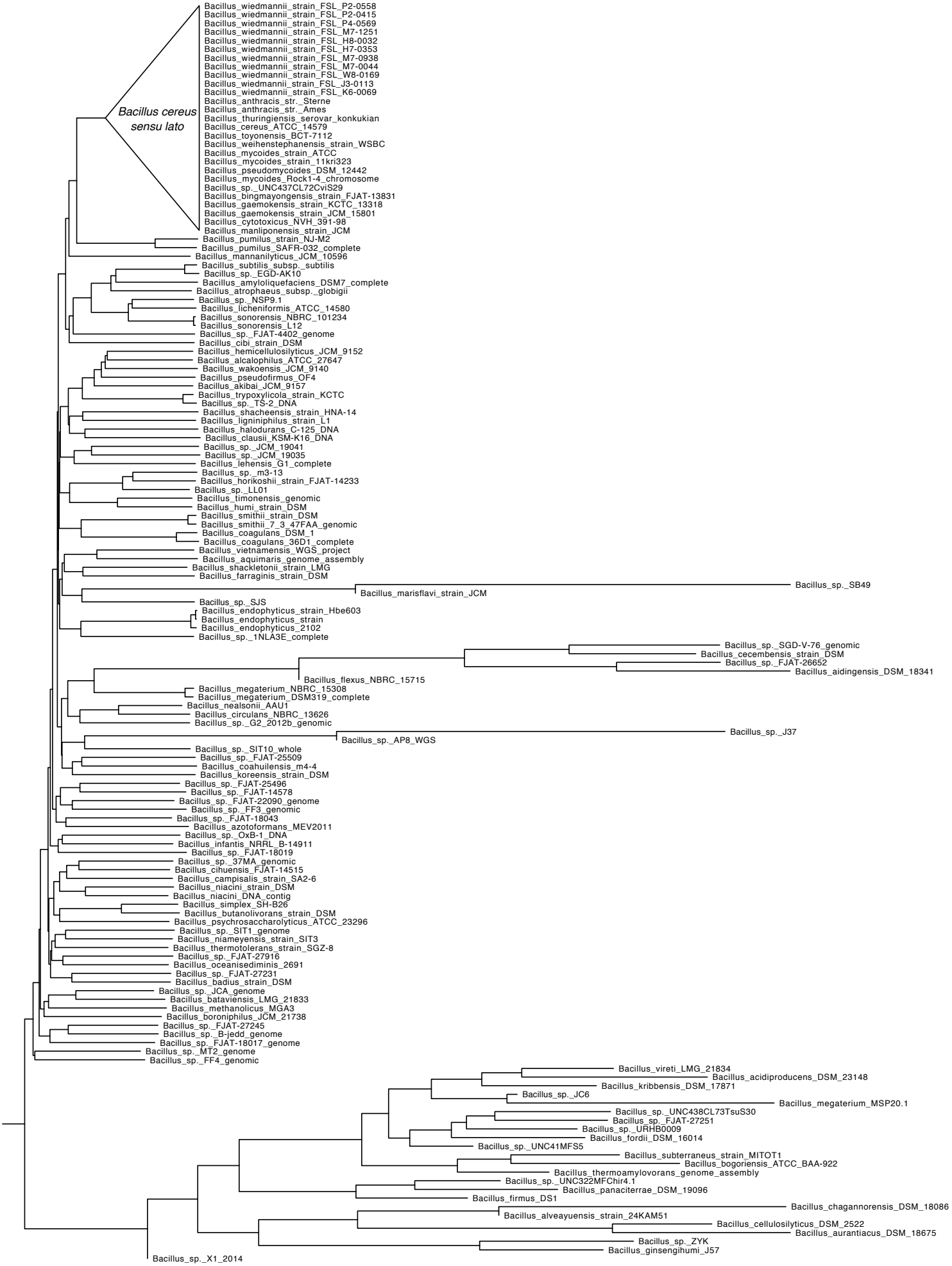
Bacillus cereus sensu lato
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_P2-0558
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_P2-0415
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_P4-0569
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_M7-1251
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_H8-0032
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_H7-0353
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_M7-0938
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_M7-0044
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_W8-0169
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_J3-0113
Bacillus_wiedmannii_strain_FSL_K6-0069
Bacillus_anthracis_str._Sterne
Bacillus_anthracis_str._Ames
Bacillus_thuringiensis_serovar_konkukian
Bacillus_cereus_ATCC_14579
Bacillus_toyonensis_BCT-7112
Bacillus_weihenstephanensis_strain_WSBC
Bacillus_mycoides_strain_ATCC
Bacillus_mycoides_strain_11kri323
Bacillus_pseudomycoides_DSM_12442
Bacillus_mycoides_Rock1-4_chromosome
Bacillus_sp._UNC437CL72CviS29
Bacillus_bingmayongensis_strain_FJAT-13831
Bacillus_gaemokensis_strain_KCTC_13318
Bacillus_gaemokensis_strain_JCM_15801
Bacillus_cytotoxicus_NVH_391-98
Bacillus_manliponensis_strain_JCM
Bacillus_pumilus_strain_NJ-M2
Bacillus_pumilus_SAFR-032_complete
Bacillus_mannanilyticus_JCM_10596
Bacillus_subtilis_subsp._subtilis
Bacillus_sp._EGD-AK10
Bacillus_amyloliquefaciens_DSM7_complete
Bacillus_atrophaeus_subsp._globigii
Bacillus_sp._NSP9.1
Bacillus_licheniformis_ATCC_14580
Bacillus_sonorensis_NBRC_101234
Bacillus_sonorensis_L12
Bacillus_sp._FJAT-4402_genome
Bacillus_cibi_strain_DSM
Bacillus_hemicellulosilyticus_JCM_9152
Bacillus_alcalophilus_ATCC_27647
Bacillus_wakoensis_JCM_9140
Bacillus_pseudofirmus_OF4
Bacillus_akibai_JCM_9157
Bacillus_trypoxylicola_strain_KCTC
Bacillus_sp._TS-2_DNA
Bacillus_shacheensis_strain_HNA-14
Bacillus_ligniniphilus_strain_L1
Bacillus_halodurans_C-125_DNA
Bacillus_clausii_KSM-K16_DNA
Bacillus_sp._JCM_19041
Bacillus_sp._JCM_19035
Bacillus_lehensis_G1_complete
Bacillus_sp._m3-13
Bacillus_horikoshii_strain_FJAT-14233
Bacillus_sp._LL01
Bacillus_timonensis_genomic
Bacillus_humi_strain_DSM
Bacillus_smithii_strain_DSM
Bacillus_smithii_7_3_47FAA_genomic
Bacillus_coagulans_DSM_1
Bacillus_coagulans_36D1_complete
