
Rictor	-0,39956	0,284828	-6,17974	5,03E-05	5,42E-04	1,300876
Heregulin	-0,4105	0,529459	-5,11474	2,67E-04	0,002093	-0,45554
PLC-gamma2_pY759	-0,42675	-0,048337	-4,85309	4,12E-04	0,0029141	-0,91
Akt	-0,4348	-0,027398	-6,82411	1,98E-05	2,88E-04	2,288736
Akt2_pS474	-0,44435	0,456442	-5,5679	1,29E-04	0,0011693	0,310577
Mcl-1	-0,44681	0,126503	-5,88719	7,83E-05	7,85E-04	0,833756
PKA-a	-0,45301	-0,147499	-5,47293	1,50E-04	0,0012646	0,152283
PHLPP	-0,45585	0,138066	-7,96525	4,30E-06	8,25E-05	3,905764
Sox2	-0,46061	0,345513	-7,94658	4,40E-06	8,25E-05	3,880591
GAPDH	-0,46402	-0,093054	-6,51693	3,06E-05	4,13E-04	1,824783
Akt1_pS473	-0,47762	0,132057	-7,75171	5,65E-06	1,02E-04	3,615459
Stat5a	-0,50318	0,376954	-6,37435	3,77E-05	4,86E-04	1,605132
RRM2	-0,52111	0,068136	-5,78366	9,19E-05	8,80E-04	0,665629
b-Actin	-0,5242	-0,123301	-5,56055	1,30E-04	0,0011693	0,298364
Shc_pY317	-0,5344	0,048967	-6,23445	4,64E-05	5,26E-04	1,386934
Stat3	-0,54545	0,455546	-4,81689	4,38E-04	0,003047	-0,97355
JNK_pT183_Y185	-0,5871	0,06726	-6,10202	5,65E-05	5,94E-04	1,177915
FAK_pY397	-0,655	0,127547	-5,15556	2,50E-04	0,0019937	-0,38541
MMP14	-0,68302	-0,048973	-10,5751	2,21E-07	5,96E-06	7,057217
c-Met_pY1234_Y1235	-0,6895	-0,612021	-6,81436	2,00E-05	2,88E-04	2,274211
Src_pY416	-0,71654	0,071301	-6,95875	1,64E-05	2,52E-04	2,488164
HER2_pY1248	-0,72084	0,074269	-5,08225	2,82E-04	0,0021304	-0,5115
HES1	-0,72648	-0,136402	-2,76109	0,017441	0,0548696	-4,73656
FRS2-a_pY196	-0,79217	0,09159	-6,24453	4,57E-05	5,26E-04	1,402745
cdc2_pY15	-0,80946	-0,23913	-11,0781	1,34E-07	3,85E-06	7,591198
Coup-TFII	-0,84072	0,178384	-11,8459	6,44E-08	2,14E-06	8,367896
Chk1	-0,85974	-0,197309	-15,041	4,50E-09	2,16E-07	11,18095
DUSP6	-0,90276	0,129979	-15,1602	4,12E-09	2,16E-07	11,27484
SHP-2_pY542	-0,91189	0,322221	-7,1277	1,30E-05	2,10E-04	2,735042
Rad51	-0,92203	0,041121	-8,78008	1,59E-06	3,26E-05	4,965088
Connexin-43	-1,00379	-0,052007	-18,3876	4,58E-10	3,78E-08	13,57667
Pyk2_pY402	-1,02345	0,131592	-8,81671	1,52E-06	3,26E-05	5,010972
Hif-1-alpha	-1,04734	0,203091	-9,8255	4,87E-07	1,10E-05	6,220818
Snail	-1,38606	0,389254	-18,747	3,67E-10	3,78E-08	13,80784

PKC-b-II_pI	-0,14893	0,022917	-1,32892	0,208933	0,5484457	-6,61656
Rictor	-0,1544	0,284828	-2,38797	0,03453	0,2450007	-4,99167
EMA	-0,15474	0,046986	-0,71361	0,489307	0,838916	-7,23675
IDO	-0,15487	-0,045778	-1,33572	0,206767	0,5484457	-6,60804
ATM	-0,15562	0,084602	-1,48376	0,164015	0,509804	-6,41498
PHLPP	-0,15905	0,138066	-2,77914	0,01687	0,1656751	-4,29492
PAK4	-0,16293	0,010678	-3,27263	0,006787	0,0886378	-3,38785
Akt	-0,16642	-0,027398	-2,61191	0,022946	0,1939187	-4,5963
ATRX	-0,16836	0,050761	-1,53137	0,151966	0,502496	-6,34991
GCLC	-0,1712	-0,02283	-2,37336	0,035457	0,2450007	-5,01705
FOXO3	-0,1723	0,039835	-1,67056	0,121025	0,4616099	-6,15204
PLC-gamma1	-0,17834	-0,048337	-2,02811	0,065676	0,3277096	-5,59866
Erk5	-0,18134	-0,046955	-2,39804	0,033905	0,2450007	-4,97413
VASP	-0,18221	0,087681	-2,68052	0,020229	0,1816439	-4,47319
Gab2	-0,18294	0,045631	-2,14896	0,053053	0,2931512	-5,3995
MLKL	-0,18411	-0,032043	-1,4942	0,161307	0,509804	-6,40084
53BP1	-0,18424	0,410082	-2,10585	0,057269	0,3105905	-5,47115
Akt1	-0,18804	-0,036534	-1,03822	0,319917	0,676246	-6,94863
GSK-3B	-0,18819	0,32798	-1,83018	0,092514	0,3801027	-5,91233
Akt1_pS47	-0,18971	0,132057	-3,07886	0,009701	0,1226175	-3,74609
p53	-0,1926	0,265969	-2,25128	0,04419	0,2645265	-5,22698
PRAS40_p1	-0,19377	0,125751	-3,76293	0,002772	0,0522848	-2,47979
FRS2-a_pY	-0,19741	0,09159	-1,55616	0,146001	0,4944847	-6,3155
p70-S6K_p	-0,19983	0,269091	-1,59917	0,136127	0,4848836	-6,25491
GAPDH	-0,20186	-0,093054	-2,83502	0,015218	0,1561705	-4,19331
PKD1	-0,20918	-0,003713	-2,3071	0,039968	0,2610029	-5,13151
PTPN12	-0,2106	0,448663	-3,71753	0,003009	0,0522848	-2,56363
4E-BP1_pT	-0,21502	-0,149083	-2,76025	0,017468	0,1656751	-4,32919
Sifn11	-0,21667	-0,015227	-1,48223	0,164415	0,509804	-6,41704
Akt2_pS47	-0,21976	0,456442	-2,75364	0,017682	0,1656751	-4,34116
JNK_pT183	-0,22435	0,06726	-2,33181	0,038225	0,2534579	-5,08896
Rad23A	-0,22733	-0,014213	-1,28859	0,222167	0,5534901	-6,66638
Src_pY416	-0,22829	0,071301	-2,21701	0,046989	0,2736773	-5,28513
Akt_pT308	-0,23395	0,127704	-3,38497	0,00552	0,0793074	-3,17963
FAK_pY397	-0,23423	0,127547	-1,84365	0,090409	0,3783138	-5,89152
Pyk2_pY40	-0,23779	0,131592	-2,04848	0,063368	0,3251399	-5,56547
Akt_pS473	-0,24707	0,399518	-2,47815	0,029308	0,2177851	-4,83377
Gys_pS641	-0,24799	0,273752	-3,0151	0,010914	0,1237839	-3,86353
ULK1_pS75	-0,25007	0,319938	-4,66656	5,65E-04	0,0203077	-0,84296
mTOR	-0,26135	0,02475	-4,68024	5,52E-04	0,0203077	-0,8188
Src_pY527	-0,26204	0,028145	-3,56249	0,003989	0,0614001	-2,85053
IGF1R_pY1	-0,26236	-0,141052	-4,24708	0,001169	0,0296286	-1,59372
c-Met_pY1	-0,26245	-0,612021	-2,59384	0,02372	0,1965997	-4,6286
PTEN	-0,26701	0,327711	-3,78148	0,00268	0,0522848	-2,44556
mTOR_pS2	-0,2714	0,087497	-3,75756	0,002799	0,0522848	-2,48969
WIPI2	-0,27549	-0,02897	-2,09508	0,058371	0,3105905	-5,48895
SHP-2_pY5	-0,29038	0,322221	-2,26975	0,042748	0,2645265	-5,19549
Shc_pY317	-0,29926	0,048967	-3,49128	0,004543	0,0675184	-2,9825
Stat5a	-0,33847	0,376954	-4,28781	0,001088	0,0293093	-1,52003
HER2_pY12	-0,42823	0,074269	-3,01925	0,01083	0,1237839	-3,8559
S6_pS240	-0,43847	0,524502	-3,69037	0,003161	0,0523966	-2,61383
S6_pS235	-0,47719	0,525909	-2,61345	0,022882	0,1939187	-4,59355
JNK2	-0,55213	0,368288	-7,08148	1,38E-05	8,51E-04	3,03862