Bacillus_vietnamensis_WGS_project
Bacillus_aquimaris_genome_assembly
Bacillus_shackletonii_strain_LMG
Bacillus_farraginis_strain_DSM
Bacillus_sp._SB49
Bacillus_marisflavi_strain_JCM
Bacillus_sp._SJS
Bacillus_endophyticus_strain_Hbe603
Bacillus_endophyticus_strain
Bacillus_endophyticus_2102
Bacillus_sp._1NLA3E_complete
Bacillus_sp._SGD-V-76_genomic
Bacillus_cecembensis_strain_DSM
Bacillus_sp._FJAT-26652
Bacillus_aidingensis_DSM_18341
Bacillus_flexus_NBRC_15715
Bacillus_megaterium_NBRC_15308
Bacillus_megaterium_DSM319_complete
Bacillus_nealsonii_AAU1
Bacillus_circulans_NBRC_13626
Bacillus_sp._G2_2012b_genomic
Bacillus_sp._J37
Bacillus_sp._AP8_WGS
Bacillus_sp._SIT10_whole
Bacillus_sp._FJAT-25509
Bacillus_coahuilensis_m4-4
Bacillus_koreensis_strain_DSM
Bacillus_sp._FJAT-25496
Bacillus_sp._FJAT-14578
Bacillus_sp._FJAT-22090_genome
Bacillus_sp._FF3_genomic
Bacillus_sp._FJAT-18043
Bacillus_azotoformans_MEV2011
Bacillus_sp._OxB-1_DNA
Bacillus_infantis_NRRL_B-14911
Bacillus_sp._FJAT-18019
Bacillus_sp._37MA_genomic
Bacillus_cihuensis_FJAT-14515
Bacillus_campisalis_strain_SA2-6
Bacillus_niacini_strain_DSM
Bacillus_niacini_DNA_contig
Bacillus_simplex_SH-B26
Bacillus_butanolivorans_strain_DSM
Bacillus_psychrosaccharolyticus_ATCC_23296
Bacillus_sp._SIT1_genome
Bacillus_niameyensis_strain_SIT3
Bacillus_thermotolerans_strain_SGZ-8
Bacillus_sp._FJAT-27916
Bacillus_oceanisediminis_2691
Bacillus_sp._FJAT-27231
Bacillus_badius_strain_DSM
Bacillus_sp._JCA_genome
Bacillus_bataviensis_LMG_21833
Bacillus_methanolicus_MGA3
Bacillus_boroniphilus_JCM_21738
Bacillus_sp._FJAT-27245
Bacillus_sp._B-jedd_genome
Bacillus_sp._FJAT-18017_genome
Bacillus_sp._MT2_genome
Bacillus_sp._FF4_genomic
Bacillus_vireti_LMG_21834
Bacillus_acidiproducens_DSM_23148
Bacillus_kribbensis_DSM_17871
Bacillus_sp._JC6
Bacillus_megaterium_MSP20.1
Bacillus_sp._UNC438CL73TsuS30
Bacillus_sp._FJAT-27251
Bacillus_sp._URHB0009
Bacillus_fordii_DSM_16014
Bacillus_sp._UNC41MFS5
Bacillus_subterraneus_strain_MITOT1
Bacillus_bogoriensis_ATCC_BAA-922
Bacillus_thermoamylovorans_genome_assembly
Bacillus_sp._UNC322MFChir4.1
Bacillus_panaciterrae_DSM_19096
Bacillus_firmus_DS1
Bacillus_chagannorensis_DSM_18086
Bacillus_alveayuensis_strain_24KAM51
Bacillus_cellulosilyticus_DSM_2522
Bacillus_aurantiacus_DSM_18675
Bacillus_sp._ZYK
Bacillus_ginsengihumi_J57
Bacillus_sp._X1_2014
0.1