Table S8: Cell cycle distribution of the *MMTV-R26^{Met}* MGT cell lines - Statistical analysis.

		MGT2					MGT4					MGT9					MGT11					MGT13				
		G0	G1	S	G2	M	G0	G1	S	G2	M	G0	G1	S	G2	M	G0	G1	S	G2	M	G0	G1	S	G2	M
MGT7	G0	***					***					***					***					***				
	G1		***					***					***					***					***			
	S			*					***					***					***					***		
	G2				ns					***					***					***					***	
	M					ns					ns					ns					ns					ns
MGT2	G0						***					***					***					***				
	G1							*					***					ns					ns			
	S								***					***					***					ns		
	G2									***					ns					***					***	
	M										ns					ns					ns					ns
MGT4	G0											ns					ns					*				
	G1												ns					ns					***			
	S													ns					*					ns		
	G2														*					ns					**	
	M															ns					ns					ns
MGT9	G0																ns					**				
	G1																	***					***			
	S																		ns					**		
	G2																			ns					***	
	M																				ns					ns
MGT11	G0																					***				
	G1																						*			
	S																							***		
	G2																								***	
	M																									ns
MGT13	G0																									
	G1																									
	S																									
	G2																									
	M																									

Table S9: In vitro tumorigenic capacity of the *MMTV-R26^{Met}* cell lines, as determined by the tumour sphere assay - Statistical analysis.

		Passage 1								Passage 3			
		MGT2		MGT4		MGT11		MGT13		MGT11		MGT13	
		50-100µm	>100µm	50-100µm	>100µm	50-100µm	>100µm	50-100µm	>100µm	50-100µm	>100µm	50-100µm	>100µm
MGT7	50-100µm	0.034 (*)		0.086 (ns)		0.005 (**)		0.003 (**)					
	>100µm		0.116 (ns)		0.116 (ns)		<0.0001 (***)		0.007 (**)				
MGT2	50-100µm			0.113 (ns)		0.006 (**)		0.003 (**)					
	>100µm				>0.999 (ns)		<0.0001 (***)		0.008 (**)				
MGT4	50-100µm					0.055 (ns)		0.008 (**)		0.798 (ns)		0.032 (*)	
	>100µm						<0.0001 (***)		0.008 (**)		0.009 (**)		0.021 (*)
MGT11	50-100µm							0.039 (*)				0.019 (*)	
	>100µm								0.036 (*)				0.198 (ns)

Table S10 : Migrating capacity of the *MMTV-R26^{Met}* cell lines - Statistical analysis.

	MGT7	MGT2	MGT4	MGT9	MGT11	MGT13
MGT7		0.2249 (ns)	0.0178 (*)	0.0002 (***)	<0.0001 (***)	<0.0001 (***)
MGT2			0.6052 (ns)	0.0139 (*)	0.0053 (**)	<0.0001 (***)
MGT4				0.4207 (ns)	0.2363 (ns)	<0.0001 (***)
MGT9					0.9987 (ns)	<0.0001 (***)
MGT11						0.0002 (***)
MGT13						

Table S11: Cell cycle distribution of MGT11 treated cells - Statistical analysis.

		A11					Adav					A11 + Adav				
		G0	G1	S	G2	M	G0	G1	S	G2	M	G0	G1	S	G2	M
no	G0	ns					ns					ns				
	G1		ns					ns					***			
	S			ns					ns					ns		
	G2				ns					***					***	
	M					ns					ns					ns
A11	G0						ns					ns				
	G1							***					*			
	S								ns					ns		
	G2									***					***	
	M										ns					ns
Adav	G0											ns				
	G1												ns			
	S													ns		
	G2														ns	
	M															ns
A11 + Adav	G0															
	G1															
	S															
	G2															
	M															

Table S12: Antibodies used in the study.

Antibody	Company	Reference	Dilution	Used for	TritonX-100 (%) for IF
Estrogen receptor alpha (ER α)	Santa Cruz	sc-8005	1:100	IHC	0.5 %
Progesteron receptor (PR)	Santa Cruz	sc-810	1:200	IHC	0.5 %
Human EGFR2 (HER2)	Cell Signaling	2165	1:200	IHC	0.2 %
MET	Santa Cruz	sc-10	1:50	IHC	0.2 %
Ki67	Cell Signaling	9129	1:400	IHC	0.5 %
Ki67	Dako	M7249	1:100	IF	0.1 %
Krt14	Covalab	Mab71720	1:500	IF	0.5 %
Krt18	Covalab	Mab20042	1:500	IF	0.5 %
human MET	Assay Design	905-076	1:150	IF	0.5 %
pY _{1234/35} MET	Cell Signaling	3126L	1:50	IF	0.5 %
pH3 (S10)	Millipore	06-570	1 : 500	IF	0.3 %
alpha-Tubulin	Sigma	T5168	1 : 5000	IF	0.3 %
Vimentin	Abcam	Ab-8979	1:100	IF	0.5 %
pS ₁₃₉ H2AX (γ H2AX)	Cell Signaling	9718	1 : 400	IF, WB	0.2 %
Actin	Sigma	A3853	1:6000	WB	
ATM	Cell Signaling	2873	1:1000	WB	
pS ₁₉₈₇ ATM	Invitrogen	PA5-37346	1:1000	WB	
ATR	Cell Signaling	13934	1:1000	WB	
pS ₄₂₈ ATR	Cell Signaling	2853	1:1000	WB	
pS ₄₇₃ AKT	Cell Signaling	9271	1:2000	WB	
BCL-XL	Transduction Laboratory	B22620	1:500	WB	
BIM	Santa Cruz	sc-11425	1:1000	WB	
Cleaved-Caspase 3	Cell Signaling	9661	1:1000	WB	
CDC2 (CDK1)	Cell Signaling	28493	1:20000	WB	
pY ₁₅ CDC2(CDK1)	Cell Signaling	4539	1:1000	WB	
pT _{202/204} ERKs	Cell Signaling	9106	1:10000	WB	
pY ₆₂₇ GAB1	Cell Signaling	3231	1:2000	WB	
MCL1	Santa Cruz	sc-819	1:1000	WB	
pS _{217/221} MEK	Cell Signaling	9121	1:1000	WB	
mouse MET	Santa Cruz	sc-8057	1:500	WB	
MET ^{25H2}	Cell Signaling	3127	1:1000	WB	
human MET	Santa Cruz	sc-161	1:1000	WB	

pY _{1234/35} MET	Cell Signaling	3126	1:2000	WB	
PARP	Cell Signaling	9546S	1:2000	WB	
P53	Novocastra	CM5	1:1000	WB	
pS ₁₅ P53	Cell Signaling	9284	1:1000	WB	
RB	Cell Signaling	9313	1:1000	WB	
pS ₇₉₅ RB	Abcam	Ab47474	1:1000	WB	
RPA32 (B-4)	Santa Cruz	sc-271578	1:200	WB	
pS ₃₃ RPA32	Bethyl	A300-246A	1:5000	WB	
RRM2	abbexa	Abx004031	1:5000	WB	
pY ₇₀₅ STAT3	Cell Signaling	9145S	1:2000	WB	
XIAP	Transduction laboratory	610716	1:3000	WB	
Goat anti-rabbit IgG- peroxidase	Jackson Immuno Research	115-035-144	1:4000	WB	
Goat anti-mouse IgG- peroxidase	Jackson Immuno Research	115-035-146	1:4000	WB	
CD24-BV421 (clone M1/29)	Biolegend	101826	1:400	FACS	
CD29-FITC (clone HMb1-1)	eBioscience	11-0291-82	1:400	FACS	
CD61-biotin (clone 2C9.G3)	eBioscience	13-0611-81	1:400	FACS	
anti-Ki67-APC (clone SolA15)	eBioscience	17-5698-82	1:200	FACS	
Streptavidin, APC-AF750	Invitrogen	SA1027	1:200	FACS	
Annexin V	eBioscience	88-8005-72	1:20	FACS	

Table S13: Drugs used for cell viability assays, with the indicated targets and the concentrations used.

Drug	Company	Target	Concentration (μ M)
3-Methyladenine (3MA)	TargetMol	Autophagy inhibitor	1mM
5-Fluorouracil (5-FU)	Targetmol	Thymidylate synthase (nucleotide synthesis)	0.4, 2, 10
A-1155463	Selleckchem/Targetmol	Bcl-xL	0.3, 1, 3, 10
ABT-737	Selleckchem	Bcl-2,Bcl-xL,Bcl-w	1, 3, 10
ABT-199	Selleckchem	Bcl-2	1, 3, 10
Adavosertib	Selleckchem	Wee1	1, 3, 10
Adavosertib(MK-1775)	Targetmol	Wee1	1, 3, 10
AZD6738	Targetmol	ATR	1, 3, 10
CB-839	Selleckchem	Glutaminase	1, 3, 10
Cisplatin	MedChem Express	DNA replication	1, 3, 10
Docetaxel	Targetmol	Beta-tubulin (microtubule inhibitor)	0.4, 2, 10
Doxorubicin	Targetmol	intercalating agent	0.04, 0.2, 1
Erastin	TargetMol	Ferroptosis inducer	0,5 - 1
Ferostatin-1	TargetMol	Ferroptosis inhibitor	10, 20, 50, 100
Gefitinib	Calbiochem	EGFR	1, 3, 10
JNJ-7706621	Selleckchem	pan-Cdk, Aurora A/B	1, 3, 10
LY294002	Calbiochem	PI3K	1, 3, 10
Necrostatin-1	TargetMol	Necroptosis inhibitor	10, 20, 50, 100
Olaparib	TargetMol	PARP1/PARP2	1, 3, 10
PF-431396	Selleckchem	Pyk2/Fak	1, 3, 10
PHA-665752	Tocris Bioscience	Met	0.3, 1, 3
R547	Selleckchem/Sigma	Cdk1/2/4	1, 3, 10
SB225022	TargetMol	CXCR antagonist	1, 3, 10
Selumetinib	Selleckchem	Mek1/2	1, 3, 10
Sorafenib	Selleckchem	Raf-1, B-Raf, Vegfr2, Pdgfr β , Flt3,Kit	1, 3, 10
Staurosporine	TargetMol	Apoptosis inducer	150nM
WEHI-539	Apexbio	Bcl-xL	1, 3, 10
Z-VAD-FMK	TargetMol	Apoptosis inhibitor	10, 20, 50, 100

Table S14: Oligonucleotides used for RT-qPCR experiments.

Oligonucleotide (name)	Sequence (Forward)	Sequence (Reverse)
<i>Met</i> EXT(mouse)	GTTCTGCTTGGCAACGAGAGCT	GGAGAATGCACTGTATTGCGTCG
<i>Met</i> (mouse)	GAATTGTCTGCCATTACAGG	CAGCTCTTACTGTTATTGGCGC
<i>Met</i> (human)	CTGAAGCCGTTTTATGCAGC	GCCACAGGAAAAACCCAAGTAG
<i>Hgf</i>	GTCCTGAAGGCTCAGACTTGGT	CCAGCCGTAAATACTGCAAGTGG
<i>B2M</i>	ACAGTTCCACCCGCCTCACATT	TAGAAAGACCAGTCCTTGCTGAAG

Table S15: Proliferation capacity (mitotic index) of the *MMTV-R26^{Met}* cell lines - Statistical analysis.

	MGT7	MGT2	MGT4	MGT9	MGT11	MGT13
MGT7		0.549 (ns)	<0.0001 (***)	<0.0001 (***)	<0.0001 (***)	<0.0001 (***)
MGT2			<0.0001 (***)	<0.0001 (***)	<0.0001 (***)	<0.0001 (***)
MGT4				0.8339 (ns)	0.6485 (ns)	0.9936 (ns)
MGT9					0.9996 (ns)	0.9824 (ns)
MGT11						0.9121 (ns)
MGT13						